

K plus proches voisins*

INFORMATIQUE COMMUNE - TP n° 3.5 - Olivier Reynet

À la fin de ce chapitre, je sais :

- ✎ importer des données stockées depuis un fichier de type csv
- ✎ coder l'algorithme knn pour classer des données étiquetées
- ✎ visualiser la performance de l'algorithme de classification

A Préparation des données pour la classification

On dispose de trois jeux de données étiquetées sous la forme de fichiers au format csv :

1. `iris.csv` pour la classification de variétés d'iris : `iris.csv`. Les étiquettes (variety) 0,1 et 2 correspondent aux variétés Setosa, Versicolor et Virginica.
2. `diabetes.csv` pour la prédiction du diabète : l'étiquette (Outcome) 1 signifie que le patient souffre de diabète, 0 qu'il n'en souffre pas.
3. `bdiag.csv` pour la prédiction de tumeurs cancéreuses : l'étiquette (diagnosis) 0 signifie que la tumeur est bénigne, 1 maligne.

R La classe de chaque échantillon est toujours la **dernière colonne du fichier**.

- A1. Coder une fonction de prototype `import_csv(filename)` où `filename` est une chaîne de caractère décrivant le nom d'un fichier. Cette fonction renvoie deux objets :
1. la liste `E` des paramètres de chaque échantillon (ligne) sous la forme d'une liste de liste de flottants,
 2. la liste `C` des classes de chaque échantillon, sous la forme d'une liste d'entiers.

Vérifier que cette fonction est opérationnelle sur les deux jeux de données.

Solution :

```
def import_csv(filename):  
    file = open(filename, 'r')  
    headers = file.readline()  
    lines = file.readlines()  
    file.close()  
    E = []  
    C = []
```

*from scratch!

```

for line in lines:
    current_data = []
    fields = line.split(',')
    for f in fields[:-1]: # ne pas prendre la classe
        current_data.append(float(f))
    C.append(int(fields[-1]))
    E.append(current_data)
return E, C

```

On souhaite mélanger les données pour que les classes n'apparaissent pas regroupées. Pour cela, on peut utiliser la fonction suivante qui réunit, modifie l'ordre de deux listes simultanément puis renvoie les deux listes (conservant ainsi la cohérence des données) :

```

def mixid(E,C):
    zipped = list(zip(E, C))
    random.shuffle(zipped)
    E, C = zip(*zipped)
    return E,C

```

Afin de mesurer a posteriori l'efficacité du jeu de données, on crée deux jeux de données à partir des données initiales : un jeu d'entraînement et un jeu de test.

A2. Écrire une fonction de signature `split_train_test(E,C,ratio)` qui renvoie les listes :

1. Xtrain le jeu d'échantillon d'entraînement,
2. Ytrain les classes des échantillons d'entraînement,
3. Xtests le jeu d'échantillon de test,
4. Ytests les classes des échantillons de test.

Le paramètre `ratio` est un nombre compris entre 0 et 1 qui précise le rapport entre la taille des données d'entraînement et la taille du jeu de données. Par exemple, un paramètre `ratio` à 0.7 sépare le jeu de données en 70% pour l'entraînement et 30% pour les tests. On pourra utiliser le tranchage de liste (slicing).

Solution :

```

def split_train_test(E,C,ratio):
    n = len(C)
    stop = math.floor(ratio*n)
    Xtrain = E[:stop]
    Xtests = E[stop:]
    Ytrain = C[:stop]
    Ytests = C[stop:]
    return Xtrain, Ytrain, Xtests, Ytests

```

B KNN pour la classification

B1. Écrire une fonction de signature `de(A : list[float], B : list[float]) -> float` qui renvoie la distance euclidienne entre deux vecteurs de dimension n .

Algorithme 1 k plus proches voisins (KNN)

```

1: Fonction KNN( $D, x, k, \delta$ )
2:    $n \leftarrow |D|$ 
3:    $\Delta \leftarrow \emptyset$  ▷ Distances à calculer
4:   pour chaque échantillon étiqueté  $e \in \mathcal{E}$  répéter
5:     Ajouter  $\delta(x, e)$  à  $\Delta$ 
6:   Sélectionner les  $k$  voisins les plus proches de  $x$  en utilisant  $\Delta$ 
7:   Compter le nombre d'occurrences de chaque classe des  $k$  voisins de  $x$ 
8:   renvoyer la classe  $c$  la plus représentée parmi les  $k$  plus proches voisins

```

Solution :

```

import math
def de(A, B):
    assert len(A) == len(B)
    n = len(A)
    d = 0
    for i in range(n):
        d += (A[i] - B[i]) ** 2
    return math.sqrt(d)

```

- B2. Écrire une fonction de signature `k_plus_proches(k : int, E : list[list[float]], X : list[float]) -> list[int]` : qui renvoie la liste des k plus proches voisins de X dans E. On utilisera la distance euclidienne.

Solution :

```

def k_plus_proches(k, E, X):
    assert len(E) > 0
    assert len(X) == len(E[0])
    n = len(E)
    D = [de(X, e) for e in E]
    K = [i for i in range(n)]
    # tri de K en conformité à D croissante par insertion
    for i in range(1, len(D)):
        d_to_insert = D[i]
        j = i
        while D[j - 1] > d_to_insert and j > 0:
            D[j] = D[j - 1]
            K[j] = K[j - 1]
            j -= 1
        D[j] = d_to_insert
        K[j] = i
    return K[:k]

```

- B3. Écrire une fonction de signature `classe_majoritaire(K : list[int], Ytrain : list[int], N : int) -> int` qui renvoie la classe majoritaire d'un échantillon X d'après la liste de ses k plus proches voisins K. N est le nombre de classes, Ytrain les classes des échantillons du jeu d'entra-

nement.

