

การพัฒนาและวิเคราะห์เสถียรภาพของตัวแบบทางคณิตศาสตร์เพื่อประเมินผลกระทบ ของอัตราการฉีดวัคซีนสำหรับการป้องกันโรคโควิด-19: กรณีศึกษาจังหวัดภูเก็ต

Development and Stability Analysis of a Mathematical Model to Assess the Impact of Vaccination Rates for the Prevention of COVID-19: A Case Study in Phuket

ปริญญรัตน์ ลิลาพันธิสิทธิ 1 อนุรักษ์ วีระประเสริฐสกุล 2 อนุวัตร จิรวัฒนพาณิช 3 E-mail: s6212229102@pkru.ac.th

บทคัดย่อ

การวิจัยครั้งนี้มีวัตถุประสงค์เพื่อพัฒนาและวิเคราะห์เสถียรภาพของผลการฉีดวัคซีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการ ป้องกันโรคโควิด-19 ในจังหวัดภูเก็ต วิเคราะห์ตัวแบบโดยใช้วิธีมาตรฐาน ศึกษาจุดสมดุล ศึกษาเสถียรภาพของจุดสมดุล หาคำตอบเชิง วิเคราะห์ ศึกษาผลการฉีดวัคซีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์และหาคำตอบเชิงตัวเลข ผลวิจัยพบว่าจุดสมดุลที่ไม่มีโรคและจุดสมดุล ที่มีโรคเป็น Local Asymptotically Stable และมีค่าระดับการติดเชื้อ $R_0 = \frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta)(\epsilon + \omega)(\sigma + \omega + \beta)}$ และอัตราฉีดวัคซีนเป็นปัจจัยที่มี

ผลต่อตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ ถ้าประชากรที่เสียงต่อการติดเชื้อมีการฉีดวัคซีนป้องกันเป็นจำนวนมาก จะส่งผลให้การแพร่ระบาดของ โรคลดลง

คำสำคัญ: ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ โรคโควิด-19 วัคซีนป้องกัน

Abstract

The purpose of this research was to develop and analyze the stability of mathematical model for COVID-19 prevention through vaccination in Phuket. The model was analyzed using standard methods for study the balance point, the stability of the equilibrium point, analytical solutions, study effect of vaccination on the mathematical model and find a numerical solutions. The results showed that the equilibrium point without disease and the equilibrium point with disease were local asymptotically stable and the level of infection was $R_0 = \frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta)(\epsilon + \omega)(\sigma + \omega + \beta)} \quad \text{and vaccination rate are factors affecting the mathematical model. If populations at}$

high risk of infection are vaccinated in large numbers, the spread of the disease will decrease.

Keywords: mathematical model, COVID-19, vaccination

ความเป็นมาของปัญหา

แบบจำลองทางคณิตศาสตร์เป็นวิธีการหนึ่งของการอธิบายสถานการณ์ในชีวิตจริงในแบบภาษาคณิตศาสตร์ โดยการเปลี่ยน สถานการณ์จริงให้อยู่ในรูปของตัวแปรและสมการ โดยจะให้ความสำคัญกับตัวแปรที่สำคัญ แบบจำลองมีจุดมุ่งหมายเพื่อจะจับ องค์ประกอบที่สำคัญของเหตุกาณ์หนึ่งๆ เราสามารถตรวจสอบความถูกต้องของกลไกคณิตศาสตร์หนึ่งที่ถูกสร้างขึ้นมาได้เพื่อจะ ตรวจสอบว่าแบบจำลองนั้นสะท้อนสถานการณ์ในชีวิตจริงหรือไม่ (แคทลียา ดวงเกตุ, 2556)

จากการศึกษาตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์แสดงให้เห็นถึงบทบาทและประโยชน์ของตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ที่มีส่วนช่วยในการ แก้ไขวิกฤตการณ์ที่กำลังจะเกิดขึ้นจากโรคภัยต่างๆโดยจำลองประชากรที่เสี่ยงต่อการติดเชื้อ ตัวเชื้อโรค ตัวพาหนะนำโรค และผู้ติดเชื้อ โดยแปลงข้อมูลให้อยู่ในรูปสมการทางคณิตศาสตร์ เพื่ออธิบายลักษณะของการระบาดแลการดำเนินของโรคโดยผู้ที่วิจัยไม่จำเป็นต้อง ไปศึกษากับมนุษย์โดยตรงซึ่งอาจเกิดอันตรายต่อชีวิตของผู้วิจัยและผู้ป่วยได้อีก ทั้งยังช่วยลดงบประมาณสำหรับการเสริมมาตรการ การรักษาและการป้องกันโรคตามความต้องการ (ธีรวัฒน์ นาคะบุตร, 2546)

การระบาดของเชื้อไวรัสโคโรน่า 2019 หรือ โควิด-19 (Covid-19) ได้เริ่มต้นเมื่อปลายปี พ.ศ. 2562 และลุกลามไปทั่วโลก สร้างความหวาดกลัวและส่งผลกระทบต่อสุขภาพ สังคมและเศรษฐกิจของประชากร และเมื่อต้นเดือนมกราคม พ.ศ. 2563 มีการระบาด ใหญ่ (pandemic) ซึ่งเป็นการติดเชื้อทั่วโลกอย่างรวดเร็ว ตามประกาศขององค์การอนามัยโลก เมื่อวันที่ 11 มีนาคม พ.ศ. 2563 (กรม ควบคุมโรค กระทรวงสาธารณสุข, 2563ก) จากสถิติเมื่อวันที่ 15 เมษายน พ.ศ. 2563 ประชากรทั่วโลกมีผู้ติดเชื้อ 1,982,939 คน และ

