Cluster Analysis

1. Import Data

2. Standardisasi Data

Data yang diamati memiliki satuan yang bervariasi sehingga proses *cluster* tidak bisa dilakukan. Oleh karena itu, perlu dilakukan standardisasi data dengan melakukan transformasi pada data asli.

```
> standardisasi.data <- scale(data, center = TRUE, scale = TRUE)
```

3. Statistika Deskriptif

```
> statistika.deskriptif <- summary(data)
> statistika.deskriptif
        Х1
                                                                        X4
                                          Min. : 1.040
1st Qu.: 7.585
Median :13.770
                      Min. : 4.48
1st Qu.: 8.15
Median : 9.65
             39.0
                                                                Min.
                                                                        :65.40
 Min.
                                                                1st Qu.:71.11
Median :72.36
            144.2
 1st Qu.:
 Median : 190.5
                               :10.42
                                                    :14.660
                                                                         :72.16
 Mean
          : 615.1
                      Mean
                                          Mean
                                                                Mean
                      3rd Qu.:13.32
                                                                3rd Qu.:73.81
 3rd Qu.: 380.5
                                           3rd Qu.:20.762
 Max.
          :8131.0
                      Max.
                               :16.38
                                          Max.
                                                 :32.450
                                                                Max.
                                                                         :75.66
        X5
          :105.9
 Min.
                     Min.
                              :2.410
 1st Qu.:106.3
                     1st Qu.:3.737
 Median :109.1
                     Median :4.580
          :109.5
 Mean
                     Mean
                              :4.832
                     3rd Qu.:5.657
 3rd Qu.:111.7
         :116.1
 Max.
                             :8.010
                     Max.
```

4. Pengujian Asumsi

a. Asumsi Sampel Representatif

Setiap variabel bernilai lebih dari 0.5 sehingga sampel telah representatif atau mewakili populasi.

b. Asumsi Nonmultikolinearitas

```
korelasi <- cor(data)
> korelasi
          x1
                     X2
                                X3
                                           X4
                                                      X5
                                                                 Х
   1.0000000 -0.4348758 -0.3628717 0.2145422 -0.2419613 -0.379279
X2 -0.4348758
              1.0000000 0.6040912 -0.3160846 0.3208308 0.508689
9
X3 -0.3628717
              0.6040912 1.0000000 -0.4772784
                                               0.1833344 0.126106
0
x4 0.2145422 -0.3160846 -0.4772784 1.0000000 -0.5819319 -0.117051
x5 -0.2419613  0.3208308  0.1833344 -0.5819319
                                               1.0000000 0.298866
x6 -0.3792791 0.5086899 0.1261060 -0.1170519 0.2988661 1.000000
0
```

Nilai korelasi antarvariabel kurang dari 0.8 sehingga tidak terjadi multikolinearitas pada setiap variabel. Seluruh asumsi sudah terpenuhi, maka dapat dilanjutkan ke langkah berikutnya.

5. Pemilihan Metode Terbaik

```
matriks.jarak1 <- dist(data)</pre>
> # 1. Single Linkage
> cluster.hierarki.single <- hclust(matriks.jarak1, method = "single")
> jarak.single <- cophenetic(cluster.hierarki.single)</pre>
> korelasi.single <- cor(matriks.jarak1,jarak.single)</pre>
> # 2. Average Linkage
> cluster.hierarki.average <- hclust(matriks.jarak1, method = "ave")</pre>
> jarak.average <- cophenetic(cluster.hierarki.average)</pre>
> korelasi.average <- cor(matriks.jarak1,jarak.average)</pre>
> # 3. Complete Linkage
> cluster.hierarki.complete <- hclust(matriks.jarak1, method = "comple")</pre>
te")
> jarak.complete <- cophenetic(cluster.hierarki.complete)
> korelasi.complete <- cor(matriks.jarak1,jarak.complete)</pre>
> # 4. Centroid Linkage
> cluster.hierarki.centroid <- hclust(matriks.jarak1, method = "centro
id")</pre>
> jarak.centroid <- cophenetic(cluster.hierarki.centroid)
> korelasi.centroid <- cor(matriks.jarak1,jarak.centroid)</pre>
> # 5. Ward
> cluster.hierarki.ward <- hclust(matriks.jarak1, method = "ward.D")</pre>
> jarak.ward <- cophenetic(cluster.hierarki.ward)</pre>
> korelasi.ward <- cor(matriks.jarak1,jarak.ward)</pre>
> ### Metode Terbaik
> korelasi.cophenetic <- data.frame(korelasi.single, korelasi.average,</pre>
tid,
                                             korelasi.complete, korelasi.centro
                                             korelasi.ward)
> korelasi.cophenetic
  korelasi.single korelasi.average korelasi.complete korelasi.centroid
                                                                            0.9985087
         0.9975755
                               0.9985852
                                                     0.9975982
  korelasi.ward
0.9749552
```

