

December 10, 2025

- 강의명: CS109A: 데이터 과학 입문
- 주차: Lecture 15
- 교수명: Pavlos Protopapas, Kevin Rader, Chris Gumb
- 목적: Lecture 15의 핵심 개념 학습

Contents

1	핵심 용어 정리	3
2	다중 클래스 로지스틱 회귀 (Multiclass Logistic Regression)	4
2.1	왜 다중 클래스 분류가 필요한가?	4
2.2	방법 1: 다항 로지스틱 회귀 (Multinomial Logistic Regression)	4
2.2.1	Q: 2개의 모델로 어떻게 3개의 확률을 얻나요?	4
2.3	방법 2: One-vs-Rest (OvR) 로지스틱 회귀	5
2.3.1	Q: 이 3개의 확률은 합이 1이 되나요?	5
2.3.2	해결책: 소프트맥스 (Softmax) 함수	5
2.4	Multinomial vs. OvR: 무엇을 써야 할까?	6
2.5	다중 클래스에서의 예측과 손실 함수	6
3	분류 모델 평가 (Evaluating Classifiers)	7
3.1	혼동 행렬 (The Confusion Matrix)	7
3.2	임계값(Threshold)과 성능의 트레이드오프	7
3.3	ROC 곡선 (Receiver Operating Characteristic Curve)	8
3.4	AUC (Area Under the Curve)	8
4	베이즈 추론 (Bayesian Inference)	9
4.1	베이즈 정리 (Bayes' Theorem)	9
5	베타-이항 모델 (The Beta-Binomial Model)	9
5.1	1단계: 가능도 (Likelihood) - 데이터가 말하는 것	9
5.2	2단계: 사전 확률 (Prior) - 우리의 초기 믿음	10
5.3	3단계: 사후 확률 (Posterior) - 업데이트된 믿음	10
6	베이즈 로지스틱 회귀와 계층 모델	12
6.1	베이즈 로지스틱 회귀 (Bayesian Logistic Regression)	12
6.2	계층 모델 (Hierarchical Modeling) 미리보기	12

Abstract

개요 (Overview)

본 문서는 로지스틱 회귀를 3개 이상의 클래스를 분류하는 **다중 클래스(Multiclass)** 문제로 확장하는 방법을 다룹니다. 기준이 되는 하나의 클래스와 나머지를 비교하는 **다항(Multinomial) 로지스틱 회귀**와, 각 클래스와 그 외 모든 클래스를 비교하는 **OvR(One-vs-Rest)** 접근법을 배웁니다. 분류 모델의 성능을 평가하기 위한 **혼동 행렬(Confusion Matrix)**, **ROC 곡선**, **AUC** 개념을 학습합니다. 마지막으로, 파라미터를 확률 분포로 간주하는 **베이지스(Bayesian)** 추론의 기본 개념과, 이항 분포의 컬레 사전 확률인 **베타 분포(Beta Distribution)**를 활용한 **베타-이항 모델**을 살펴보고, **계층 모델(Hierarchical Model)**의 필요성을 소개합니다.

1 핵심 용어 정리

본 강의에서 다루는 주요 용어들을 미리 살펴봅니다.

[title=주요 용어]