[้] นักศึกษาระดับปริญญาตรี หลักสูตรวิทยาศาสตร์บัณฑิต สาขาคณิตศาสตร์ประยุกต์ มหาวิทยาลัยราชภัฏภูเก็ต

[้] สาขาคณิตศาสตร์ประยุกต์ คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี มหาวิทยาลัยราชภัฏภูเก็ต

³ สาขาคณิตศาสตร์ คณะครุศาสตร์ มหาวิทยาลัยราชภัฏภูเก็ต



ตาย 126,761 คน ในเขตพื้นที่จังหวัดภูเก็ตคนที่ติดเชื้อโควิด-19 ส่วนใหญ่มีประวัติใกล้ชิดผู้ป่วย ทำกิจกรรมร่วมกัน ส่วนมากผู้ที่ได้รับ เชื้อจะไม่รู้ตัว บางรายอาจมีใช้หรือปวดเมื่อยตามเนื้อตามตัวซึ่งทำให้เข้าใจผิดไปได้ เนื่องจากอาการป่วยจะใกล้เคียงกับใช้หวัดธรรมดา โดยจังหวัดภูเก็ตจะเริ่มมีการฉีดวัคซีนป้องกันตั้งแต่เด็กไปจนถึงผู้ใหญ่ แต่ยังคงมีประชากรในจังหวัดภูเก็ตส่วนหนึ่งที่เป็นพาหนะของโรค และสามารถแพร่เชื้อต่อไปได้เรื่อย ๆ เนื่องจากเพิ่งเริ่มมีการฉีดวัคซีนเมื่อปี พ.ศ 2564

จากเหตุข้างต้นผู้วิจัยได้ตระหนักและเห็นประโยชน์ที่ได้รับจากวิจัยเรื่องประเมินผลกระทบของอัตราการฉีดวัควีนสำหรับการ ป้องกันโรคโควิด-19 จึงได้ศึกษาเกี่ยวกับการฉีดวัคซีนเพื่อควบคุมการแพร่บาดของโรคโควิด-19 ในจังหวัดภูเก็ต ให้เป็นปัจจัยสำคัญ สำหรับการศึกษาในตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์

วัตถุประสงค์ของโครงการวิจัย

- 1. เพื่อพัฒนาตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์สำหรับควบคุมการแพร่ระบาดของโรคโควิด-19 โดยการฉีดวัคชีน
- 2. เพื่อวิเคราะห์เสถียรภาพของตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์สำหรับควบคุมการแพร่ระบาดของไวรัส โดยการฉีดวัคซีน

วิธีดำเนินการวิจัย

การศึกษาวิจัยในครั้งนี้ ผู้วิจัยได้ศึกษาผลการฉีดวัคซีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการป้องกันโรคโควิด-19 ในจังหวัด ภูเก็ต ซึ่งมีวิธีการวิจัย 3 ขั้นตอนดังนี้

- 1. การพัฒนาตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ ผู้วิจัยได้แบ่งประชากรออกเป็น 4 กลุ่ม คือ กลุ่มคนที่เสี่ยงต่อการติดเชื้อ กลุ่มคนที่ ติดเชื้อแต่ไม่แสดงอาการ กลุ่มคนที่ติดเชื้อแสดงอาการ และกลุ่มคนที่หายจากโรค ผู้วิจัยได้กำหนดตัวแปรดังนี้ S(t) จำนวนคนที่เสี่ยง ต่อการติดเชื้อ ณ เวลา t ใดๆ, E(t) จำนวนคนที่ติดเชื้อแต่ไม่แสดงอาการ ณ เวลา t ใดๆ, I(t) จำนวนคนที่ติดเชื้อ ณ เวลา t ใดๆ, R(t) จำนวนคนที่หายจากโรค ณ เวลา t ใดๆ โดยที่ S(t)>0, E(t)>0, I(t)>0 และ R(t)>0 เนื่องจากจำนวนประชากรมีค่าคงที่ไม่ขึ้นกับเวลา คือ N(t) = S(t) + E(t) + I(t) + R(t)
- 2. การตรวจสอบตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ การตรวจสอบตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์การควบคุมการแพร่ระบาดของไวรัสโดย การฉีดวัคซีน เป็นการตรวจสอบความถูกต้องของตัวแบบโดยผู้เชี่ยวชาญที่เกี่ยวข้อง
- 3. การวิเคราะห์ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ การวิเคราะห์ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์เป็นการวิเคราะห์ตามวิธีการมาตรฐาน (Standard method) โดยศึกษาจุดสมดุลและศึกษาเสถียรภาพของจุดสมดุลเพื่อหาเงื่อนไขของพารามิเตอร์ที่เหมาะสมของจุดสมดุล หาค่าระดับการติดเชื้อโดยใช้วิธี Next Generations Method หาคำตอบเชิงวิเคราะห์และหาคำตอบเชิงตัวเลข โดยวิธี Numerical Analysis ดังวิธีการต่อไปนี้
 - 3.1 การวิเคราะห์ตามวิธีมาตรฐาน การวิเคราะห์ตามวิธีมาตรฐานเป็นการศึกษาจุดสมดุล ค่าระดับการติดเชื้อ และเสถียรภาพของระบบ ดังนี้
- 3.1.1 การหาขอบเขตของค่าคงที่ เป็นการหาขอบเขตของค่าคงที่และช่วงคำตอบของตัวแปรต่างๆ โดยการใช้ เทคนิคการอินทิเกรตช่วยในการแสดงหาคำตอบ S(t), E(t), I(t) และ R(t) ซึ่งมีขอบเขตของค่าคงที่ อยู่ในจำนวนจริงบวก
- 3.1.2 จุดสมดุล การหาจุดสมดุลดำเนินการโดยจัดสมการเชิงอนุพันธ์ไม่เชิงเส้นของตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ให้ เท่ากับศูนย์ คือ $\frac{dS}{dt}=0, \frac{dI}{dt}=0, \frac{dR}{dt}=0$ จะได้ค่าจุดสมดุลที่ไม่มีเชื้อโรค (Disease Free Equilibrium Point : E_0) ในกรณีที่ ไม่มีการติดเชื้อโรค โดยกำหนดให้ $E_0=(S,E,I,R)=E_0\left(\frac{\mu N}{\omega+\theta},0,0,\frac{\theta\mu N}{\omega(\omega+\theta)}\right)$ และจะได้ค่าจุดสมดุลเกิดการแพร่ระบาดของ เชื้อโรค

