

# Jeroglíficos

Un equipo de investigadores está estudiando las similitudes entre secuencias de jeroglíficos. Ellos representan cada jeroglífico con un entero no negativo. Para realizar su estudio, ellos usan los siguientes conceptos acerca de secuencias.

Para una secuencia fija A, una secuencia S es llamada una **subsecuencia** de A si y solo si S puede ser obtenida removiendo algunos de los elementos (posiblemente ninguno) de A.

La siguiente tabla muestra algunos ejemplos de subsecuencias de la secuencia A = [3, 2, 1, 2].

Subsecuencia	Cómo puede obtenerse a partir de ${\cal A}$
[3, 2, 1, 2]	Ningún elemento es removido.
[2, 1, 2]	[ <del>3</del> , 2, 1, 2]
[3, 2, 2]	[3, 2, <del>1</del> , 2]
[3, 2]	[3, <del>2</del> , <del>1</del> , 2] or [3, 2, <del>1</del> , <del>2</del> ]
[3]	[3, <del>2</del> , <del>1</del> , <del>2</del> ]
[]	[ <del>3</del> , <del>2</del> , <del>1</del> , <del>2</del> ]

Por otra parte, [3,3] o [1,3] no son subsecuencias de A.

Considere dos secuencias de jeroglíficos, A y B. Una secuencia S es llamada **subsecuencia común** de A y B si y solo si S es una subsecuencia de ambas A y B. Adicionalmente, decimos que una secuencia U es una **subsecuencia común universal** de A y B si y solo si se cumplen las siguientes dos condiciones:

- U es una subsecuencia común de A y B.
- Toda subsecuencia común de A y B es también una subsecuencia de U.

Se puede demostrar que dos subsecuencias cualesquiera de A y B tienen a lo mucho una subsecuencia común universal.

Los investigadores han encontrado dos secuencias de jeroglíficos A y B. La secuencia A consiste de N jeroglíficos y la secuencia B consiste de M jeroglíficos. Ayuda a los investigadores a calcular una subsecuencia común universal de A y B, o determina si tal secuencia no existe.

## Detalles de Implementación

Debes implementar la siguiente función.

```
std::vector<int> ucs(std::vector<int> A, std::vector<int> B)
```

- A: arreglo de tamaño N que describe la primera secuencia.
- ullet B: arreglo de tamaño M que describe la segunda secuencia.
- En caso de existir una subsecuencia común universal de A y B, la función debe devolver un arreglo que contenga dicha secuencia. Caso contrario, la función debe devolver [-1] (un arreglo de tamaño 1, cuyo único elemento es -1).
- Esta función es llamada exactamente una vez por cada caso de prueba.

## Limites

- $1 \le N \le 100\,000$
- $1 \le M \le 100\,000$
- $ullet 0 \leq A[i] \leq 200\,000$  para cada i tal que  $0 \leq i < N$
- $0 \leq B[j] \leq 200\,000$  para cada j tal que  $0 \leq j < M$

## **Subtareas**

Subtarea	Puntaje	Restricciones Adicionales
1	3	$N=M$ ; cada uno $A$ y $B$ consisten de $N$ enteros ${f distintos}$ entre $0$ y $N-1$ (inclusive)
2	15	Para cada entero $k$ , (la cantidad de elementos de $A$ iguales a $k$ ) $\emph{m\'as}$ (la cantidad de elementos de $B$ iguales a $k$ ) es a lo mucho $3$ .
3	10	$A[i] \leq 1$ para todo $i$ tal que $0 \leq i < N$ ; $B[j] \leq 1$ para todo $j$ tal que $0 \leq j < M$
4	16	Existe una subsecuencia común universal de $A$ y $B$ .
5	14	$N \leq$ 3000; $M \leq$ 3000
6	42	Limites originales.

## **Ejemplos**

## Ejemplo 1

Considere la siguiente llamada.

```
ucs([0, 0, 1, 0, 1, 2], [2, 0, 1, 0, 2])
```

En este caso, las subsecuencias comunes de A y B son las siguientes:  $[\ ]$ , [0], [1], [2], [0,0], [0,1], [0,2], [1,0], [1,2], [0,0,2], [0,1,0], [0,1,2], [1,0,2] y [0,1,0,2].

Ya que [0,1,0,2] es una subsecuencia común de A y B, y todas las subsecuencias comunes de A y B son subsecuencias de [0,1,0,2], la función debe devolver [0,1,0,2].

#### Ejemplo 2

Considere la siguiente llamada.

```
ucs([0, 0, 2], [1, 1])
```

En este caso, la única subsecuencia común de A y B es la secuencia vacía  $[\,]$ . Por lo tanto la función debe devolver un arreglo vacío  $[\,]$ .

#### Ejemplo 3

Considere la siguiente llamada.

```
ucs([0, 1, 0], [1, 0, 1])
```

En este caso, las subsecuencias comunes de A y B son  $[\,],[0],[1],[0,1]$  y [1,0]. Se puede demostrar que una subsecuencia común universal no existe. Por lo tanto, la función debe devolver [-1].

### **Evaluador**

Formato de entrada:

```
N M
A[0] A[1] ... A[N-1]
B[0] B[1] ... B[M-1]
```

Formato de salida:

```
T
R[0] R[1] ... R[T-1]
```

En este caso, R es el arreglo devuelto por ucs y T es su tamaño.