- **다중 클래스 분류 (Multiclass Classification):** 결과 변수(Y)가 3개 이상의 범주를 가지는 분류 문제입니다. (예: 학생의 전공을 'CS', '통계', '기타'로 예측)
- **다항 로지스틱 회귀 (Multinomial Logistic Regression):** 다중 클래스 분류 기법 중 하나. 하나의 클래스를 '기준(reference)' (예: K번째 클래스)로 설정하고, 다른 모든 클래스(1, 2, ..., K-1)를 이 기준 클래스와 비교하는 $K - 1$ 개의 이진 로지스틱 모델을 적합시킵니다.
- **One-vs-Rest (OvR) 로지스틱 회귀:** 다중 클래스 분류 기법 중 하나. 총 K 개의 클래스가 있다면, K 개의 이진 로지스틱 모델을 각각 적합시킵니다. 각 모델은 '특정 클래스 k ' vs 'k를 제외한 나머지 모든 클래스'를 분류합니다.
- **소프트맥스 함수 (Softmax Function):** 여러 개의 점수(score)를 입력받아, 총합이 1이 되는 확률 값들의 집합으로 변환하는 함수입니다. OvR 모델 등에서 각 클래스에 속할 최종 확률을 계산하는 데 사용됩니다.
- **혼동 행렬 (Confusion Matrix):** 분류 모델의 예측 결과를 실제 값과 비교하여 표로 나타낸 것입니다. TP, FP, TN, FN 값을 포함합니다.
- **ROC 곡선 (Receiver Operating Characteristic Curve):** 분류 모델의 임계값(threshold)이 변함에 따라 True Positive Rate (TPR, Y축)와 False Positive Rate (FPR, X축)가 어떻게 변하는지를 그린 그래프입니다.
- **AUC (Area Under the Curve):** ROC 곡선의 아래쪽 면적. 1에 가까울수록 모델의 성능이 좋다고 평가하며, 0.5는 무작위 추측과 같은 수준임을 의미합니다.
- **베이즈 추론 (Bayesian Inference):** 모델의 파라미터를 고정된 값이 아닌 확률 분포로 간주하는 통계적 접근 방식입니다. 사전 확률(Prior)에 가능도(Likelihood)를 곱하여(데이터를 반영하여) 사후 확률(Posterior)을 계산합니다.
- **베타 분포 (Beta Distribution):** $[0, 1]$ 사이의 값을 가지는 연속 확률 분포. 확률값(p) 자체의 불확실성을 모델링하는 데 사용되며, 이항 분포의 켄레 사전 확률(Conjugate Prior)입니다.

2 다중 클래스 로지스틱 회귀 (Multiclass Logistic Regression)

2.1 왜 다중 클래스 분류가 필요한가?

기존의 로지스틱 회귀는 반응 변수 Y 가 0 또는 1 (예: 실패/성공, 스팸/아님)인 **이진 분류(Binary Classification)** 문제에 사용되었습니다.

하지만 현실의 많은 문제는 3개 이상의 범주를 가집니다.

- 학생의 전공 예측: {컴퓨터 과학, 통계학, 기타}
- 미식축구 플레이 예측: {패스, 런, 스페셜 팀}
- 상품 카테고리 분류: {의류, 가전, 식품, 도서}

이러한 문제를 **다중 클래스 분류(Multiclass Classification)**라고 부릅니다. 다중 클래스 문제는 범주의 순서 유무에 따라 두 가지로 나뉩니다.

- **명목형 (Nominal)**: 범주 간에 순서가 없습니다. (예: 눈동자 색 - 파랑, 갈색, 초록)
- **순서형 (Ordinal)**: 범주 간에 명확한 순서가 있습니다. (예: 평점 - 1점, 2점, 3점, 4점, 5점)

이번 강의에서는 **명목형** 다중 클래스 문제를 다루는 두 가지 주요 방법을 배웁니다.

2.2 방법 1: 다항 로지스틱 회귀 (Multinomial Logistic Regression)

이 방법은 '기준 그룹'을 하나 정하고, 다른 모든 그룹을 이 기준 그룹과 비교하는 방식입니다.

□ 예제: title

$K = 3$ 개의 클래스 {CS(1), Stat(2), Other(3)}가 있다고 가정합니다. 만약 **Other(3)**를 기준(**reference**) 그룹으로 삼는다면, 우리는 $K - 1 = 2$ 개의 이진 로지스틱 모델을 만듭니다.

- **모델 1**: CS(1) vs Other(3) 분류

$$\ln \left(\frac{P(Y=1)}{P(Y=3)} \right) = \beta_{0,1} + \beta_{1,1}X_1 + \cdots + \beta_{p,1}X_p$$

- **모델 2**: Stat(2) vs Other(3) 분류

$$\ln \left(\frac{P(Y=2)}{P(Y=3)} \right) = \beta_{0,2} + \beta_{1,2}X_1 + \cdots + \beta_{p,2}X_p$$

2.2.1 Q: 2개의 모델로 어떻게 3개의 확률을 얻나요?

좋은 질문입니다. 우리는 $P(Y=1), P(Y=2), P(Y=3)$ 세 가지를 알고 싶습니다. 위의 두 모델은 두 개의 방정식을 제공합니다. 하지만 미지수는 3개입니다. 이때, 확률의 기본 속성인 "모든 확률의 합은 1이다"라는 세 번째 방정식을 사용합니다.

