

## ▼ A1-La Normal Multivariada

Jorge Eduardo de León Reyna - A00829759

### ▼ Librerías

```
1 install.packages("mnormt")
2
```

```
Installing package into '/usr/local/lib/R/site-library'
(as 'lib' is unspecified)
```

### ▼ Inciso 1

1. Hallar el procedimiento para el cálculo de probabilidad de que  $P(X_1 \leq 2, X_2 \leq 3)$  con  $X_1, X_2$  se distribuyen Normal con  $\mu = (\mu_1 = 2.5, \mu_2 =$

4) y  $\Sigma = \begin{bmatrix} 1.2 & 0 \\ 0 & 2.3 \end{bmatrix}$

R. 0.08257

Sugerencia. Instale en R la librería mnormt y use pmnorm(x, miu, sigma) donde sigma es la matriz de varianzas-covarianza de X. miu es un vector, en este caso sería para R: miu = c(2.5,4).

```
1 x1 = 2
2 x2 = 3
3 miu = c(2.5, 4)
4 sigma = matrix(c(1.2, 0, 0, 2.3), nrow = 2, ncol = 2)
5
6 p1 = pnorm(x1, miu, sigma)
7 p2 = pnorm(x2, miu, sigma)
8
9 p = p1 * p2
```

### ▼ Inciso 2

## 2. Grafique la anterior distribución bivariada del problema 1

Sugerencia. Adapte el código. Para x use 3 o 4 desviaciones estándar alrededor de la media:

```
library(mnormt)
x <- seq(-3, 3, 0.1)
y <- seq(-3, 3, 0.1)
mu <- c(0, 0)
sigma <- matrix(c(1, 0, 0, 1), nrow=2)
f <- function(x, y) dmnorm(cbind(x, y), mu, sigma)
z <- outer(x, y, f)
#create surface plot
persp(x, y, z, theta=-30, phi=25, expand=0.6, ticktype='detailed', col = "pink")
```

Agregar celda de código  
⌘/Ctrl+M B

## ▼ Inciso 3

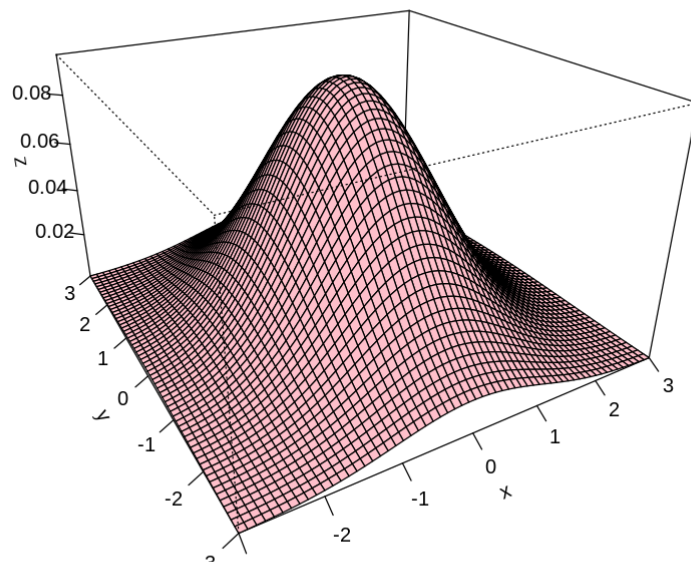
3. Grafique los contornos de la anterior distribución normal bivariada correspondiente a las alturas de 0.01, 0.03, 0.05, 0.07, 0.09

Sugerencia. Adapte el código

```
library(mnormt)
#create bivariate normal distribution
x <- seq(-3, 3, 0.1)
y <- seq(-3, 3, 0.1)
mu <- c(0, 0)
sigma <- matrix(c(1, 0, 0, 1), nrow=2)
f <- function(x, y) dmnorm(cbind(x, y), mu, sigma)
z <- outer(x, y, f)

#create contour plot
contour(x, y, z, col = "blue", levels = c(0.01, 0.02))
```

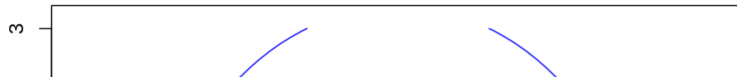
```
1 library(mnormt)
2
3 media = 0
4 desviacion_estandar = 1
5
6 x = seq(-3 * desviacion_estandar, 3 * desviacion_estandar, 0.1)
7 y = seq(-3, 3, 0.1)
8 miu = c(2.5, 4)
9 sigma = matrix(c(1.2, 0, 0, 2.3), nrow = 2, ncol = 2)
10 f = function(x, y) dmnorm(cbind(x, y), mu, sigma)
11 z = outer(x, y, f)
12
13 persp(x, y, z, theta=-30, phi=25, expand=0.6, ticktype='detailed', col = "pink")
```



```

1 library(mnormt)
2
3 x = seq(-3 * desviacion_estandar, 3 * desviacion_estandar, 0.1)
4 y = seq(-3, 3, 0.1)
5 mu = c(2.5, 4)
6 sigma = matrix(c(1.2, 0, 0, 2.3), nrow = 2, ncol = 2)
7 f = function(x, y) dmnorm(cbind(x, y), mu, sigma)
8 z = outer(x, y, f)
9
10 alturas <- c(0.01, 0.03, 0.05, 0.07, 0.09)
11
12 contour(x, y, z, col = "blue", levels = alturas)
13

```



#### ▼ Inciso 4: Resultados y conclusión



En primer inciso se hizo una representación inicial de la distribución normal bivariada en una forma tridimensional, lo que ayudó a obtener una visión general de su estructura sin embargo, los graficos de contorno en los incisos 2 y 3 facilitaron la comprensión de la distribución del punto 1 al mostrar líneas de igual probabilidad en planos bidimensionales y tridimensionales.

Los gráficos permitieron identificar claramente áreas de alta y baja probabilidad lo cual es muy importante en aplicaciones estadísticas. Al adaptar el código para representar diferentes alturas de probabilidad se pudo explorar cómo la distribución se comporta en diversas partes del espacio bivariado.