(Disease Free Equilibrium Point : E_1) ในกรณีที่มีการระบาดของเชื้อโรค โดยกำหนดให้ $I \neq 0$ จะได้ E_1 = (S*, E*, I*, R*)

3.1.3 การหาค่าระดับการติดเชื้อ ค่าระดับการติดเชื้อเป็นค่าเฉลี่ยที่ผู้ป่วยหนึ่งคนสามารถทำให้คนกลุ่มเสี่ยงป่วย เป็นจำนวนกี่คนในช่วงเวลาที่เขายังป่วยอยู่ โดยใช้วิธี Next Generation Method โดยจัดการสมการเชิงอนุพันธ์ไม่เชิงเส้นในรูป $\frac{\partial X}{\partial t} = F(X) - V(X)$ เพื่อหาค่า R_0 จากเมตริกซ์ $P\left(Fv^{-1}\right)$ ซึ่ง F(X) คือ เมตริกซ์ของผู้ป่วยที่เพิ่มขึ้น, V(X) คือ เมตริกซ์ของผู้ป่วย ที่เปลี่ยนสถานะจากกลุ่มหนึ่งไปอีกกลุ่มหนึ่ง ได้จากอนุพันธ์ย่อย ดังนี้

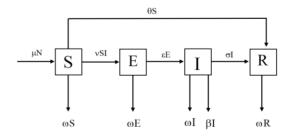
$$X = \begin{bmatrix} S \\ E \\ I \\ R \end{bmatrix}, F = \left[\frac{\partial F_i(E_0)}{\partial X_i} \right] \text{และ } V = \left[\frac{\partial V_i\left(E_0\right)}{\partial X_i} \right]$$
โดยพิจารณา R_0 ดังนี้



- 1) $R_0 > 1$ แสดงว่า โรคมีการระบาดเพิ่มขึ้น (Epidemic)
- 2) $R_0 = 1$ แสดงว่า โรคเริ่มเสถียร (Endemic)
- 3) $R_0 < 1$ แสดงว่า โรคไม่มีการแพร่ระบาด
- 3.2 การวิเคราะห์เสถียรภาพ เป็นการหาค่าลักษณะเฉพาะ (Eigen Value) เพื่ออธิบายคำตอบของสมการเกี่ยวกับค่า ความสมดุลสำหรับการตรวจสอบว่าเป็น Local Asymptotically Stable มี 2 กรณี ดังนี้
- 3.2.1 Local Asymptotically Stable ณ จุด E_0 ของจุดสมดุลที่ไม่มีโรค โดยการตรวจสอบค่าลักษณะเฉพาะ ของจาโคเบียนเมทริกซ์ ณ สภาวะที่ไม่มีโรค (E_0) ซึ่งจะได้สมการลักษณะเฉพาะจาก $\det(\mathbf{J}_0-\lambda\mathbf{I})=0$ ซึ่ง \mathbf{J}_0 คือ จาโคเบียนเมทริกซ์ ณ จุด E_0 และ \mathbf{I} คือ เมทริกซ์เอกลักษณ์ โดยมีข้อกำหนดว่า λ ทุกค่าส่วนจริงจะเป็นลบซึ่งจะสอดคล้องตามเงื่อนไขของ Routh-Hurwitz ซึ่งจะส่งผลให้ค่า $\mathbf{R}_0<1$
- 3.2.2 Local Asymptotically Stable ณ จุด E_1 ของจุดสมดุลที่มีโรค โดยการตรวจสอบค่าลักษณะเฉพาะของ จาโคเบียนเมทริกซ์ ณ สภาวะที่มีการแพร่ระบาดของโรค $\left(E_1\right)$ ซึ่งจะได้สมการลักษณะเฉพาะจาก $\det(J_1-\lambda I)=0$ ซึ่ง J_1 คือ จาโค เบียนเมทริกซ์ ณ จุด E_1 และ I คือ เมทริกซ์เอกลักษณ์ โดยมีข้อกำหนดว่า λ ทุกค่าส่วนจริงจะเป็นลบซึ่งจะสอดคล้องตามเงื่อนไขของ Routh-Hurwitz ซึ่งจะส่งผลให้ค่า $R_0>1$
- 3.3 การวิเคราะห์เชิงตัวเลข การวิเคราะห์เชิงตัวเลขเป็นการพิจารณาหาค่าพารามิเตอร์ที่เหมาะสมที่ทำให้จุดสมดุลที่ไม่ มีโรค (Disease Free Equilibrium Point: \mathbf{E}_0) และจุดสมดุลที่เกิดการแพร่ระบาดของโรค (Endemic Equilibrium Point: \mathbf{E}_1) ที่ ทำให้ระบบสมการเชิงอนุพันธ์ไม่เชิงเส้นเป็น Local Asymptotically Stable เพื่อนำค่าพารามิเตอร์ไปคำนวณหาคำตอบเชิงตัวเลข โดยจำลองแบบด้วยโปรแกรม MATLAB (สุกัลยา ศรีสุริฉัน, 2559)