Nilai korelasi yang paling mendekati nilai 1 adalah metode *average linkage* sebesar 0.998 sehingga metode tersebut merupakan metode terbaik.

6. Pemilihan Jumlah Cluster yang Optimal

```
library(clvalid)
Loading required package: cluster
Warning message:
package 'clValid' was built under R version 4.2.3
> validasi <- clvalid(obj = data.frame(standardisasi.data), nClust = 2</pre>
                             clMethods = "hierarchical", validation = "interna
†<sub>"</sub>,
                             method = "average", maxitems = length(standardisa
si.data),
                             verbose = TRUE)
[1]
     "Finished internal validation, hierarchical 2 clusters"
    "Finished internal validation, hierarchical 3 clusters"
"Finished internal validation, hierarchical 4 clusters"
"Finished internal validation, hierarchical 5 clusters"
\begin{bmatrix} 1 \\ 1 \end{bmatrix}
[1]
Warning_message:
In clvalid(obj = data.frame(standardisasi.data), nClust = 2:5, clMetho
ds = "hierarchical"
  s = "hierarchical", :
rownames for data not specified, using 1:nrow(data)
> optimalScores(validasi)
                                        Method Clusters
                        Score
Connectivity 2.9289683 hierarchical
                  0.6758966 hierarchical 0.5102026 hierarchical
                                                             2
Dunn
                                                             2
Silhouette
> par(mfrow=c(1,3))
> plot(validasi)
             Internal validation
                                                                              Internal validation
                                             Internal validation
                                                         1 hierarchica
                                                                                          + hierarchica
                                                                    0.50
                                   990
                                                                    0.40
                                   89
                                                                    0.35
                                   92
                                                                    0.30
                                   0.50
                                                                    0.25
                                                                    0.20
```

Cluster yang optimal digunakan adalah sebanyak dua karena memiliki nilai terendah pada indeks connectivity sebesar 2.928 serta nilai tertinggi pada indeks dunn sebesar 0.675 dan silhouette sebesar 0.510.