1. $\frac{P(Y=1)}{P(Y=3)} = e^{\beta_1 X}$ ($\beta_1 X$ 는 모델 1의 선형 결합)
2. $\frac{P(Y=2)}{P(Y=3)} = e^{\beta_2 X}$ ($\beta_2 X$ 는 모델 2의 선형 결합)
3. $P(Y=1) + P(Y=2) + P(Y=3) = 1$

이 3개의 방정식을 연립하여 $P(Y=1), P(Y=2), P(Y=3)$ 을 모두 구할 수 있습니다. (예: 1번과 2번

식을 $P(Y = 1)$ 과 $P(Y = 2)$ 에 대해 정리하여 3번 식에 대입하면 $P(Y = 3)$ 를 구할 수 있습니다.)

sklearn 라이브러리 사용 시 참고

이 문적으로는 $K - 1$ 개의 모델을 적합하지만, sklearn의 `LogisticRegression(multi_class='multinomial')`은 K 개의 계수 세트(β)를 반환합니다. 이는 sklearn이 내부적으로 계산을 정규화(renormalize)하여, 각 클래스 k 에 대해 $P(Y = k)$ vs $P(Y \neq k)$ (k vs k 가 아닌 것)에 대한 해석이 가능하도록 변환해주기 때문입니다. 처음에는 혼동될 수 있지만, K 개의 확률을 직접 다루는 것이 더 직관적일 수 있습니다.

2.3 방법 2: One-vs-Rest (OvR) 로지스틱 회귀

이 방법은 '기준 그룹' 없이, 각 클래스가 돌아가면서 주인공이 되는 방식입니다. K 개의 클래스가 있다면 K 개의 모델을 만듭니다.

□ 예제: title

$K = 3$ 개의 클래스 {CS, Stat, Other}가 있다면, 3개의 이진 로지스틱 모델을 만듭니다.

- 모델 1: CS vs (Stat + Other) 분류

$$\ln \left(\frac{P(Y = \text{CS})}{P(Y \neq \text{CS})} \right) = \beta_{\text{CS}} X$$

- 모델 2: Stat vs (CS + Other) 분류

$$\ln \left(\frac{P(Y = \text{Stat})}{P(Y \neq \text{Stat})} \right) = \beta_{\text{Stat}} X$$

- 모델 3: Other vs (CS + Stat) 분류

$$\ln \left(\frac{P(Y = \text{Other})}{P(Y \neq \text{Other})} \right) = \beta_{\text{Other}} X$$

2.3.1 Q: 이 3개의 확률은 합이 1이 되나요?

아니요, 보장되지 않습니다. 이 3개의 모델은 독립적으로 학습됩니다. 모델 1은 "이 학생이 CS일 확률" (p_{CS})을, 모델 2는 "Stat일 확률" (p_{Stat})을, 모델 3은 "Other일 확률" (p_{Other})을 계산합니다. 이 3개의 확률($p_{\text{CS}}, p_{\text{Stat}}, p_{\text{Other}}$)을 단순히 더하면 1이 되지 않을 수 있습니다.

2.3.2 해결책: 소프트맥스 (Softmax) 함수

이 문제를 해결하기 위해, 각 모델에서 나온 "점수"(score, βX)를 총합이 1이 되는 확률로 변환하는 소프트맥스 함수를 사용합니다.

[title=소프트맥스 함수 (Softmax Function)] K 개의 클래스에 대한 점수(logits) $\vec{s} = (s_1, s_2, \dots, s_K)$ 가 있을 때, k 번째 클래스에 속할 확률 P_k 는 다음과 같이 계산됩니다.

$$P_k = \frac{e^{s_k}}{\sum_{j=1}^K e^{s_j}}$$

직관적 해석: 1. e^{s_k} (지수 함수): 모든 점수를 양수로 만들고, 큰 점수와 작은 점수의 차이를 더욱 증폭시킵니다. (Winner-takes-most) 2. $\sum e^{s_j}$ (총합): 모든 클래스의 증폭된 점수 총합입니다. 3. 나누기: 각 클래스의 증폭된 점수를 총합으로 나누어, 전체에서 차지하는 "비율"을 계산합니다. 이렇게 하면 모든 확률(P_k)의 합은 항상 1이 됩니다.

