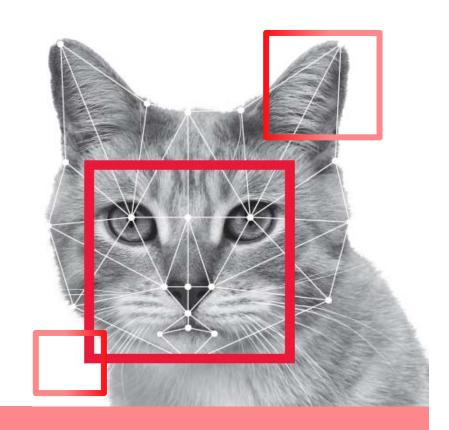


COMPUTER VISION 컴퓨터 비전

기본 개념부터 최신 모바일 응용 예까지



5장. 영상 분할

PREVIEW

■ 사람 뇌의 영상 분할



그림 5-1 맨 왼쪽 영상을 보고 장면을 서술해 보자.

- "상자 위에 쌓여있는 형형색색의 파프리카"라고 해석하는 과정에서 상자, 파프리카, 가격 표, 글자와 같이 의미 있는 영역으로 분할
- 분할과 인식이 동시에 일어남

■ 컴퓨터 비전

- 현재는 분할 후 인식하는 순차 처리(동시 수행을 추구하는 연구도 있으나 초보 단계)
- 가장 어려운 문제 중 하나

각 절에서 다루는 내용

- 1. 영상 분할의 원리
- → 영상에서 영역을 분할하는 기본 원리를 먼저 살펴본다.
- 2. 전통적 방법
- → 초창기 주류 알고리즘을 소개한다. 주로 간단한 규칙을 사용하는 알고리즘이다.
- 3. 그래프 방법
- → 그래프 알고리즘과 같이 현재 널리 활용되는 전역 최적화에 기반을 둔 접근 방법을 살펴 본다.
- 4. 민시프트
- → 민시프트를 이용한 영역 분할 원리를 알아본다.
- 5. 워터셰드
- → 워터셰드를 이용한 영역 분할 원리를 알아본다.
- 6. 대화식 물체 분할
- → 사용자가 대화식으로 관심있는 물체를 분할하는 기능을 구현하는 방법을 공부한다.
- 7. 알고리즘 선택
 - → 지금까지 다룬 알고리즘을 평가하고 상황에 맞는 알고리즘을 알아내는 데 쓸 수 있는 데 이터베이스들을 살펴본다.

5.1 영상 분할의 원리

■ 분할의 정의

■ 식 (5.1)은 엄밀성보다는 개념적인 정의

$$r_i \cap r_j = \emptyset, \ 1 \le i, \ j \le n, i \ne j$$

$$\bigcup_{i=1,n} r_i = f$$

$$Q(r_i) = 참, \ 1 \le i \le n$$

$$Q(r_i \cup r_j) = 거짓, \ 1 \le i, \ j \le n, \ r_i 와 r_j 는 이웃한 영역$$

$$(5.1)$$

O: 영역의 균일성을 측정하는 어떤 기준

■ 생각해 볼 점

- 적절한 분할이란?
 - 저분할과 과분할
- 사람 vs. 컴퓨터
 - 사람은 선택적 주의집중과 능동 비전 기능을 가지며, 분할 과정에서 고급 지식 사용
 - 물체 모델, 지식, 의도 등
 - 컴퓨터 비전은 그런 수준에 이르지 못함
 - 분할이 끝나야만 고급 지식을 이용하여 인식을 수행

