12.2 共分散行列と同時確率

線形代数は M 個の異なる実験を一度に行うときに入る。年齢と身長と体重を測るかもしれない(N 人について M=3 回測る)。各実験はそれぞれ平均値を持っている。そこで、M 個の平均値を含むベクトル m=(m1,m2,m3) を用意する。これらは年齢と身長・体重の標本平均かもしれません。あるいは、m1,m2,m3 は、既知の確率に基づく年齢、身長、体重の期待値である可能性もあります。

行列は分散を見るときに関わってきます。各実験は、標本分散 Si2、または平均からの距離の 2 乗に基づく期待値 σ i2=E[(xi-mi)2]を持つことになります。これらの M 個の数値 σ 12,..., σ m2 は「分散-共分散行列」の主対角線上に位置します。ここまでで、M 個の並列実験の間には何の関係もありません。これらは異なる確率変数を測定しているが、実験は必ずしも独立していない。

子供の年齢と身長・体重 (a,h,w) を測定すると、その結果は強い相関がある。一般に年長の子どもは身長が高く、体重も重い。平均値 ma, mh, mw が既知であるとする。そして、 σ a2, σ a2, σ aw2 が年齢、身長、体重の個別分散である。新しい数値は、年齢と身長の関連を測定する共分散 σ ah2 である。

Covariance
$$\sigma_{ah} = E[(age - mean age) (height - mean height)].$$
 (1)

この定義はよく見ておく必要がある。 σ_{ah} を計算するためには、各年齢の確率と各身長の確率を知るだけでは不十分です。各組(年齢と身長)の結合確率を知らなければならない。これは、年齢と身長が結びついているからである。

 p_{ab} = 年齢 = a と身長 = h を持つランダムな子供の確率:両方を同時に持つ

pii=実験 1 が xi を生成し、実験 2 が yi を生成する確率

実験 1 (年齢) の平均が m1 であったとする。実験 2 (身長) の平均は m_2 である。実験 1 と実験 2 の間の式 (1)の共分散は、年齢 xi と身長 yi のすべての組に注目する。そのペアの共同確率 pij を掛ける。

Expected value of
$$(x-m_1)(y-m_2)$$

Covariance
$$\sigma_{12} = \sum_{\text{all } i,j} p_{ij}(x_i - m_1)(y_j - m_2)$$
 (2)

この「共同確率 pii」の考え方を計算するために、まず、2 つの小さな例から始める。

例 12 枚のコインを別々に裏返す。1 が表で 0 が裏の場合、結果は(1,1)か(1,0)か(0,1)か(0,0)になることがある。 この 4 つの結果は、すべて確率(1/2)2=1/4 となる。

独立した実験では、確率を掛け合わせます。

 $p_{ij} = (I,j)$ の確率 $= (i の確率) \times (j の確率)$

例 2 コインを同じ向きで接着します。可能性があるのは(1,1)と(0,0)だけである。これらの確率は 1/2 と 1/2 である。確率 p10 と p01 は 0 である。(1,0)と(0,1)は、コインがくっつくので起こりません:頭か尾の両方があります。

Joint probability matrices for Examples 1 and 2

$$m{P} = \left[egin{array}{ccc} rac{1}{4} & rac{1}{4} \ rac{1}{4} & rac{1}{4} \end{array}
ight] \qquad ext{and} \quad m{P} = \left[egin{array}{ccc} rac{1}{2} & 0 \ 0 & rac{1}{2} \end{array}
ight].$$

P をうまく行列表記にするために、もう少し詳しく説明しよう。この行列は、(x1,y1)=(head, heads) と (x1,y2)=(heads, tails) から始まる各対 (xi,yj) の確率 pij を示しています。行の和 p1,p2、列の和 P1,P2、そして総和=1 であることに注目しよう。

Probability matrix
$$P = \begin{bmatrix} p_{11} & p_{12} \\ p_{21} & p_{22} \end{bmatrix}$$
 $p_{11} + p_{12} = \mathbf{p_1}$ (first coin)

(second coin) column sums P_1 P_2 4 entries add to 1

それらの和 p1,p2、P1,P2 が結合確率行列 P の周辺分布である。

p1=p11+p12=コイン 1 から表が出る確率(コイン 2 は表か裏が出る) P1=p11+p21= コイン 2 から表が出る確率 (コイン 1 は表にも裏にもなる)

例 1 では、独立した確率変数を示しました。すべての確率 pij は $\pi \times p$ j に等しい(この例では $1/2 \times 1/2$ で pij=1/4 となる)。 この場合、共分散シグマ 12 はゼロになります。1 枚目のコインの表か裏かは、2 枚目のコインについての情報を与えない。

Zero covariance
$$\sigma_{12}$$
 for independent trials $V=\left[\begin{array}{cc}\sigma_1^2 & 0 \\ 0 & \sigma_2^2\end{array}\right]={
m diagonal}$ covariance matrix V .

独立した実験では、式 2) において、すべての pij が(pi)(pj)に等しいので、sighma12=0となる。

$$\sigma_{12} = \sum_{i} \sum_{j} (p_i)(p_j)(x_i - m_1)(y_j - m_2) = \left[\sum_{i} (p_i)(x_i - m_1)\right] \left[\sum_{j} (p_j)(y_j - m_2)\right] = [\mathbf{0}][\mathbf{0}].$$

例 3 接着されたコインは、完全な相関関係を示しています。一方が表ならもう一方も表である。共分散シグマ 12 は 0 からシグマ 1 のシグマ 2 倍まで動く。これはシグマ 12 の取りうる最大の値である。ここでは、 $(1/2)(1/2) = \sigma 12 = (1/4)$ であることが、別の計算で確認された。

$$\text{Means} = \frac{1}{2} \qquad \sigma_{12} = \frac{1}{2} \left(1 - \frac{1}{2} \right) \left(1 - \frac{1}{2} \right) \, + \, 0 \, + \, 0 \, + \, \frac{1}{2} \left(0 - \frac{1}{2} \right) \left(0 - \frac{1}{2} \right) = \frac{1}{4}$$

コイン1の表と裏は、接着したコイン2の表と裏の完全な情報を提供します。

Glued coins give largest possible covariances Singular covariance matrix: determinant =0 $V_{\rm glue} = \begin{bmatrix} \sigma_1^2 & \sigma_1\sigma_2 \\ \sigma_1\sigma_2 & \sigma_2^2 \end{bmatrix}$

常に $\sigma_1^2\sigma_2^2 \ge (\sigma_{12})^2$ 。したがって、 σ_1^2 は σ_1^2 な σ_1^2 と σ_1^2 の間にある。行列 V は正定値(この特異なコインの糊付けの場合、V は正半定値)である。これらは、M 個の実験に対する $M\times M$ 個の共分散行列 V すべてに関する重要な事実である。

N回の実験から得られた標本共分散行列 S は確実に半正定値であることに注意してください。すべての新しい標本 X=(age, height, weight) は標本平均 $bar\{X\}$ (ベクトル)に寄与しています。各ランク 1項(Xi-barX)(Xi-barX)T は正の半正定値であり、我々はただ行列 S に到達するために追加します。

Sには確率はなく、実際の結果のみです。

$$\overline{X} = \frac{X_1 + \dots + X_N}{N} \quad S = \frac{(X_1 - \overline{X})(X_1 - \overline{X})^{\mathrm{T}} + \dots + (X_N - \overline{X})(X_N - \overline{X})^{\mathrm{T}}}{N - 1}$$
(3)