ผลการวิจัย

ตอนที่ 1 ผลการพัฒนาตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์จากการเพิ่มตัวแปรการฉีดวัคซีนเพื่อป้องกันการระบาดของโรคโควิด-19 จากตัวแปรข้างต้นผู้วิจัยได้สร้างแผนภาพผลการฉีดวัคชีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการป้องกันโรคโควิด-19



ภาพที่ 1 แผนภาพความสัมพันธ์และองค์ประกอบผลของการฉีดวัคชีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการป้องกันโรคโควิด-19

จากภาพที่ 1 สามารถเปลี่ยนตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์เป็นระบบสมการเชิงอนุพันธ์แบบไม่เชิงเส้น

$$\frac{dS}{dt} = \mu N - \nu SI - \omega S - \theta S \tag{1}$$

$$\frac{dE}{dt} = vSI - \varepsilon E - \omega E \tag{2}$$

$$\frac{dI}{dt} = \varepsilon E - \sigma I - \omega I - \beta I \tag{3}$$

$$\frac{\mathrm{dR}}{\mathrm{dt}} = \sigma \mathbf{I} + \theta \mathbf{S} - \omega \mathbf{R} \tag{4}$$

สถาบันวิจัยและพัฒนา มหาวิทยาลัยราชภักเลย



โดยมีเงื่อนไขประชากรมนุษย์จำนวนคงที่ N=S+E+I+R เมื่อกำหนดสัญลักษณ์พารามิเตอร์ เป็นอัตราการเกิดของ ประชากร, ω เป็นอัตราการเสียชีวิตของประชากร, ν เป็นอัตราการสัมผัสเชื้อ, ϵ เป็นอัตราการพักตัวของเชื้อ, σ เป็นอัตรา ภูมิคุ้มกัน, β เป็นอัตราการตายที่เกิดจากโรคโควิด-19 และ N เป็นจำนวนประชากรทั้งหมด เนื่องจากค่าอนุพันธ์ของค่าคงที่จะมีค่า เป็นศูนย์ และค่าจำนวนของประชากรแต่ละกลุ่มจะ มีค่าไม่เกิน N โดยดำเนินการดังนี้

1. การวิเคราะห์ตามแบบมาตรฐาน

จาก Rate of change = Rate inflow-Rate outflow

จะได้
$$\frac{dN}{dt} = \frac{dS}{dt} + \frac{dE}{dt} + \frac{dI}{dt} + \frac{dR}{dt}$$

$$= \mu N - \nu SI - \omega s - \theta S + \nu SI - \epsilon E - \omega E + \epsilon E - \sigma I - \omega I - \beta I + \sigma I + \theta S - \omega R$$
 ดังนั้น
$$\frac{dN}{dt} = \mu N - \omega S - \omega E - \omega I - \beta I - \omega R$$
 เมื่อ
$$S = N, E = 0, I = 0, R = 0$$
 จะได้
$$\frac{dN}{dt} = \mu N - \omega N - \omega(0) - \beta(0) - \omega(0)$$

$$\frac{dN}{dt} = \mu N - \omega N$$

$$\frac{dN}{dt} = (\mu - \omega) N$$

แสดงว่า N เป็นค่าคงที่ เมื่อ $\mu=\omega$

 $1.1 \quad \text{กาหาจุดสมคุล โดยจัดสมการอนุพันธ์แบบไม่เชิงเส้นของตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ให้เท่ากับศูนย์ ดังนี้ \\ \frac{dS}{dt} = 0, \\ \frac{dE}{dt} = 0, \\ \frac{dI}{dt} = 0, \\ \frac{dR}{dt} = 0 \quad \text{จะได้}$

$$s^* = \frac{\mu N}{v_1^* + \omega + \theta} \tag{5}$$

$$E^* = \frac{\nu \mu NI(\varepsilon + \omega)}{VI + \omega + \theta} \tag{6}$$

$$I^* = \frac{\varepsilon \nu \mu N(\varepsilon + \omega)(\sigma + \omega + \beta) - \omega + \theta}{\nu}$$
 (7)

$$R^* = \frac{\sigma I^* + \theta \mu N \omega}{V^* + \omega + \theta} \tag{8}$$

1.1.1 การหาจุดสมดุลที่ไม่มีโรค (E_0) จากสมการ (1), (2), (3) และ (4) จะได้ค่าจุดสมดุลที่ไม่มีโรค (Disease Free Equilibrium Point : E_0) ในกรณีที่ไม่มีการติดเชื้อ โดยกำหนดให้ I=0,S=N และ R=0

 $E_0 = (S, E, I, R) = E_0 \left(\frac{\mu N}{\omega + \theta}, 0, 0 \frac{\theta \mu N}{\omega (\omega + \theta)} \right)$ เสถียรของระบบ (stability of Systems) ที่จุด E_0 โดยดำเนินการหาสมการ