2.4 Multinomial vs. OvR: 무엇을 써야 할까?

두 방법은 종종 매우 유사한 예측 결과를 제공합니다. 미식축구(NFL) 플레이 타입을 예측하는 예제(패스, 런, 기타)에서도 두 모델의 예측 확률 그래프는 거의 동일한 경향을 보였습니다.

특징	다항 (Multinomial)	OvR (One-vs-Rest)
모델 개수	$K - 1$ 개	K 개
개념	기준 클래스(K) vs. 나머지(k)	클래스(k) vs. 나머지($\neq k$)
효율성	약간 더 효율적 (모델 적음)	개념이 단순함
적합	추론/계수 비교에 유리	순수 분류(prediction)에 선호됨
결과	대부분의 경우 매우 유사한 성능을 보임	

어떤 모델이 더 나은지는 **교차 검증(Cross-validation)**을 통해 '테스트 데이터'에 대한 성능(예: 손실 함수 값)을 비교하여 결정할 수 있습니다.

2.5 다중 클래스에서의 예측과 손실 함수

예측 방법: 이진 분류에서는 $P(Y = 1) > 0.5$ 이면 1로 예측했습니다. 다중 클래스에서는 어떤 클래스의 확률도 0.5를 넘지 않을 수 있습니다. (예: $P(A) = 0.4, P(B) = 0.3, P(C) = 0.3$) 따라서 **가장 큰 예측 확률을 가진 클래스를 최종 예측값으로 선택합니다.**

데이터 불균형 문제: 만약 특정 클래스가 데이터의 대부분을 차지한다면(예: NFL 플레이어의 66%가 '패스'), 모델은 예측 정확도를 높이기 위해 거의 모든 예측을 '패스'로 할 수 있습니다. (예: "코카인 사용자 예측" 예제) 이 경우, 모델이 단순히 다수 클래스만 예측하더라도 '분류 정확도'는 높게 나옵니다. 하지만 이 모델이 소수 클래스에 대한 유의미한 관계를 포착했을 수 있습니다. 따라서 단순 '분류' 결과뿐만 아니라 '확률' 자체를 보는 것이 중요합니다.

손실 함수: 이진 분류의 손실 함수를 **Binary Cross-Entropy**라고 불렀습니다. 다중 클래스 분류의 손실 함수는 이를 일반화한 **Cross-Entropy** (또는 Multinomial Logistic Loss)라고 부릅니다. 이 손실 함수에 Ridge(L2) 나 Lasso(L1) 페널티 항을 추가하여 **정규화(Regularization)**를 수행할 수 있습니다.

3 분류 모델 평가 (Evaluating Classifiers)

모델을 만들었다면, 이 모델이 얼마나 좋은지 평가해야 합니다. 숫자 예측(회귀)에서 MSE를 쓴 것처럼, 분류 문제에도 전용 평가 지표가 필요합니다.

3.1 혼동 행렬 (The Confusion Matrix)

모든 분류 평가는 혼동 행렬에서 시작합니다. 이는 모델의 예측 값과 실제 값을 비교한 2x2 표입니다. (이진 분류 기준)

		예측된 값 (Predicted)	
		Negative (0)	Positive (1)
실제 값 (Actual)	Negative (0)	True Negative (TN)	False Positive (FP)
	Positive (1)	False Negative (FN)	True Positive (TP)

[title=혼동 행렬의 4가지 요소]