5.1 영상 분할의 원리

- 분할의 어려움
 - 이웃 화소 몇 개를 보고 자신이 영역의 내부인지 경계인지 판단할 수 있을까? → 전역 연산 필요성

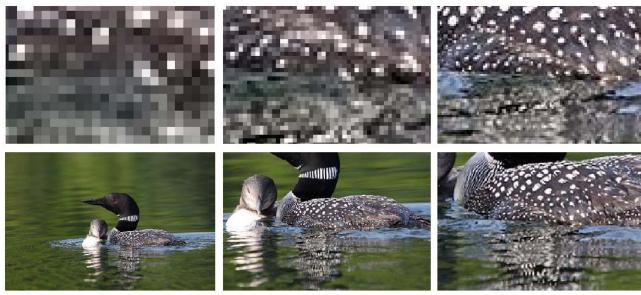


그림 5-2 영상 분할의 근원적인 어려움

5.1 영상 분할의 원리

- 에지(3장) vs. 영역
 - 개념적으로 에지는 영역의 경계에 해당
 - 하지만 에지 검출로는 한계
 - 거짓 긍정, 거짓 부정 → 폐곡선을 이루지 못함
- 영역 vs. 지역 특징(4장)
 - 사람은 지역 특징보다 영역 분할에 훨씬 뛰어남
 - 반면 컴퓨터 비전은 영역보다 지역 특징으로 문제 해결하는 사례 많음
 - 미래는?

5.2 전통적 방법

- 동작 조건
 - 특수 조건 만족하거나 단순한 영상에서만 작동
 - 예) 공장 자동화, 문서 인식 등
 - 문제가 쉽다면 굳이 복잡한 알고리즘 쓸 필요 없음
 - 자연 영상에서 매우 낮은 성능
- 5.2.1 임계화를 이용한 영역 분할
- 5.2.2 군집화를 이용한 영역 분할
- 5.2.3 분할합병

5.2.1 임계화를 이용한 영역 분할

- 이진화를 이용한 영역 분할
 - 문서 영상의 경우 오츄 이진화(2.3.1절)는 훌륭한 영상 분할 알고리즘
 - 하지만 명암 단계가 둘 이상인 경우는 오작동
- 삼진화로 확장

μα: 히스토그램의 전체 평균

■ 이중 임계값 사용

$$\begin{split} v_{between}(t_1,t_2) &= w_0 (\mu_0 - \mu_g)^2 + w_1 (\mu_1 - \mu_g)^2 + w_2 (\mu_2 - \mu_g)^2 \\ & \text{ord}, \quad \mu_0 = \frac{1}{w_0} \sum_{i=0}^{t_1} i \hat{h}_i, \quad \mu_1 = \frac{1}{w_1} \sum_{i=t_1+1}^{t_2} i \hat{h}_i, \quad \mu_2 = \frac{1}{w_2} \sum_{i=t_2+1}^{L-1} i \hat{h}_i \\ w_0 &= \sum_{i=0}^{t_1} \hat{h}_i, \quad w_1 = \sum_{i=t_1+1}^{t_2} \hat{h}_i, \quad w_2 = \sum_{i=t_2+1}^{L-1} \hat{h}_i \end{split}$$

부류의 평균값들에 대한 분산으로 세 평균이 다를수록 좋음

(5.2)

$$(\dot{t}_1, \dot{t}_2) = \underset{0 < t_1 < t_2 < L-1}{\operatorname{argmax}} v_{between}(t_1, t_2)$$
 (5.3)

5.2.1 임계화를 이용한 영역 분할

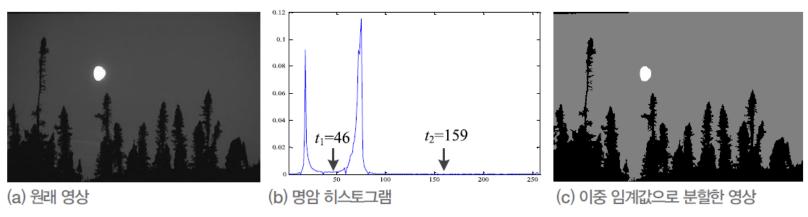


그림 5-3 이중 임계값 오츄 알고리즘에 의한 영상 분할

알고리즘 5-1 이중 임계값 오츄 알고리즘

입력: 영상 *f*(*j*, *i*), 0 ≤ *j* ≤*M*−1, 0 ≤ *i* ≤*N*−1

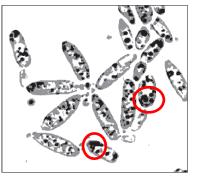
출력: 삼진영상 g(j,i), $0 \le j \le M-1$, $0 \le i \le N-1$ // 0, 1, 2 세 가지 값을 가진 영상