ลักษณะเฉพาะ $\det(J_0-\lambda I)=0$ เพื่อหาค่า λ เมื่อ λ เป็นค่าลักษณะเฉพาะ (Eigen Values) และ I เป็นเมทริกซ์เอกลักษณ์ขนาด

$$J_0 = \begin{bmatrix} -\omega - \theta & 0 & -\nu S & 0 \\ \nu I & -\epsilon - \omega & \nu S & 0 \\ 0 & \epsilon & -\sigma - \omega - \beta & 0 \\ \theta & 0 & \sigma & -\omega \end{bmatrix}, J_0 - \lambda I = \begin{bmatrix} -\omega - \theta & 0 & -\nu S & 0 \\ \nu I & -\epsilon - \omega & \nu S & 0 \\ 0 & \epsilon & -\sigma - \omega - \beta & 0 \\ \theta & 0 & \sigma & -\omega \end{bmatrix} - \begin{bmatrix} \lambda & 0 & 0 & 0 \\ 0 & \lambda & 0 & 0 \\ 0 & 0 & \lambda & 0 \\ 0 & 0 & 0 & \lambda \end{bmatrix}$$

$$\det \left(\mathbf{J}_0 - \lambda \mathbf{I} \right) = \begin{bmatrix} -\omega - \theta - \lambda & 0 & -\nu \mathbf{S} & 0 \\ \nu \mathbf{I} & -\epsilon - \omega - \lambda & \nu \mathbf{S} & 0 \\ 0 & \epsilon & -\sigma - \omega - \beta - \lambda & 0 \\ \theta & 0 & \sigma & -\omega - \lambda \end{bmatrix}$$

$$\det \left(\mathsf{J}_0 - \lambda \mathsf{I} \right) = \left(-\omega - \lambda \right) \left(-\theta - \lambda - \omega \right) \left(\beta \epsilon + \beta \lambda + \epsilon \lambda + \lambda^2 - \epsilon \nu + \epsilon \sigma + \lambda \sigma + \beta \omega + \epsilon \omega + 2\lambda \omega + \sigma \omega + \omega^2 \right)$$

จะได้
$$\left(-\omega-\lambda\right)$$
 =0 หรือ $\left(-\theta-\lambda-\omega\right)$ =0 หรือ $\left(\beta\epsilon+\beta\lambda+\epsilon\lambda+\lambda^2-\epsilon\nu+\epsilon\sigma+\lambda\sigma+\beta\omega+\epsilon\omega+2\lambda\omega+\sigma\omega+\omega^2\right)$ =0

จะได้ค่าสมการลักษณะเฉพาะดังนี้



ดังนั้น
$$\begin{split} \lambda_1 &= -\omega \,, \lambda_2 = \left(-\theta - \omega \right) \,, \\ \lambda_3 &= \frac{1}{2} \bigg(-\beta - \varepsilon - \sigma - \sqrt{\beta^2 - 2\beta\varepsilon + \varepsilon^2 + 4\varepsilon\nu + 2\beta\sigma - 2\varepsilon\sigma + \sigma^2} - 2\omega \bigg) \,, \\ \lambda_4 &= \frac{1}{2} \bigg(-\beta - \varepsilon - \sigma + \sqrt{\beta^2 - 2\beta\varepsilon + \varepsilon^2 + 4\varepsilon\nu + 2\beta\sigma - 2\varepsilon\sigma + \sigma^2} - 2\omega \bigg) \end{split}$$

 $1.1.2 \quad \text{การหาจุดสมดุลเกิดการแพร่ระบาดของเชื้อโรค } (E_1) \text{ จากสมการ } (1),(2),(3) \text{ และ } (4) \text{ จะได้ค่าจุดสมดุลที่เกิด จากการแพร่ระบาดของเชื้อโรค } (Endemic Equilibrium Point : E_1) ในกรณีที่มีการแพร่ระบาดของเชื้อโรค โดยกำหนดให้ <math>I>0$ และ $S=N \quad \vec{\nabla} \text{ ซึ่งได้จาก } E_1=\left(S^*,E^*,I^*,R^*\right)=\left(\frac{\mu N}{\nu I^*+\omega+\theta},\frac{\nu\mu NI(\epsilon+\omega)}{VI+\omega+\theta},\frac{\epsilon\nu\mu N(\epsilon+\omega)(\sigma+\omega+\beta)-\omega+\theta}{\nu},\frac{\sigma I^*+\theta\mu N\omega}{VI^*+\omega+\theta}\right) \text{ ดังนั้น สมการลักษณะเฉพาะ } \vec{\nabla} \text{ กร } \vec{\nabla} \text{ เมื่อ } \vec{\nabla} \text{ เมื่อ } \vec{\nabla} \text{ เมื่อ } \vec{\nabla} \text{ เป็นค่าลักษณะเฉพาะ } \text{ (Eigen Values) และ } I_3 \text{ เป็นเมทริกซ์ เอกลักษณ์ขนาด } 3\times3 \text{ ดังนี้}}$

$$J_1 = \begin{bmatrix} -\nu I^* - \omega - \theta & 0 & -\nu S^* & 0 \\ \nu I^* & -\epsilon - \omega & \nu S & 0 \\ 0 & \epsilon & -\sigma - \omega - \beta & 0 \\ \theta & 0 & \sigma & -\omega \end{bmatrix}, J_1 - \lambda I = \begin{bmatrix} -\nu I^* - \omega - \theta - \lambda & 0 & -\nu S^* & 0 \\ \nu I^* & -\epsilon - \omega - \lambda & \nu S & 0 \\ 0 & \epsilon & -\sigma - \omega - \beta - \lambda & 0 \\ \theta & 0 & \sigma & -\omega - \lambda \end{bmatrix}$$