- **True Positive (TP):** 실제 1(Positive)인 것을 1로 올바르게 예측. (예: 스팸 메일을 스팸으로 분류)
- **True Negative (TN):** 실제 0(Negative)인 것을 0으로 올바르게 예측. (예: 일반 메일을 일반 메일로 분류)
- **False Positive (FP) / 1종 오류:** 실제 0(Negative)인 것을 1로 잘못 예측. (예: 일반 메일을 스팸으로 분류)
- **False Negative (FN) / 2종 오류:** 실제 1(Positive)인 것을 0으로 잘못 예측. (예: 스팸 메일을 일반 메일로 분류)

3.2 임계값(Threshold)과 성능의 트레이드오프

로지스틱 회귀 모델은 '분류'(0 또는 1)를 직접 출력하는 것이 아니라 '확률'(예: 0.7)을 출력합니다. 우리는 이 확률을 임계값(Threshold)과 비교하여 최종 분류를 결정합니다. (보통 0.5 사용)

$$\hat{P}(Y = 1) > \text{threshold} \implies \text{Predict 1}$$

이 임계값을 조절하면 모델의 특성이 바뀝니다.

임계값(Threshold) 조절의 효과

- **임계값을 낮추면 (예: 0.4):** 모델이 '1'로 예측하기 쉬워집니다.
 - 장점: 실제 1인 것을 놓치지 않습니다. (TP 증가, FN 감소)
 - 단점: 실제 0인 것을 1로 오인합니다. (FP 증가)
 - 예시: 암 진단 모델. 환자를 놓치는 것(FN)이 치명적이므로 임계값을 낮춰 민감하게 반응하도록 합니다. (재검사하더라도 일단 잡아냄)
- **임계값을 높이면 (예: 0.6):** 모델이 '1'로 예측하기 어려워집니다. (매우 확신할 때만 1로 예측)
 - 장점: 실제 0인 것을 1로 오인하지 않습니다. (FP 감소)
 - 단점: 실제 1인 것을 놓치게 됩니다. (TP 감소, FN 증가)

- 예시: 스팸 메일 필터. 일반 메일을 스팸으로 보내는 것(FP)이 매우 불편하므로 임계값을 높여 확실한 스팸만 걸러내도록 합니다.

결론: FN을 줄이면 FP가 늘어나고, FP를 줄이면 FN이 늘어나는 **트레이드오프(Trade-off)** 관계가 존재합니다.

3.3 ROC 곡선 (Receiver Operating Characteristic Curve)

”그렇다면, 수많은 임계값 중 어떤 것을 선택해야 할까요? 혹시 임계값에 상관없이 모델 자체의 성능을 평가할 수는 없을까요?”

이 질문에 답하는 것이 **ROC 곡선**입니다. ROC 곡선은 모든 가능한 임계값에 대해 모델의 성능을 그래프로 그린 것입니다.

- **Y축: True Positive Rate (TPR) / 민감도 (Sensitivity) / 재현율 (Recall)**

$$TPR = \frac{TP}{TP + FN}$$

(실제 Positive 중에서 모델이 Positive라고 예측한 비율. 1에 가까울수록 좋음)

- **X축: False Positive Rate (FPR)**

$$FPR = \frac{FP}{FP + TN}$$

(실제 Negative 중에서 모델이 Positive라고 잘못 예측한 비율. 0에 가까울수록 좋음)

ROC 곡선 해석하기

- **완벽한 분류기 (Perfect Classifier):** (0, 1) 지점을 지나는 곡선. (FPR=0이면서 TPR=1, 즉 모든 것을 완벽하게 분류함)
- **무작위 분류기 (Random Classifier):** (0, 0)에서 (1, 1)로 이어지는 대각선 (y=x). FPR 50%를 감수해야 TPR 50%를 얻는다는 의미로, 동전 던지기(무작위 추측)와 같습니다.
- **좋은 분류기 (Good Classifier):** 대각선보다 위쪽, 즉 왼쪽 상단에 최대한 가깝게(Hugging) 그려지는 곡선입니다. 이는 낮은 FPR(적은 오인)으로도 높은 TPR(많은 정답)을 달성한다는 의미입니다.

3.4 AUC (Area Under the Curve)

ROC 곡선은 모델의 전체적인 성능을 보여주지만, 두 모델의 곡선이 서로 교차하는 등 비교가 어려울 수 있습니다. **AUC(Area Under the Curve)**는 ROC 곡선 아래의 면적을 계산하여 모델의 성능을 하나의 숫자로 요약합니다.