- 1 [알고리즘 2-1]을 이용하여 f의 정규 히스토그램 \hat{h} 을 만든다.
- 2 for(t_1 =1 to L-3)
- 3 for($t_2 = t_1 + 1$ to L 2)
- 4 식 (5.2)를 이용하여 $V_{between}(t_1, t_2)$ 를 계산한다.
- 5 2~4행에서 가장 큰 $v_{between}$ 을 생성한 (t_1, t_2) 를 임계값 (\dot{t}_1, \dot{t}_2) 로 취한다.
- 6 $(\mathring{t}_1,\mathring{t}_2)$ 로 f를 삼진화하여 g를 만든다.

5.2.1 임계화를 이용한 영역 분할

- 적응적 임계화
 - 하나 또는 두 개의 임계값을 영상 전체에 적용하는 전역 방법의 한계
 - 지역적으로 명암 분포가 다른 경우 낮은 분할 품질





(a) 원래 영상

(b) [알고리즘 2-4]를 적용한 결과

(c) [알고리즘 5-1]을 적용한 결과

그림 5-4 효모 영상과 임계화한 영상

- 적응적 임계화로 해결: 지역에 따라 적응적으로 임계값 결정
 - *t*(*j,i*)를 어떻게 결정할까?

$$b(j,i) = \begin{cases} 1, & f(j,i) \ge t(j,i) \\ 0, & 그렇지 않으면 \end{cases}$$

t(j,i): (j, i) 위치 이웃 값을 보고 결정 (ex.) 평균 & 표준편차 이용 (5.4)

- 군집화
 - 화소를 RGB 3차원 컬러 공간으로 매핑 한후, k-means 로 군집화

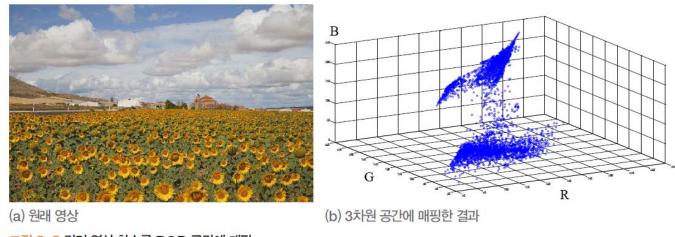
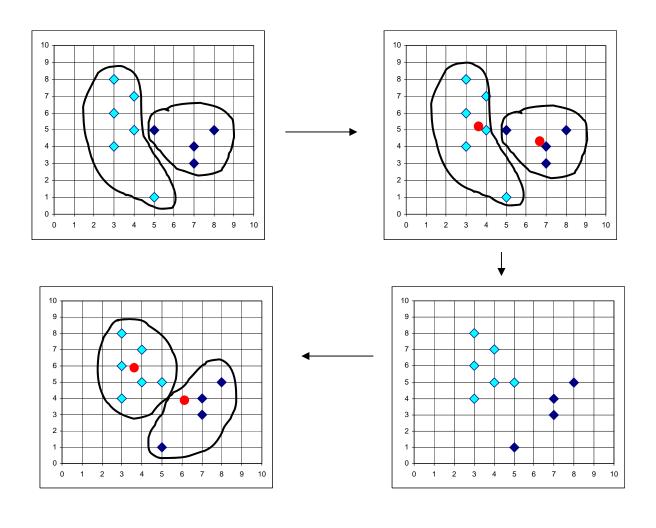
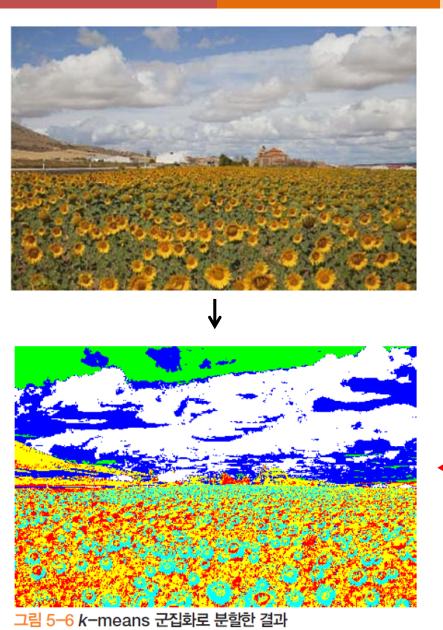


