

MAXimal

[home](#)[algo](#)[bookz](#)[forum](#)[about](#)добавлено: 5 Aug 2011 1:55
редактировано: 5 Aug 2011 1:55

Поиск мостов в режиме онлайн

Пусть дан неориентированный граф. Мостом называется такое ребро, удаление которого делает граф несвязным (или, точнее, увеличивает число компонент связности). Требуется найти все мосты в заданном графе.

Неформально эта задача ставится следующим образом: требуется найти на заданной карте дорог все "важные" дороги, т.е. такие дороги, что удаление любой из них приведёт к исчезновению пути между какой-то парой городов.

Описываемый здесь алгоритм является **онлайновым**, что означает, что входной граф не является известным заранее, а рёбра в него добавляются по одному, и после каждого такого добавления алгоритм пересчитывает все мосты в текущем графе. Иными словами, алгоритм предназначен для эффективной работы на динамическом, изменяющемся графе.

Более строго, **постановка задачи** следующая. Изначально граф пустой и состоит из n вершин. Затем поступают запросы, каждый из которых — это пара вершин (a, b) , которые обозначают ребро, добавляемое в граф. Требуется после каждого запроса, т.е. после добавления каждого ребра, выводить текущее количество мостов в графе. (При желании можно поддерживать и список всех рёбер-мостов, а также явно поддерживать компоненты рёберной двусвязности.)

Описываемый ниже алгоритм работает за время $O(n \log n + m)$, где m — число запросов. Алгоритм основан на [структуре данных "система непересекающихся множеств"](#).

Приведённая реализация алгоритма, впрочем, работает за время $O(n \log n + m \log n)$, поскольку использует в одном месте упрощённую версию [системы непересекающихся множеств](#) без ранговой эвристики.

Алгоритм

Известно, что рёбра-мосты разбивают вершины графа на компоненты, называемые компонентами рёберной двусвязности. Если каждую компоненту рёберной двусвязности сжать в одну вершину, и оставить только рёбра-мосты между этими компонентами, то получится ациклический граф, т.е. лес.

Описываемый ниже алгоритм поддерживает в явном виде этот **лес компонент рёберной двусвязности**.

Понятно, что изначально, когда граф пустой, он содержит n компонент рёберной двусвязности, не связанных никак между собой.

При добавлении очередного ребра (a, b) может возникнуть три ситуации:

Содержание [\[скрыть\]](#)

- Поиск мостов в режиме онлайн
 - Алгоритм
 - Структуры данных для хранения леса
 - Реализация

- Оба конца a и b находятся в одной и той же компоненте рёберной двусвязности — тогда это ребро не является мостом, и ничего не меняет в структуре леса, поэтому просто пропускаем это ребро.

Таким образом, в этом случае число мостов не меняется.

- Вершины a и b находятся в разных компонентах связности, т.е. соединяют два дерева. В этом случае ребро (a, b) становится новым мостом, а эти два дерева объединяются в одно (а все старые мосты остаются).

Таким образом, в этом случае число мостов увеличивается на единицу.

- Вершины a и b находятся в одной компоненте связности, но в разных компонентах рёберной двусвязности. В этом случае это ребро образует цикл вместе с некоторыми из старых мостов. Все эти мосты перестают быть мостами, а образовавшийся цикл надо объединить в новую компоненту рёберной двусвязности.

Таким образом, в этом случае число мостов уменьшается на два или более.

Следовательно, вся задача сводится к эффективной реализации всех этих операций над лесом компонент.

Структуры данных для хранения леса

Всё, что нам понадобится из структур данных, — это **система непересекающихся множеств**. На самом деле, нам понадобится делать два экземпляра этой структуры: одна будет для поддержания **компонент связности**, другая — для поддержания **компонент рёберной двусвязности**.

Кроме того, для хранения структуры деревьев в лесу компонент двусвязности для каждой вершины будем хранить указатель `par[]` на её предка в дереве.

Будем теперь последовательно разбирать каждую операцию, которую нам надо научиться реализовывать:

- **Проверка, лежат ли две указанные вершины в одной компоненте связности/двусвязности.** Делается обычным запросом к структуре "система непересекающихся множеств".
- **Соединение двух деревьев в одно** по некоторому ребру (a, b) .
Поскольку могло получиться, что ни вершина a , ни вершина b не являются корнями своих деревьев, то единственный способ соединить эти два дерева — **переподвесить** одно из них. Например, можно переподвесить одно дерево за вершину a , и затем присоединить это к другому дереву, сделав вершину a дочерней к b .

Однако встаёт вопрос об эффективности операции переподвешивания: чтобы переподвесить дерево с корнем в r за вершину v , надо пройти по пути из v в r , перенаправляя указатели `par[]` в обратную сторону, а также меняя ссылки на предка в системе непересекающихся множеств, отвечающей за компоненты связности.