- **AUC = 1.0:** 완벽한 분류기 (면적이 1x1 정사각형)
- **AUC = 0.5:** 무작위 분류기 (면적이 y=x 대각선 아래 삼각형)
- **AUC > 0.5:** 무작위보다 좋은 모델.

AUC는 임계값에 관계없이 모델이 얼마나 Positive와 Negative 샘플을 잘 구별하는지 나타내는 지표입니다. AUC가 높을수록 좋은 모델입니다.

4 베이즈 추론 (Bayesian Inference)

지금까지 우리는 빈도주의(Frequentist) 관점에서 통계를 다뤘습니다. 빈도주의에서는 모델 파라미터(β)가 '고정되어 있지만 알지 못하는 값'이라고 가정하고, 데이터를 사용해 이 값을 '추정'했습니다.

베이즈주의(Bayesian) 관점은 파라미터를 다르게 봅니다.

[title=베이즈 추론의 핵심] 베이즈 관점에서 파라미터(θ)는 고정된 값이 아니라, 불확실성을 가진 확률 변수입니다. 우리는 파라미터에 대한 믿음의 분포(Distribution of Belief)를 가지고 있으며, 데이터를 관찰함으로써 이 믿음을 업데이트합니다.

4.1 베이즈 정리 (Bayes' Theorem)

이 '믿음의 업데이트' 과정은 베이즈 정리를 통해 수학적으로 수행됩니다.

$$\underbrace{f(\theta|X)}_{\text{Posterior}} \propto \underbrace{f(X|\theta)}_{\text{Likelihood}} \cdot \underbrace{f(\theta)}_{\text{Prior}}$$

- **Prior (사전 확률)** $f(\theta)$: 데이터(X)를 보기 전, 파라미터 θ 에 대해 우리가 가진 초기 믿음의 분포입니다. (예: "이 동전은 아마 공정할 거야" $\rightarrow p = 0.5$ 근처에 확률을 높게 부여)
- **Likelihood (가능도)** $f(X|\theta)$: '만약 파라미터가 θ 라면, 우리가 가진 데이터 X 가 관찰될 확률'입니다. (이는 빈도주의의 '가능도 함수'와 동일합니다.)
- **Posterior (사후 확률)** $f(\theta|X)$: 데이터(X)를 관찰한 후, 파라미터 θ 에 대해 업데이트된 믿음의 분포입니다. 이 사후 확률은 우리의 '최종 결과물'입니다.

베이즈 추론의 과정

초기 믿음 (Prior) \times 데이터의 증거 (Likelihood) \Rightarrow 업데이트된 믿음 (Posterior)

5 베타-이항 모델 (The Beta-Binomial Model)

베이즈 추론의 가장 고전적인 예시인 '동전 뒤집기' 문제를 통해 베이즈 추론을 이해해 봅시다. 우리의 목표는 동전의 앞면이 나올 확률 p 를 추정하는 것입니다. (단, p 는 0.5가 아닐 수도 있습니다.)

5.1 1단계: 가능도 (Likelihood) - 데이터가 말하는 것

동전을 n 번 던져 앞면(Success)이 $\sum x_i$ 번, 뒷면(Failure)이 $n - \sum x_i$ 번 나왔다고 합시다. 파라미터 p 가 주어졌을 때 이 데이터가 관찰될 확률(가능도)은 이항 분포(Binomial Distribution)를 따릅니다.

$$f(X|p) \propto p^{\sum x_i} (1-p)^{n-\sum x_i}$$

(앞면이 나온 횟수만큼 p 가, 뒷면이 나온 횟수만큼 $(1-p)$ 가 곱해집니다.)

5.2 2단계: 사전 확률 (Prior) - 우리의 초기 믿음

이제 p 에 대한 우리의 초기 믿음을 설정해야 합니다. p 는 확률값이므로 $[0, 1]$ 사이의 분포여야 합니다. 이때 **베타 분포(Beta Distribution)**가 사용됩니다.