그림 5-5 컬러 영상 화소를 RGB 공간에 매핑

K-means clustering



알고리즘 5-2 k-means를 이용한 컬러 영상 분할 입력: 컬러 영상 $f_r(j,i)$, $f_s(j,i)$, $f_b(j,i)$, $0 \le j \le M-1$, $0 \le i \le N-1$, k(군집의 개수) 출력: [1, 2, 3, ···, k]로 번호가 매겨진 영상 화소를 $\mathbf{x}_i = (r_i, g_i, b_i)$ 형태로 변환하여 샘플 집합 $X = \{\mathbf{x}_1, \mathbf{x}_2, \cdots, \mathbf{x}_n\}$ 을 구성한다. // n = MN// 4∼9행은 k−means 군집화 k개의 군집 중심 $Z=\{\mathbf{z}_1,\mathbf{z}_2,\cdots,\mathbf{z}_k\}$ 를 초기화 한다. while(TRUE) { for(i=1 to n) \mathbf{x} 를 가장 가까운 군집 중심에 배정한다. if(이 배정이 첫 배정이 아니고 이전 루프의 배정과 같음) break; for(j=1 to k) \mathbf{z}_i 에 배정된 샘플의 평균으로 \mathbf{z}_i 를 대치한다. 8 9 10 // 군집화 결과를 이용한 분할 11 for(j=1 to k) **z**;에 배정된 샘플(화소)을 j로 번호를 매긴다.

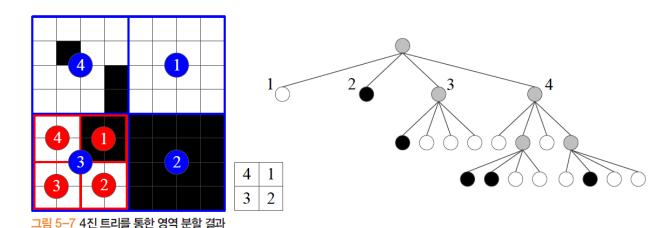


자연 영상에서 낮은 성능 ← 5.4절은 진보한 군집화 알고리즘인 민시프트 사용

5.2.3 분할합병

■ 원리

- 영역의 균일성을 측정하는 *Q(r)*를 이용하여 분할과 합병을 반복
 - Q(r)이 거짓이면 r = 1를 네 개 영역으로 등분하고 재귀 반복
 - $Q(r_i \cup r_j)$ 가 참이면 r_i 와 r_j 를 합병
- 분할 결과는 4진 트리로 표현



5.2.3 분할합병

알고리즘 5-3 분할합병을 적용한 영역 분할

입력: 영상 *f*(*j,i*), 0≤*j*≤*M*−1, 0≤*i*≤*N*−1, 임계값 *s*

출력: 분할 결과를 표현하는 4진 트리

```
split(f); // 분할
    while(TRUE) { // 합병
      for(모든 이웃한 영역 쌍 r;와 r;에 대해)
        if(Q(r_i \cup r_j)) r_i와 r_j를 합병하라.
4
      3~4행에서 변화가 없으면 break;
5
6
    function split(r){
8
      if((not Q(r)) and (r의 넓이 > s)) {
9
        r을 네 개의 4분 영상 r_i, 1 \le i \le 4로 나눈다.
10
        for(i=1 to 4)
11
12
         split(r_i);
13
14 }
```

5.3 그래프 방법

- 그래프
 - G=(V,E)
 - 노드 집합 V={v₁, v₂, ..., v_n}
 - 화소 또는 슈퍼 화소가 노드
 - 에지 집합 *E*
 - 이웃 노드 간에 에지 설정
 - 두 노드 V_p 와 V_q 를 연결하는 에지는 가중치 W_{pq} 를 가짐
 - 가중치는 유사도(같은 정도) 또는 거리(다른 정도)로 측정