7. Analisis *Cluster* Hierarki

a. Matriks Jarak

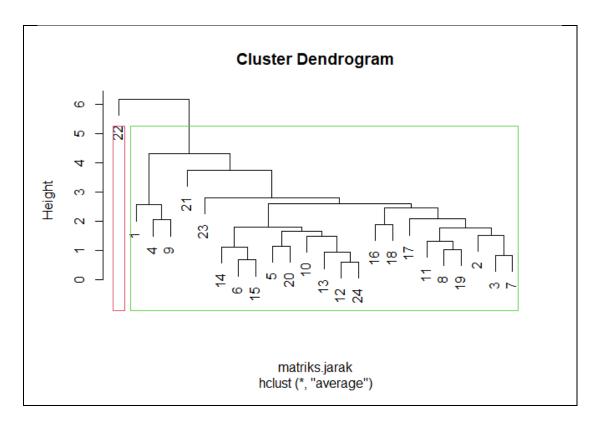
```
2.1762331 4.4309268 4.0785246 2.0535847 2.7018001 4.0452935 3.99
75236
10 3.9498435 1.9684967 2.4252090 4.0904623 2.0401003 2.5885611 1.77
95760
11 4.1392135 1.4524551 2.0566304 3.8462411 1.7912130 2.7643254 1.38
13712
12 3.9926847 2.1343330 2.0848259 4.5468903 2.0917753 2.2081543 1.90
23552
13 4.2965447 1.7947756 2.2505014 4.3856216 1.6544991 1.2874012 2.08
04301
14 4.9411771 2.2775097 2.7815186 4.9286066 2.2046074 1.2027236 2.79
87258
15 4.8645148 1.5136097 2.3969354 4.5573162 1.8324396 0.6826432 2.24
33348
16 4.5750706 2.4471442 1.6155428 5.0079292 2.8905022 3.0951962 1.99
67390
17 4.1055191 2.8207437 1.8873511 4.5321809 2.8384062 3.8655837 2.15
10877
18 4.5986051 2.9400700 2.0052344 5.6143214 3.5733600 3.9041707 2.09
70287
19 4.3483288 2.0968023 2.2537033 3.9244635 2.3450762 3.1822333 1.92
85793
20 4.0331025 1.2507838 1.9015577 4.0465184 1.1618898 1.7197629 1.47
86163
21 4.0917333 4.3411969 3.5462793 5.1816008 3.9008966 4.1895688 3.74
13494
22 8.4414720 5.2488563 5.8344656 8.0873505 6.0335585 5.3469281 5.81
13787
23 6.3104187 1.7529291 2.6285449 6.2825878 3.4422665 2.4227606 2.56
56801
24 4.3153629 1.6861738 1.9832898 4.5744666 1.9798763 1.8573230 1.72
54842
           8
                     9
                               10
                                         11
                                                   12
                                                              13
14
2
4
5
6
7
8
9
   3.9647039
10 2.7142155 3.6138999
11 1.4022531 3.7052966 1.8450788
                                 2.5791665
2.4730410 1.0087683
   2.8585426 3.5730123 1.3868737
12
   2.5668298
                       1.8013754
13
             3.6510371
  2.9906507 4.2493064 2.8312997 3.1924821 1.9595403 1.0665726
14
15 2.1937731 3.9614638 2.2499022 2.4267197 1.7363541 0.8665004 1.03
81379
16 1.9076642 3.7112537 2.9286007 2.6808081 2.4420739 2.6007861 3.10
72085
17 1.6989034 3.6719490 3.5055554 2.3210174 3.4734455 3.4652446 3.91
66914
18 3.0953269 4.3100626 2.5048042 3.1105564 2.1985448 2.9665539 3.76
91725
19 1.0359564 3.5361913 2.6723144 1.2494543 3.1406796 3.0502806 3.68
59120
20 2.0011202 3.6366161 1.5647939 1.5728272 1.5484982 1.0974482 1.75
55050
21 4.3499239 3.3808295 3.4435155 4.4194336 2.6642885 3.3346381 3.98
42305
22 5.8527978 7.8181030 6.0333941 6.0507115 5.8973082 5.6284391 5.54
56314
23 2.7778571 5.6859649 3.1143134 3.1617041 2.7692185 2.4308754 2.43
44501
24 2.5236545 3.7463939 1.3122026 2.3090292 0.6162017 0.8736577 1.82
59671
          15
                    16
                               17
                                         18
                                                   19
                                                              20
21
```

```
2
3
4
5
6
7
8
9
10
11
12
1\bar{3}
14
15
16 2.5435251
17
    3.3928855 1.9382609
18 3.3046158 1.8983821 3.1118500
19 2.8416595 2.1901827 1.6434286 3.1333253 20 1.3200011 2.6780871 2.9319314 3.0763856 2.4138345
21 3.8135678 2.8233828 4.2020164 2.4509685 4.3086478 3.9314811 22 5.3852394 6.2560418 6.8064770 6.5019292 6.4237981 5.7488192 7.32
01039
23 2.0686552 3.1309386 4.0360815 3.4530781 3.6128586 2.5566502 4.79
51064
24 1.3816785 2.3502782 3.3774305 2.3039358 2.8884174 1.3484539 3.00
75562
                             23
               22
2
3
4
5
6
7
8
9
10
11
12
13
14
15
16
17
18
19
20
21
22
23 4.2651906
24 5.3947659 2.2863215
```