[title=베타 분포 $Beta(\alpha, \beta)$] 베타 분포는 $[0, 1]$ 사이의 값을 가지며, 두 개의 **하이퍼파라미터(hyperparameter)** α 와 β 에 의해 모양이 결정됩니다.

$$f(p|\alpha, \beta) \propto p^{\alpha-1}(1-p)^{\beta-1}$$

직관적 해석: 베타 분포는 "과거에 $\alpha - 1$ 번의 성공과 $\beta - 1$ 번의 실패를 본 것과 같은 믿음"을 나타냅니다.

- $E[p] = \frac{\alpha}{\alpha+\beta}$ (분포의 평균)
- $Beta(1, 1) : f(p) \propto p^0(1-p)^0 = 1$. **균등 분포(Uniform Distribution)**와 같습니다. "나는 p 에 대해 아무것도 모르며, 모든 p 값이 똑같이 가능하다"는 의미의 **무정보 사전 확률(non-informative prior)**입니다.
- $Beta(10, 10) : E[p] = \frac{10}{20} = 0.5$. " p 는 0.5일 것이라고 강하게 믿는다" (공정한 동전)
- $Beta(2, 5) : E[p] = \frac{2}{7} \approx 0.28$. "뒷면이 더 잘 나오는 동전 같다"

5.3 3단계: 사후 확률 (Posterior) - 업데이트된 믿음

베이즈 정리에 따라 사전 확률과 가능도를 곱합니다.

$$\text{Posterior} \propto \text{Likelihood} \times \text{Prior}$$

$$f(p|X) \propto [p^{\sum x_i}(1-p)^{n-\sum x_i}] \times [p^{\alpha-1}(1-p)^{\beta-1}]$$

지수 법칙에 따라 같은 밑을 가진 항들을 합칩니다.

$$f(p|X) \propto p^{(\alpha+\sum x_i)-1} \cdot (1-p)^{(\beta+n-\sum x_i)-1}$$

놀라운 결과: 이 사후 확률의 형태는 또 다른 **베타 분포**입니다! 우리는 $Beta(\alpha, \beta)$ 사전 확률로 시작했는데, 데이터를 반영하니 $Beta(\alpha + \text{성공 횟수}, \beta + \text{실패 횟수})$ 라는 새로운 베타 분포가 되었습니다.

베타-이항 모델 업데이트 규칙

- **Prior:** $p \sim Beta(\alpha, \beta)$
- **Data:** n 번 시도, 성공 $\sum x_i$ 번, 실패 $(n - \sum x_i)$ 번
- **Posterior:** $p|X \sim Beta(\alpha + \sum x_i, \beta + n - \sum x_i)$

이처럼 사전 확률과 사후 확률이 동일한 분포족(distribution family)에 속할 때, 이 사전 확률을 **켈레 사전 확률(Conjugate Prior)**이라고 부릅니다. 베타 분포는 이항/베르누이 분포의 켈레 사전 확률입니다.

□ 예제: title

- **1. 사전 믿음 (Prior):** 동전에 대한 정보가 전혀 없어 $Beta(1, 1)$ (균등 분포)을 사용합니다. (사전 성공 횟수=0, 사전 실패 횟수=0으로 해석 가능)
- **2. 데이터 (Data):** 동전을 10번 던져 앞면(성공)이 7번, 뒷면(실패)이 3번 나왔습니다. ($n = 10, \sum x_i = 7$)
- **3. 사후 믿음 (Posterior):** 우리의 믿음은 $Beta(1 + 7, 1 + 3) = Beta(8, 4)$ 로 업데이트됩니다.
 - 데이터 반영 전, p 의 기댓값: $E[p] = \frac{1}{1+1} = 0.5$
 - 데이터 반영 후, p 의 기댓값: $E[p] = \frac{8}{8+4} = \frac{8}{12} \approx 0.67$데이터를 통해 우리의 믿음이 0.5에서 0.67로 이동했습니다.

6 베이즈 로지스틱 회귀와 계층 모델

6.1 베이즈 로지스틱 회귀 (Bayesian Logistic Regression)

”그렇다면 로지스틱 회귀에도 베타 분포를 사전 확률로 쓸 수 있을까요?”

NOPE!

아니요, 쓸 수 없습니다.