x: 화소의 위치



superpixel

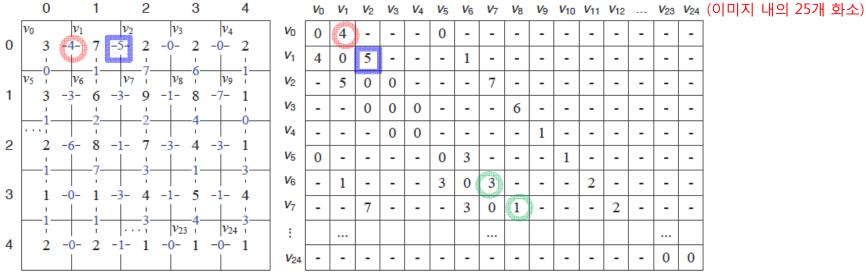
(5.5)

5.3 그래프 방법

예제 5-1 영상의 그래프 표현

[그림 5-8(a)]는 10단계의 명암을 갖는 5×5 크기의 아주 간단한 영상을 보여준다. 그래프로 표현하기 위해 먼저 25개의 화소를 행 우선 순서에 따라 $V_0 \sim V_{24}$ 로 표기한다. 예를 들어 (1,2) 위치에 있는 화소는 노드 V_7 이 된다.

식 (5.5)에서 이웃을 규정하는 거리를 r=1로 설정하여 4-연결된 화소만 이웃이라고 가정하고, 에지의 가중치는 식 (5.5)의 만 위에 있는 거리를 채택한다. 그래프를 인접 행렬로 표현하면 25×25 행렬이 되는데, 에지의 가중치 값을 계산하여 채우면 [그림 5-8(b)]와 같다.



(a) 입력 영상(화소를 잇는 값(파란색)은 에지 가중치) (b) 인접 행렬 표현

그림 5-8 명암 영상의 그래프 표현

이 그래프는 대각선 방향으로 세 줄의 띠를 형성하는데, 유효한 값이 드문 희소행렬sparse matrix이다. 이웃의 범위를 규정하는 r을 크게 하면 띠의 폭이 늘어난다. 예를 들어, 8-이웃을 채택하면 1이었던 띠의 폭이 3이 된다.

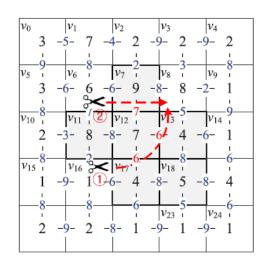
5.3 그래프 방법

■ 원리

에지 $w_{67}=3$, $w_{78}=1$. 따라서 w_{67} 이 분할될 가능성이 높음

- 유사도가 높은 노드 쌍은 같은 영역(연결요소), 낮은 노드 쌍은 다른 영역에 배치
- 유사도 낮은 에지가 분할선이 될 가능성 높음
- '가능성이 높다'라는 표현의 중요성
 - 지역적으로 유사도 낮더라도 전역적 판단에서 자르지 말아야 한다면 분할선으로 취하지 않음 → 전역 최적해 추구
- 전역 최적화 문제의 구현
 - 1. 어떤 분할의 좋은 정도를 측정하는 목적 함수 → 분할 품질 관련
 - 2. 목적 함수를 최대화/최소화하는 최적해를 찾는 효율적인 탐색 알고리즘 > 속도 관련
 - MST (최소 신장 트리)
 - 정규화 절단

- 유사도 그래프와 Wu의 분할 품질 척도
 - 예) 거리가 *d*일 때 9-*d*로 유사도 계산



0123456789012345678901234

그림 5-11 유사도 그래프와 인접 행렬

■ Wu의 척도 *cut* [Wu93]

$$cut(C_1, C_2) = \sum_{p \in C_1, q \in C_2} w_{pq}$$

(5.11)

- Shi의 정규화 절단 [Shi2000]
 - *cut*의 문제점
 - 영역 크기에 대한 고려 없음
 예) 분할 1의 cut은 12, 분할 2는 7 → 하지만 직관적으로 분할 1이 우수
 - 원래 연결요소를 작은 것과 큰 것으로 분할하는 경향
 - 두 연결요소 간의 에지 개수가 적으므로 cut이 작아짐
 - Shi는 정규화 절단 *ncut*으로 확장하여 문제 해결