$$\begin{split} \det \left(\mathbf{J}_{\mathbf{I}} - \lambda \mathbf{I} \right) &= \left(-\omega - \lambda \right) \left[\left[\left(-\nu \mathbf{I}^* - \omega - \theta - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\sigma - \omega - \beta - \lambda \right) + \left(-\nu \mathbf{S}^* \right) \left(\nu \mathbf{I}^* \right) \left(\epsilon \right) \right] \right] - \left[\epsilon \nu \mathbf{S} \left(-\nu \mathbf{I}^* - \omega - \theta \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \right] + \left(-\nu \mathbf{S}^* \left[\frac{1}{2} \right] \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\sigma - \omega - \beta - \lambda \right) + \left(-\nu \mathbf{S}^* \left[\frac{1}{2} \right] \right) \left(-\varepsilon - \omega - \beta \lambda \right) \right] \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \left(-\omega - \lambda \right) \left[\left(-\nu \mathbf{I}^* - \omega - \theta - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\sigma - \omega - \beta - \lambda \right) + \left(-\nu \mathbf{S}^* \right) \left(\nu \mathbf{I}^* \right) \left(\varepsilon \right) \right] \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \left(-\omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\sigma - \omega - \beta - \lambda \right) + \left(-\nu \mathbf{S}^* \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \left(-\omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \left(-\omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[\frac{1}{2} \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega - \lambda \right] \left(-\varepsilon - \omega - \omega - \lambda \right) \left(-\varepsilon - \omega - \omega - \lambda \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega - \omega \right] \left(-\varepsilon - \omega - \omega - \omega \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega - \omega \right] \left(-\varepsilon - \omega - \omega - \omega \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega - \omega \right] \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega - \omega \right] \left(-\varepsilon - \omega - \omega \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega \right] \left(-\varepsilon - \omega - \omega \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega - \omega \right] \left(-\varepsilon - \omega - \omega \right) \right] \\ &= \left[\tilde{\mathbf{J}} \left[-\varepsilon - \omega -$$

$$a_1 = (-\beta - \varepsilon - \theta - I\nu - \sigma - 3\omega)$$

$$\boldsymbol{a}_2 = \left(-\beta \epsilon - \beta \theta - \epsilon \theta - I \beta \nu - I \epsilon \nu + S \epsilon \nu - \epsilon \sigma - \theta \sigma - I \nu \sigma - 2 \beta \omega - 2 \epsilon \omega - 2 I \nu \epsilon - 2 \sigma \omega - 3 \omega^2 \right)$$

$$a_{_{3}} = - \left(-\beta \epsilon \theta - I \beta \epsilon \nu + S \epsilon \theta \nu - \epsilon \theta \sigma - I \epsilon \nu \sigma - \beta \epsilon \omega - \beta \theta \omega - \epsilon \theta \omega - I \beta \nu \omega - I \epsilon \nu \omega + S \epsilon \nu \omega - \epsilon \sigma \omega - \theta \sigma \omega - I \nu \sigma \omega - \beta \omega^{2} - \epsilon \omega^{2} - \theta \omega^{2} - I \nu \omega^{2} - \sigma \omega^{2} - \omega^{3} \right)$$

1.2 การหาค่าระดับการติดเชื้อ (R_0) เป็นการหารัศมีที่โดดเด่นของการแพร่ระบาดของโรค โดยใช้วิธีการ Next Generation Method โดยจะได้สมการ (1) - (4) จะได้เมทริกซ์ในรูป $\frac{\partial X}{\partial t} = F(X) - V(X)$ เพื่อหาค่า spectral radius $P\left(FV^{-1}\right)$ ซึ่ง F(X) และ V(X) ได้จากอนุพันธ์ย่อย ดังนี้

เมื่อ F(X)คือเมทริกซ์ของผู้ป่วยที่เพิ่มขึ้น และ V(X) คือเมทริกซ์ของผู้ป่วยที่เปลี่ยนสถานะจากกลุ่มหนึ่งไปอีกกลุ่ม หนึ่งโดยพิจารณาค่าระดับการติดเชื้อ $\left(R_0\right)$ โดยพิจารณา ดังนี้

$$F(X) = \begin{bmatrix} 0 \\ vSI \\ 0 \\ 0 \end{bmatrix}, V(X) = \begin{bmatrix} -\mu N + vSI + \omega S + \theta S \\ \epsilon E + \omega E \\ -\epsilon E + \sigma I + \omega I + \beta I \\ -\sigma I + \omega R - \theta S \end{bmatrix}$$

ให้
$$E_0 = (S, E, I, R) = (N, 0, 0, N)$$

$$\text{FEO} = \begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & \frac{\nu\mu N}{(\omega+\theta)} & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 \end{bmatrix}, V\left(E_0\right) = \begin{bmatrix} \omega+\theta & 0 & \frac{\nu\mu N}{\omega+\theta} & 0 \\ 0 & \epsilon+\omega & 0 & 0 \\ 0 & -\epsilon & \sigma+\omega+\beta & 0 \\ -\theta & 0 & -\sigma & \omega \end{bmatrix}$$