Таким образом, стоимость операции переподвешивания есть $O(h)$, где h — высота дерева. Можно оценить её ещё выше, сказав, что это есть величина $O(\text{size})$, где `size` — число вершин в дереве.

Применим теперь такой стандартный приём: скажем, что из двух деревьев **переподвешивать будем то, в котором меньше вершин**. Тогда интуитивно понятно, что худший случай — когда объединяются два дерева примерно равного размера, но тогда в результате получается

дерево вдвое большего размера, что не позволяет такой ситуации происходить много раз. Формально это можно записать в виде рекуррентного соотношения:

$$T(n) = \max_{k=1 \dots n-1} \{ T(k) + T(n-k) + O(n) \},$$

где через $T(n)$ мы обозначили число операций, необходимое для получения дерева из n вершин с помощью операций переподвешивания и объединения деревьев. Это известное рекуррентное соотношение, и оно имеет решение $T(n) = O(n \log n)$.

Таким образом, суммарное время, затрачиваемое на всех переподвешивания, составит $O(n \log n)$, если мы всегда будем переподвешивать меньшее из двух деревьев.

Нам придётся поддерживать размеры каждой компоненты связности, но структура данных "система непересекающихся множеств" позволяет делать это без труда.

- **Поиск цикла**, образуемого добавлением нового ребра (a, b) в какое-то дерево. Фактически это означает, что нам надо найти наименьшего общего предка (LCA) вершин a и b .

Заметим, что потом мы сожмём все вершины обнаруженного цикла в одну вершину, поэтому нас устроит любой алгоритм поиска LCA, работающий за время порядка его длины.

Поскольку вся информация о структуре дерева, которая у нас есть, — это ссылки `par[]` на предков, то единственным представляется следующий алгоритм поиска LCA: помечаем вершины a и b как посещённые, затем переходим к их предкам `par[a]` и `par[b]` и помечаем их, потом к их предкам, и так далее, пока не случится, что хотя бы одна из двух текущих вершин уже помечена. Это будет означать, что текущая вершина — и есть искомый LCA, и надо будет заново повторить путь до неё от вершины a и от вершины b — тем самым мы найдём искомый цикл.

Очевидно, что этот алгоритм работает за время порядка длины искомого цикла, поскольку каждый из двух указателей не мог пройти расстояние, большее этой длины.

- **Сжатие цикла**, образуемого добавлением нового ребра (a, b) в какое-то дерево.

Нам требуется создать новую компоненту рёберной двусвязности, которая будет состоять из всех вершин обнаруженного цикла (понятно, что обнаруженный цикл сам мог состоять из каких-то компонент двусвязности, но это ничего не меняет). Кроме того, надо произвести сжатие таким образом, чтобы не нарушилась структура дерева, и все указатели `par[]` и две системы непересекающихся множеств были корректными.

Самый простой способ добиться этого — **сжать все вершины найденного цикла в их LCA**. В самом деле, вершина-LCA — это самая высокая из сжимаемых вершин, т.е. её `par` остаётся без изменений. Для всех остальных сжимаемых вершин обновлять тоже ничего не надо, поскольку эти вершины просто перестают существовать — в системе непересекающихся множеств для компонент двусвязности все эти вершины будут просто указывать на вершину-LCA.

Но тогда получится, что система непересекающихся множеств для компонент двусвязности работает без эвристики объединения по рангу:

если мы всегда присоединяем вершины цикла к их LCA, то этой эвристике нет места. В этом случае в асимптотике возникнет $O(\log n)$, поскольку без эвристики по рангу любая операция с системой непересекающихся множеств работает именно за такое время.

Для достижения асимптотики $O(1)$ на один запрос необходимо объединять вершины цикла согласно ранговой эвристике, а затем присвоить `par` нового лидера в `par[LCA]`.

Реализация

Приведём здесь итоговую реализацию всего алгоритма.

В целях простоты система непересекающихся множеств для компонент двусвязности написана **без ранговой эвристики**, поэтому итоговая асимптотика составит $O(\log n)$ на запрос в среднем. (О том, как достичь асимптотики $O(1)$, написано выше в пункте "Сжатие цикла".)

Также в данной реализации не хранятся сами рёбра-мосты, а хранится только их количество — см. переменная `bridges`. Впрочем, при желании не составит никакого труда завести `set` из всех мостов.

Изначально следует вызвать функцию `init()`, которая инициализирует две системы непересекающихся множеств (выделяя каждую вершину в отдельное множество, и проставляя размер, равный единице), проставляет предков `par`.

Основная функция — это `add_edge(a, b)`, которая обрабатывает запрос на добавление нового ребра.

Константе `MAXN` следует задать значение, равное максимально возможному количеству вершин во входном графе.