Normalized cut

$$ncut(C_1, C_2) = \frac{cut(C_1, C_2)}{assoc(C_1, C)} + \frac{cut(C_1, C_2)}{assoc(C_2, C)}$$

$$\circ | \mathbb{M} | assoc(C_i, C) = \sum_{p \in C_i, q \in C} w_{pq}, C = C_1 \cup C_2$$

assoc(C_i, C): 분할 요소 C_i와 분할전 요소 C사이의 가중치 값(영역 크기 고려)

(5.12)

■ *ncut*이 최소가 되는 분할을 찾는 문제는 NP-complete → 스펙트럴 군집화를 이용하여 근 사해 구함

(ex.) 앞의 경우

7/7 + 7/(8+6+6+7+...) = 1.xxx

12/큰값 + 12/큰값 = 0.xxxx

(Ref.) Luxburg'2007

■ 근사해 탐색 알고리즘

$$(\mathbf{D} - \mathbf{W}) \mathbf{y}^{\mathrm{T}} = \lambda \mathbf{D} \mathbf{y}^{\mathrm{T}}$$
 (5.13)

$$\mathbf{A}\mathbf{y}^{\mathrm{T}} = \lambda \mathbf{y}^{\mathrm{T}}$$

$$|\mathbf{A}| \quad \mathbf{A} = \mathbf{D}^{-\frac{1}{2}}(\mathbf{D} - \mathbf{W}) \mathbf{D}^{-\frac{1}{2}}$$
(5.14)

• **W**는 그림 5-11의 인접 행렬이고, **D**는 $d_{ii} = \sum_j w_{ij}$ 인 대각선 행렬

W = 25x25 행렬 D는 W로 구함

두번째 작은 고유값에 해당하는 고유 벡터가 최적 분할 정보 가짐

■ 영상 분할

- 식 (5.14)의 고유값과 고유 벡터를 이용하여 영상 분할
- 실제로 쓰이는 유사도
 - 화소의 특징값(명암 또는 컬러)뿐 아니라 화소 사이의 거리도 같이 사용
 - 특징값이 비슷할수록 거리가 짧을수록 큼
 - 특징값이 크게 다르더라도 이웃이면 같은 영역이 된다거나 특징값이 비슷하더라도 멀면 다른 영역에 배정할 가능성 확보 ← 전역 최적화

$$S_{pq} = \begin{cases} e^{-\left(\frac{\|\mathbf{f}(v_p) - \mathbf{f}(v_q)\|^2}{\sigma_I} + \frac{\|\mathbf{x}(v_p) - \mathbf{x}(v_q)\|^2}{\sigma_X}\right)}, & \|\mathbf{x}(v_p) - \mathbf{x}(v_q)\| < r \text{ 이면} \\ 0, & \text{그렇지 않으면} \end{cases}$$
(5.15)
이때 $\mathbf{f}(v) = f(v)$ (명암 영상인 경우)

■ 영상 분할 알고리즘

알고리즘 5-5 정규화 절단을 이용한 영상 분할

입력: 영상 *f*(*j*, *i*), 0≤ *j*≤*M*−1, 0≤ *i*≤*N*−1

출력: 분할 결과 S={C₁, C₂, ···, C_i} // C_i는 연결요소

- 1 전체 노드 집합 V를 하나의 연결요소 C라고 한다.
- 2 C의 유사도 행렬 W를 계산한다.
- 3 식 (5.14)를 풀어, 고유값과 고유 벡터를 구한다.
- 4 두 번째 작은 고유값에 해당하는 고유 벡터를 이용하여 $C = C_1$ 과 C_2 로 분할한다. (e.g.) Eigen vector의 부호에 따라 분할
- 5 C₁과 C₂ 각각에 대해 추가 분할이 필요한지 판단하고, 그렇다면 그것을 C로 놓고 2~5 행을 재귀적으로 반복한다.