จะได้

$$FV^{-1}\big(E_{_{0}}\big) = \begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & \frac{\nu\mu N\epsilon}{\big(\omega+\theta\big)\big(\epsilon+\omega\big)\big(\sigma+\omega+\beta\big)} & \frac{\nu\mu N}{\big(\omega+\theta\big)\big(\sigma+\omega+\beta\big)} & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 \end{bmatrix}$$

จาก

$$det \Big[FV^{-1}\big(E_{_0}\big)\Big] = \begin{bmatrix} 0-\lambda & 0 & 0 & 0 \\ 0 & \frac{\nu\mu N\epsilon}{\big(\omega+\theta\big)\big(\epsilon+\omega\big)\big(\sigma+\omega+\beta\big)} - \lambda & \frac{\nu\mu N}{\big(\omega+\theta\big)\big(\sigma+\omega+\beta\big)} & 0 \\ 0 & 0 & 0-\lambda & 0 \\ 0 & 0 & 0-\lambda \end{bmatrix}$$

จะได้
$$\det \Big[FV^{-1} \big(E_0 \big) - \lambda I \Big] = (-\lambda) \big(-\lambda \big) \Bigg(\frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta) \big(\epsilon + \omega \big) \big(\sigma + \omega + \beta \big)} - \lambda \Bigg)$$
 ดังนั้น
$$\lambda_1 = 0, \lambda_2 = 0, \lambda_3 = 0, \lambda_4 = \frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta) \big(\epsilon + \omega \big) \big(\sigma + \omega + \beta \big)}$$
 จากบทนิยาม
$$p \Big(Fv^{-1} \big(E_0 \big) \Big) = \max \Bigg\{ 0, 0, 0, \frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta) \big(\epsilon + \omega \big) \big(\sigma + \omega + \beta \big)} \Bigg\}$$
 ดังนั้น
$$p \Big(Fv^{-1} \big(E_0 \big) \Big) = \frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta) \big(\epsilon + \omega \big) \big(\sigma + \omega + \beta \big)}$$
 จะได้ค่าระดับการติดเชื้อ คือ
$$R_0 = \frac{\nu \mu N \epsilon}{(\omega + \theta) \big(\epsilon + \omega \big) \big(\sigma + \omega + \beta \big)}$$

ตอนที่ 2 ผลการวิเคราะห์เชิงตัวเลขผลของการฉีดวัคซีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการป้องกันโรค โควิด-19 กรณีศึกษาในจังหวัดภูเก็ต

การวิจัยในครั้งนี้ผู้วิจัยได้วิเคราะห์เชิงตัวเลข โดยนำค่าพารามิเตอร์ที่ได้จากหน่วยงานกระทรวงสาธารณสุขจังหวัดภูเก็ตในปี พ.ศ.2564 เกี่ยวกับการฉีดวัคซีนป้องกันโรคโควิด-19 ซึ่งมีค่าต่างๆ ดังนี้

ตารางที่ 1 ค่าพารามิเตอร์ที่ได้จากการสำรวจข้อมูลเกี่ยวกับการฉีดวัคซีนป้องกันโรคโควิด-19

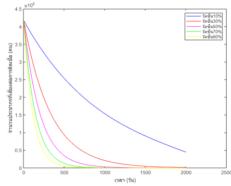
ข้อความ	สัญลักษณ์	ค่าพารามิเตอร์	หน่วย
จำนวนประชากรมนุษย์ทั้งหมด	N	417,161	คน
อัตราการเกิดของประชากร	μ	2.17058×10 ⁻⁵	คนต่อวัน
อัตราการเสียชีวิตของประชากร	ω	1.12962×10 ⁻⁵	คนต่อวัน
อัตราการฉีดวัคซีน	θ	2.34843×10 ⁻³	คนต่อวัน
อัตราการสัมผัสเชื้อ	ν	1.22964×10 ⁻⁴	คนต่อวัน
อัตราการฟักตัวของเชื้อ	3	1.369863×10 ⁻²	คนต่อวัน
อัตราการหายจากธรรมชาติ	σ	1.369863×10 ⁻⁴	คนต่อวัน
อัตราการตายจากโรคโควิด-19	β	9.26025×10 ⁻⁷	คนต่อวัน

^{*}สำนักงานสาธารณสุขจังหวัดภูเก็ต



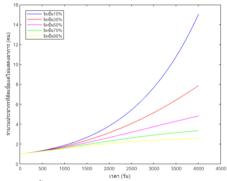
เมื่อพิจารณาเสถียรภาพของระบบ ณ จุดสมดุลที่ไม่มีโรค จะพบว่าค่าลักษณะเฉพาะทุกค่ามีส่วนจริงเป็นค่าลบ และสอดคล้องกับ เงื่อนไขของ Routh-hurvitz ส่งผลให้คำตอบจะลู่เข้าสู่ $E_0=N,0,0,0$ ดังนั้นจุดสมดุลที่ไม่มีโรค E_0 จะเป็น Local Asymptotically (Fred Brauer, Pauline den Driessche and Jianhong Wu(Eds.)2008)

เมื่อพิจารณาเสถียรภาพของระบบ ณ จุดสมดุลที่มีโรค จะพบว่าค่าลักษณะเฉพาะทุกค่ามีส่วนจริงเป็นค่าลบ และสอดคล้องกับ เงื่อนไขของ Routh-hurwitz ส่งผลให้คำตอบจะลู่เข้าสู่ $\mathbf{E}_i = \left(\mathbf{S}^*, \mathbf{E}^*, \mathbf{I}^*, \mathbf{R}^*\right)$ ดังนั้นจุดสมดุลที่มีโรค \mathbf{E}_i จะเป็น Local Asymptotically