Более подробные пояснения к данной реализации см. ниже.

```
const int MAXN = ...;

int n, bridges, par[MAXN], bl[MAXN], comp[MAXN], size[MAXN];

void init() {
    for (int i=0; i<n; ++i) {
        bl[i] = comp[i] = i;
        size[i] = 1;
        par[i] = -1;
    }
    bridges = 0;
}

int get (int v) {
    if (v==-1) return -1;
    return bl[v]==v ? v : bl[v]=get(bl[v]);
}

int get_comp (int v) {
    v = get(v);
    return comp[v]==v ? v : comp[v]=get_comp(comp[v]);
}
```

```
}

void make_root (int v) {
    v = get(v);
    int root = v,
        child = -1;
    while (v != -1) {
        int p = get(par[v]);
        par[v] = child;
        comp[v] = root;
        child=v; v=p;
    }
    size[root] = size[child];
}

int cu, u[MAXN];

void merge_path (int a, int b) {
    ++cu;

    vector<int> va, vb;
    int lca = -1;
    for(;;) {
        if (a != -1) {
            a = get(a);
            va.pb (a);

            if (u[a] == cu) {
                lca = a;
                break;
            }
            u[a] = cu;

            a = par[a];
        }

        if (b != -1) {
            b = get(b);
            vb.pb (b);

            if (u[b] == cu) {
                lca = b;
                break;
            }
            u[b] = cu;

            b = par[b];
        }
    }

    for (size_t i=0; i<va.size(); ++i) {
        bl[va[i]] = lca;
        if (va[i] == lca) break;
        --bridges;
    }
    for (size_t i=0; i<vb.size(); ++i) {
        bl[vb[i]] = lca;
    }
}
```

```

        if (vb[i] == lca) break;
        --bridges;
    }
}

void add_edge (int a, int b) {
    a = get(a);    b = get(b);
    if (a == b) return;

    int ca = get_comp(a),
        cb = get_comp(b);
    if (ca != cb) {
        ++bridges;
        if (size[ca] > size[cb]) {
            swap (a, b);
            swap (ca, cb);
        }
        make_root (a);
        par[a] = comp[a] = b;
        size[cb] += size[a];
    }
    else
        merge_path (a, b);
}

```

Прокомментируем код более подробно.

Система непересекающихся множеств для компонент двусвязности

хранится в массиве `bl[]`, а функция, возвращающая лидера компоненты двусвязности — это `get(v)`. Эту функцию используется много раз в остальном коде, поскольку нужно помнить о том, что после сжатия нескольких вершин в одну все эти вершины перестают существовать, а вместо них существует только их лидер, у которого и хранятся корректные данные (предок `par`, предок в системе непересекающихся множеств для компонент связности, и т.д.).

Система непересекающихся множеств для компонент связности хранится в массиве `comp[]`, также есть дополнительный массив `size[]` для хранения размеров компонент. Функция `get_comp(v)` возвращает лидера компоненты связности (который на самом деле является корнем дерева).

Функция переподвешивания дерева `make_root(v)` работает, как и было описано выше: она идёт от вершины `v` по предкам до корня, каждый раз перенаправляя предка `par` в обратную сторону (вниз, по направлению к вершине `v`). Также обновляется указатель `comp` в системе непересекающихся множеств для компонент связности, чтобы он указывал на новый корень. После переподвешивания у нового корня проставляется размер `size` компоненты связности. Обратим внимание, что при реализации мы каждый раз вызываем функцию `get()`, чтобы получить доступ именно к лидеру компоненты сильной связности, а не к какой-то вершине, которая возможно уже была сжата.

Функция обнаружения и сжатия пути `merge_path(a, b)`, как и было описано выше, ищет LCA вершин `a` и `b`, для чего поднимается от них параллельно вверх, пока какая-то вершина не встретится во второй раз. В целях эффективности пройденные вершины помечаются с помощью техники "числового used", что работает за $O(1)$ вместо применения `set`. Пройденные пути сохраняются в векторах `va` и `vb`, чтобы потом пройти по ним второй раз до LCA, получив тем самым все вершины цикла. Все вершины цикла

сжимаются, путём присоединения их к LCA (здесь возникает асимптотика $O(\log n)$, поскольку при сжатии мы не используем ранговую эвристику). Попутно считается число пройденных рёбер, которое равно количеству мостов в обнаруженном цикле (это количество отнимается от `bridges`).

Наконец, **функция обработки запросов** `add_edge(a, b)` определяет компоненты связности, в которых лежат вершины a и b , и если они лежат в разных компонентах связности, то меньшее дерево переподвешивается за новый корень и затем присоединяется к большему дереву. Иначе же, если вершины a и b лежат в одном дереве, но в разных компонентах двусвязности, то вызывается функция `merge_path(a, b)`, которая обнаружит цикл и сожмёт его в одну компоненту двусвязности.