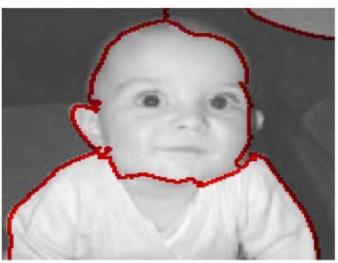
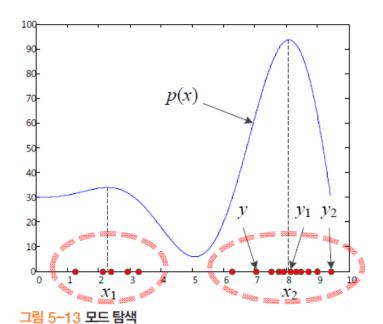


그림 5-12 정규화 절단을 적용한 영역 분할

논문 저자가 제공하는 Matlab 소스 코드를 http://www.cis.upenn.edu/~jshi/software/에서 받을 수 있다.

5.4 민시프트

- 모드 탐색
 - 샘플이 주어진 경우, 어떤 점이 속한 모드(봉우리)를 찾는 문제
 - *y*의 모드는?



주어진 1차원 샘플을 2개의 주요 영역으로 분할 가능

→ 군집을 표현하는 확률을 추정

- 파젠 창을 이용한 확률분포 추정
 - *h*는 커널의 폭 (클수록 많은 샘플이 창 안으로 들어와 매끄러운 함수가 생성됨)

$$p(\mathbf{x}) = \frac{1}{nh^d} \sum_{i=1}^n k \left(\frac{\mathbf{x} - \mathbf{x}_i}{h} \right) \qquad \begin{array}{c} \text{위치 x근방에 들어오는} \\ \text{샘플들의} \\ \text{합으로 p(x) 추정} \end{array} \tag{Ref.) 패턴인식(오일석)}$$
 평편한 커널: $k(\mathbf{x}) = \begin{cases} 1, & \|\mathbf{x}\| \leq 1 \\ 0, & \|\mathbf{x}\| > 1 \end{cases}$
$$\text{가우시안 커널: } k(\mathbf{x}) = \begin{cases} e^{-\|\mathbf{x}\|^2}, & \|\mathbf{x}\| \leq 1 \\ 0, & \|\mathbf{x}\| > 1 \end{cases}$$

- 차원의 저주 발생
 - 차원이 커질수록 기하급수적으로 메모리와 계산 시간 증가
- 명시적으로 확률분포 추정하려는 시도는 수학적으로 그럴싸하지만 비현실적임

- 민시프트
 - 우회적으로 소속(모드)을 결정하는 기법
 - \mathbf{y} 를 \mathbf{y}_0 로 놓고 시작하여, 수렴할 때까지 $\mathbf{y}_0 \rightarrow \mathbf{y}_1 \rightarrow \mathbf{y}_2 \rightarrow ...$ 반복

$$\mathbf{y}_{t+1} = \frac{\sum_{i=1}^{n} \mathbf{x}_{i} k \left(\frac{\mathbf{x}_{i} - \mathbf{y}_{t}}{h} \right)}{\sum_{i=1}^{n} k \left(\frac{\mathbf{x}_{i} - \mathbf{y}_{t}}{h} \right)}$$
(5.18)

샘플들의 (정규화된) 가중 평균 값 가중치 K(.)는 X_i와 중앙 값 y_t까지의 거리로 결정

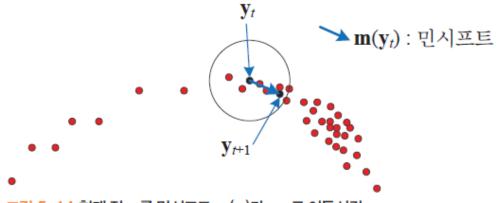


그림 5-14 현재 점 y,를 민시프트 m(y,)가 y,,,로 이동시킴

 y_t 를 중심으로 weighted average하면 새로운 중심 y_{t+1} 이 나옴 (원 내에 속하는 화소들이 한쪽으로 쏠려 있으므로)

■ 바꾸어 쓰면,

- 민시프트를 이용한 군집화 알고리즘
 - 모든 점에 대해 식 (5.19)로 수렴점 찾은 후, 군집 배정
 - 뛰어난 군집화 알고리즘
 - 군집 개수 자동 결정, 임의 모양 군집, 설정할 매개변수 적음