Kabupaten Soppeng dan Kota Palopo memiliki karakteristik yang lebih mirip daripada kabupaten/kota lain karena memiliki jarak paling kecil sebesar 0.616.

b. Cluster Dendogram

```
> cluster.hierarki <- hclust(matriks.jarak, method = "average")
> plot(cluster.hierarki)
> rect.hclust(cluster.hierarki, k = 2, border = 2:5)
```



c. Cluster Membership

```
cluster <- cutree(cluster.hierarki, k = 2)</pre>
 1
2
3
4
5
6
7
8
9
10
         Selayar
       Bulukumba
                          Bantaeng
       Jeneponto
         Takalar
             Gowa
           Sinjai
           Maros
          Pangkep
            Barru
11
             Bone
12
13
14
15
16
         Soppeng
             wajo
           Sidrap
         Pinrang
        Enrekang
17
             Luwu
18
19
    Tana Toraja
      Luwu Uṭara
20
      Luwu Timur
21 Toraja Utara
22 Makassar
23 Parepare
          Рајоро
                          1
```

Pembentukkan anggota dengan 2 *cluster* adalah sebagai berikut:

Cluster	Anggota
1	Selayar, Bulukumba, Bantaeng, Jeneponto, Takalar, Gowa, Sinjai, Maros, Pangkep, Barru, Bone, Soppeng, Wajo, Sidrap, Pinrang,

	Enrekang, Luwu, Tana Toraja, Luwu Utara, Luwu Timur, Toraja Utara, Pare-pare, dan Palopo
2	Makassar

8. Perbandingan Cluster

- 1. *Cluster* 1 memiliki nilai rata-rata tertinggi pada presentase penduduk miskin, presentase rumah tangga yang tidak memiliki fasilitas BAB, angka partisipasi kasar sekolah dasar, dan presentase proporsi puskesmas.
- 2. *Cluster* 2 memiliki nilai rata-rata tertinggi pada kepadatan penduduk dan angka harapan hidup.

Berdasarkan nilai rata-rata, kelompok daerah dengan tingkat kesejahteraan yang kurang baik adalah *cluster* 2 dan yang baik adalah *cluster* 1.

Kesimpulan

Kesejahteraan berdasarkan sosial ekonomi rumah tangga di Provinsi Sulawesi Selatan terbagi ke dalam 2 *cluster* sebagai berikut:

- 1. *Cluster* 1 memiliki jumlah anggota tertinggi, yaitu Selayar, Bulukumba, Bantaeng, Jeneponto, Takalar, Gowa, Sinjai, Maros, Pangkep, Barru, Bone, Soppeng, Wajo, Sidrap, Pinrang, Enrekang, Luwu, Tana Toraja, Luwu Utara, Luwu Timur, Toraja Utara, Pare-pare, dan Palopo. *Cluster* ini dikategorikan sebagai wilayah dengan kesejahteraan yang kurang baik.
- 2. *Cluster* 2 memiliki jumlah anggota terendah, yaitu Makassar. *Cluster* ini dikategorikan sebagai wilayah dengan kesejahteraan yang baik.

Saran yang dapat saya berikan apabila terdapat perbedaan tingkat kesejahteraan sosial ekonomi yaitu pemerintah melakukan pemerataan pada fasilitas yang menunjang kehidupan sehari-hari masyarakat dan meningkatkan Sumber Daya Manusia (SDM) dengan meningkatkan mutu pendidikan.