Solution :

```
def classe_majoritaire(K : list[int], Ytrain : list[int], N : int) -> int:
    # N est le nombre de classes
    h = [0 for _ in range(N)]
    for k in K:
        h[Ytrain[k]] += 1
    cmaj = 0
    vmax = h[0]
    for i in range(len(h)):
        if h[i] > vmax:
            vmax = h[i]
            cmaj = i
    return cmaj
```

- B4. Écrire une fonction de signature `knn_test(filename, N, ratio)` où `N` est le nombre de classes, `ratio` la proportion de données d'entraînement. Cette fonction renvoie la matrice de confusion associée aux prédictions de KNN sur le jeu de tests.

Solution :

```
def knn_test(filename, N, ratio):
    E, C = import_csv(filename)
    E, C = mixid(E, C)
    Xtrain, Ytrain, Xtests, Ytests = split_train_test(E, C, ratio)
    n = len(Xtrain)
    k = math.floor(math.sqrt(n / N))
    confusion_matrix = [[0 for _ in range(N)] for _ in range(N)]
    for i in range(len(Xtests)):
        X = Xtests[i]
        K = k_plus_proches(k, Xtrain, X)
        cmaj = classe_majoritaire(K, Ytrain, N)
        confusion_matrix[Ytests[i]][cmaj] += 1
    return confusion_matrix
```

- B5. Tester l'algorithme sur les différents jeux de données et tracer les matrices de confusion associées à l'aide du code suivant :

```
from matplotlib import pyplot as plt

def draw_confusion_matrix(cm, classes_labels):
    fig = plt.figure()
    ax = fig.add_subplot(111)
    cax = ax.matshow(cm, cmap='cool')
    plt.title('Confusion matrix')
    fig.colorbar(cax)
    ax.xaxis.set_ticks([i for i in range(len(classes_labels))])
    ax.set_xticklabels(classes_labels)
    ax.yaxis.set_ticks([i for i in range(len(classes_labels))])
    ax.set_yticklabels(classes_labels)
    plt.xlabel('Predicted')
```

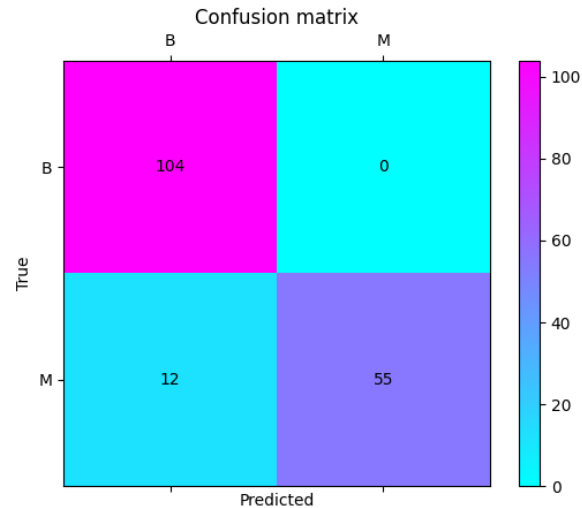


FIGURE 1 – Matrice de confusion pour la détection de tumeurs cancéreuses

```
plt.ylabel('True')
for i in range(len(cm)):
    for j in range(len(cm[0])):
        ax.text(j, i, '{:d}'.format(cm[i][j]), ha='center', va='center')
plt.show()
```

Vous devez obtenir des résultats proches de ceux inscrits sur la figure 1.

Solution :

```
cm = knn_test('bdiag.csv', 2, 0.7)
print(cm)
draw_confusion_matrix(cm, ['B', 'M'])

# [[98, 3], [7, 63]]
```

C KNN pour la régression

On dispose d'un jeu de données `Short_Student_Performance.csv` permettant de connaître un indice de performance (nombre flottant) d'un étudiant en fonction de paramètres tels que le nombre d'heures de travail ou le nombre d'heures de sommeil. L'objectif de cette section est de prédire la performance d'un étudiant, c'est-à-dire d'effectuer une régression.

C1. Modifier le code d'importation du fichier pour prendre en compte l'indice de performance correctement (car c'est un flottant).

Pour effectuer une régression, on ne calcule plus la classe majoritaire. À la place, on cherche à calculer la moyenne des indices de performance des k plus proches voisins.

C2. Modifier le code pour effectuer une régression sur l'indice de performance.

C3. Analyser les résultats en faisant varier la valeur de k et en calculant la racine carrée de l'erreur au carré (RMSE). Quel valeur de k faudrait-il choisir?

Solution :

```
def regression(filename, k, ratio):
    E, P = import_stud(filename)
    Xtrain, Ytrain, Xtests, Ytests = split_train_test(E, P, ratio)
    n = len(Xtrain)
    Ypred = []
    for i in range(len(Xtests)):
        X = Xtests[i]
        K = k_plus_proches(k, Xtrain, X)
        p = prediction(K, Ytrain)
        #print(Ytests[i], p)
        Ypred.append(p)
    return Xtests, Ytests, Ypred

def import_stud(filename):
    file = open(filename, 'r')
    headers = file.readline()
    lines = file.readlines()
    E = []
    P = []
    for line in lines:
        current_data = []
        fields = line.split(',')
        for f in fields[:-1]: # ne pas prendre la perf
            current_data.append(float(f))
        P.append(float(fields[-1]))
        E.append(current_data)
    return E, P

def prediction_analysis(Ytests, Ypred):
    yt = np.array(Ytests)
    yp = np.array(Ypred)
    ea = np.sqrt((yt-yp)**2)
    return np.mean(ea), np.median(ea), np.std(ea), np.min(ea), np.max(ea),
```