알고리즘 5-6 민시프트를 이용한 군집화

입력 : 샘플 집합 $X = \{x_i | i = 1, 2, \dots, n\}$, ε (수렴 임계값)

출력 : k개의 모드 \mathbf{z}_i , $1 \le i \le k$, \mathbf{x}_i 의 소속을 나타내는 $\alpha(\mathbf{x}_i)$, $1 \le i \le n$

```
for(i=1 to n) {
       y₀=x;; // 초기점 설정
        t=0;
        while(TRUE) {
         식 (5.19)를 이용하여 y<sub>+1</sub>을 계산한다.
          if(\|\mathbf{y}_{t+1} - \mathbf{y}_t\| \le \varepsilon) break; // 수렴
         t++;
        v,=y,++; // x,의 수렴점을 저장
10
11
12
      // 군집화 단계
      v_i, i = 1, 2, \cdots, n에서 h 이내에 있는 점들을 모아 군집화하고, 군집 중심을 z_i, j = 1, 2, \cdots, k라 한다.
14 | \mathbf{x}_i, i=1, 2, \dots, n0 | 속한 군집 \mathbf{z}_c를 찾아 \alpha(\mathbf{x}_i) = c라 한다.
```

5.4.2 영상 분할과 스무딩

- 민시프트를 영상 분할에 어떻게 적용할까? [Comaniciu2002]
 - 영상 *f*를 샘플 집합 *X*로 변형
 - 화소가 샘플이 됨

- 몇 차원으로 표현할 것인가?
 - 컬러만 표현하면 2.2절의 *k*-means와 비슷한 결과 (그림 5-6)
 - 컬러 **x**^r=(*r,g,b*)와 화소의 위치 **x**^s=(y,x)를 같이 표현 → 5차원 벡터 **x**=(*r,g,b,y,x*)
 - x'과 x^s의 스케일 차이를 고려하여 커널을 별도로 표현

$$k(\mathbf{x}) = k \left(\frac{\mathbf{x}^s}{h_s}\right) k \left(\frac{\mathbf{x}^r}{h_r}\right) \tag{5.20}$$

Comaniciu는 256x256크기의 이미지에 대해 h^s=8 (17x17), h^r=7(15x15x15)로 사용 X^r=(L, u, v)로 사용

5.4.2 영상 분할과 스무딩

알고리즘 5-7 민시프트를 이용한 영상 분할

입력: 컬러 영상 $f_i(j,i)$, $f_i(j,i)$, $f_i(j,i)$, $0 \le j \le M-1$, $0 \le i \le N-1$, $min_area(0)$ 것보다 작은 영역 제거)

출력: 분할 결과 S={C₁, C₂,···, C_k} // C_i는 연결요소

```
// 전처리
     컬러 공간을 RGB에서 Luv로 변환한다.
 3 모든 화소를 5차원 공간 x;=(y, x, L, u, v), i=1,2,···, MN으로 매핑한다.
 4
     // 모드 탐색
6 for(i=1 to MN) {
       y_0 = x_i; // 초기점 설정
       t=0;
       while(TRUE) {
        식 (5.19)를 이용하여 y<sub>++1</sub>을 계산한다.
10
        if(\|\mathbf{y}_{t+1} - \mathbf{y}_t\| \le \varepsilon) break; // 수렴
11
12
         t++;
13
       \mathbf{v}_{i} = \mathbf{y}_{t+1}; // \mathbf{x}_{i}의 수렴점 저장
14
15
16
17
     // 후처리(수렴점을 모아 군집(영역) 구성, 작은 영역 제거)
18 v_i, i=1,2,\cdots,MN에서 공간 좌표는 h_s, 컬러 좌표는 h_t 거리 이내에 있는 점들을 모아 군집화하고, 군집 중심을 z_i
     i=1,2,···,k라 한다.
19 \mathbf{x}_{i}, i=1,2,\cdots,MN가 속한 군집 \mathbf{z}_{c}를 찾아, \mathbf{x}_{c}를 연결요소 C_{c}에 배정한다.
20 크기가 min_area보다 작은 연결요소를 제거한다.
```

5.4.2 영상 분할과 스무딩



그림 5-15 민시프트(EDISON)로 분할한 영상