作业1:线性回归

本次作业deadline为2019.3.12,任何编程问题请提供源代码,作业有任何问题请及时联系助教。

- 1. 名词解释
- 2. 证明
- 3. 过拟合问题
- 4. 前列腺特异抗原水平预测

1. 名词解释

请对下列名词给出你的理解。

- 人工智能(Artificial Intelligence)
- 模式识别 (Pattern recognition)
- 机器学习(Machine Learning)
- 深度学习(Deep Learning)
- 统计学习(Statistical Learning)

2. 证明

试证明线性回归中的 R^2 与Pearson相关系数r的关系:

$$R^2 = r^2$$

其中

$$R^2 = rac{\sum_1^n (ar{y} - \hat{y_i})^2}{\sum_1^n (ar{y} - y_i)^2}, r = rac{cov(x,y)}{
ho_x
ho_y}$$

x, y均为一维向量。

3. 过拟合问题

利用模型 $y=\theta_1\times x+\theta_0+\epsilon$ 生成一组仿真数据(x,y),其中x服从N(0,1)的正态分布。 $\theta_1=3$, $\theta_0=6$ 。残差项 ϵ 服从正态分布 $N(0,\sigma^2)$,分别考虑 $\sigma=0.5$ 和2的情况,回答以下问题。

- (1)随机生成10个训练样本数据,分别用线性模型,一元二次和一元三次模型对改组数据进行回归,得到回归模型的参数,绘制散点图和回归曲线,计算RSS并比较大小。
- (2) 再随机生成100个测试样本,用(1)中的模型预测y值,并比较三种模型的预测效果。
- (3) 将(1)中的"随机生成10个训练样本数据"改为"随机生成100个训练样本数据",重复步骤(1) (2)。
- (4)请多次重复(1)-(3),对 σ 的取值、模型复杂程度、训练样本量和模型效果之间的关系进行总结。

4. 前列腺特异抗原水平预测

附件提供了一些前列腺癌患者临床指标的数据。请使用前四个临床数据(即Icavol, Iweight, Ibph, svi)对前列腺特异抗原水平(Ipsa)进行预测。在给出的prostate_train.txt文件和 prostate_test.txt文件中,前4列每一列代表一个临床数据(即特征),最后一列是测量的前列腺特异抗原水平(即预测目标的真实值);每一行代表一个样本。

- (1) 在不考虑交叉项的情况下,利用Linear Regression对prostate_train.txt的数据进行回归,给出回归结果,并对prostate_test.txt文件中的患者进行预测,给出结果评价。
- (2) 如果考虑交叉项,是否会有更好的预测结果?请给出你的理由。

数据名词解释:

Icavol: log cancer volume lweight: log prostate weight

lbph: log of the amount of benign prostatic hyperplasia

svi: seminal vesicle invasion

lpsa: level of prostate-specific antigen