- 베타 분포는 $[0, 1]$ 사이의 확률 p 자체에 대한 사전 확률입니다.
- 로지스틱 회귀의 파라미터는 p 가 아니라, β_0, β_1, \dots 계수들입니다.
- β 계수들은 $(-\infty, \infty)$ 범위의 실수 값을 가질 수 있습니다.

따라서 로지스틱 회귀의 β 계수들에 대한 사전 확률로는 $[0, 1]$ 범위의 베타 분포가 아니라, $(-\infty, \infty)$ 범위의 정규 분포(Normal Distribution) (또는 라플라스 분포 등)를 사용합니다.

$$\beta_j \sim N(\mu_0, \sigma^2)$$

만약 우리가 $\mu_0 = 0$ 으로 설정한다면, 이는 ” β_j 계수는 아마 0에 가까울 것이다(즉, X_j 는 Y 에 영향이 없을 것이다)”라는 사전 믿음을 주는 것입니다. 이는 파라미터를 0으로 축소시키는 **Ridge (L2) 정규화**와 매우 유사한 베이즈적 접근 방식입니다.

6.2 계층 모델 (Hierarchical Modeling) 미리보기

베이즈 추론은 데이터의 구조가 복잡할 때 더욱 강력한 힘을 발휘합니다. 우리는 파라미터 θ 를 모델링하기 위해 하이퍼파라미터 α, β 를 사용했습니다.

$$Y \leftarrow p \leftarrow \text{Beta}(\alpha, \beta)$$

만약 α, β 값 자체를 정하는 것이 불확실하다면? α, β 에도 사전 확률을 부여할 수 있습니다. (예: $\alpha \sim \text{Gamma}(\dots)$) 이를 **하이퍼-사전확률(Hyperprior)**이라고 부르며, 이렇게 모델이 여러 층(level)을 가지는 것을 **계층 모델(Hierarchical Model)**이라고 합니다.

”왜 이렇게 복잡하게 모델링하나요?” 가장 큰 이유는 데이터에 중첩된(nested) 구조가 있기 때문입니다.

□ 예제: title

데이터: Y_{ij} (선수 j 의 i 번째 슛), X_{ij} (스� 거리)

목표: 슛 거리에 따른 성공 확률(p_{ij})을 모델링

$$\log \left(\frac{p_{ij}}{1 - p_{ij}} \right) = \alpha_j + \beta_1 X_{ij}$$

여기서 α_j 는 선수 j 의 고유한 '기본 슛 성공 능력'을 나타내는 절편입니다.

접근 1 (모델 없음): 모든 선수가 같다고 가정. ($\alpha_j = \alpha_0$) → 나뻐. 접근 2 (독립 모델): 선수마다 α_j 를 따로 추정. → 슛을 적게 쏜 선수의 데이터는 불안정함.

접근 3 (계층 모델):

- **Level 1 (데이터):** 각 선수의 슛은 그 선수의 능력(α_j)에 따라 결정됨.

$$\log \left(\frac{p_{ij}}{1 - p_{ij}} \right) = \alpha_j + \beta_1 X_{ij}$$

- **Level 2 (선수):** 개별 선수의 능력(α_j)은 완전히 제멋대로가 아니라, 'NBA 선수 전체의 능력 분포'에서 샘플링된 값이라고 가정합니다.

$$\alpha_j \sim N(\alpha_{\text{league}}, \sigma_{\alpha}^2)$$

(모든 α_j 는 리그 평균 α_{league} 을 중심으로 σ_{α}^2 만큼 흩어져 있다)

장점: 이 모델은 '정보를 공유(Share information)'합니다. 슛을 많이 쏜 선수(예: 르브론 제임스)는 α_j 가 자신의 데이터에 의해 결정됩니다. 하지만 슛을 10번만 쏜 신인 선수는, 그 10개의 데이터와 '리그 평균'(α_{league}) 사이의 가중 평균으로 α_j 가 추정됩니다. 즉, 데이터가 부족한 관측치(신인 선수)의 추정값을 리그 평균 쪽으로 당겨와(shrink) 더 안정적인 추론을 가능하게 합니다.