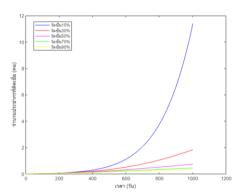
ภาพที่ 2 อัตราการเปลี่ยนแปลงของจำนวนประชากรกลุ่มเสี่ยง (S) ณ เวลา t ใด ๆ (θ) =0.1,0.3,0.5,0.7,0.9 ตามลำดับ ณ เสถียรภาพของจุดสมดุลมีโรค

จากภาพที่ 2 เมื่อเพิ่มอัตราการฉีดวัคซีนลงในตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ให้มากขึ้นจะพบว่า อัตราการเปลี่ยนแปลงของกลุ่ม ประชากรกลุ่มเสี่ยงจะค่อย ๆ ลดลงและเปลี่ยนแปลงอย่างช้าๆ ซึ่งถ้าประชากรได้รับการฉีดวัควีนเป็นจำนวนมากขึ้นจะส่งผลให้จำนวน ประชากรกลุ่มเสี่ยงลดลงอย่างช้าๆ และใช้เวลานานขึ้น นั้นหมายความว่ามีการแพร่ระบาดของโรคลดน้อยลง



ภาพที่ 3 อัตราการเปลี่ยนแปลงของจำนวนประชากรกลุ่มติดเชื้อแต่ไม่แสดงอาการ (E) ณ เวลา t ใดๆ (θ) =0.1,0.3,0.5,0.7,0.9 ตามลำดับ ณ เสถียรภาพ ของจุดสมดุลมีโรค

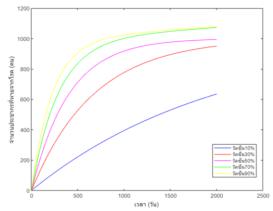
จากภาพที่ 3 เมื่อเพิ่มอัตราการฉีดวัคซีนลงในตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ให้มากขึ้นจะพบว่า อัตราการเปลี่ยนแปลงของกลุ่ม ประชากรกลุ่มติดเชื้อแต่ไม่แสดงอาการจะลดลงอย่างเห็นได้ชัด และยังพบว่าจุดสุงสุดของประชากรกลุ่มติดเชื้อแต่ไม่แสดงอาการ เปลี่ยนแปลงอย่างเห็นได้ชัดเจน



ภาพที่ 4 อัตราการเปลี่ยนแปลงของจำนวนประชากรกลุ่มติดเชื้อ (I) ณ เวลา t ใดๆ (θ)=0.1,0.3,0.5,0.7,0.9 ตามลำดับ ณ เสถียรภาพของจุดสมดุลมีโรค



จากภาพที่ 4 เมื่อเพิ่มอัตราการฉีดวัคซีนลงในตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ให้มากขึ้นจะพบว่า อัตราการเปลี่ยนแปลงของกลุ่ม ประชากรกลุ่มติดเชื้อ จะลดลงอย่างเห็นได้ชัด และพบว่าจำนวนคนติดเชื้อ ณ จุดสูงสุดของกราฟของประชากรกลุ่มติดเชื้อเปลี่ยนแปลง อย่างเห็นได้ชัดเจน ดังภาพที่ 5



ภาพที่ 5 อัตราการเปลี่ยนแปลงของจำนวนประชากรกลุ่มที่หายจากโรค (R) ณ เวลา t ใด ๆ (θ) =0.1,0.3,0.5,0.7,0.9 ตามลำดับ ณ เสถียรภาพของจุด สมดุลมีโรค

จากภาพที่ 5 เมื่อเพิ่มอัตราการฉีดวัคซีนลงในตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ จะส่งผลให้จำนวนประชากรกลุ่มติดเชื้อเปลี่ยนไปเป็น กลุ่มที่หายป่วยจากโรครวดเร็วขึ้น เนื่องจากคนติดเชื้อน้อยลงจึงส่งผลให้เกิดการแพร่ระบาดลง

จากการศึกษาพบว่าอัตรากรฉีดวัคซีนป้องกันเป็นผลปัจจัยหนึ่งต่อตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์เกี่ยวกับการฉีดวัคซีนป้องกันโรค โควิด-19 โดยพบว่าถ้าประชากรที่เสี่ยงต่อการติดเชื้อมีการฉีดวัคซีนป้องกันน้อยจะส่งผลให้การแพร่ระบาดของโรคเพิ่มขึ้นและ ถ้าประชากรที่เสี่ยงต่อการติดเชื้อมีการฉีดวัคซีนป้องกันเป็นจำนวนมากขึ้นจะส่งผลให้การแพร่ระบาดของโรคลดลง

สรุปผลการวิจัย

การวิจัยครั้งนี้มีวัตถุประสงค์เพื่อพัฒนาผลของการฉีดวัคซีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการป้องกันโรคโควิด-19 และ วิเคราะห์เสถียรภาพของผลของการฉีดวัคซีนสำหรับตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการป้องกันโรคโควิด-19 ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ ที่ใช้ ในการวิจัยครั้งนี้ คือ ระบบสมการอนุพันธ์แบบไม่เชิงเส้น ซึ่งประกอบด้วย ประชากรที่เสี่ยงต่อการติดเชื้อ ประชากรที่ติดเชื้อแต่ไม่ แสดงอาการ ประชากรที่ติดเชื้อ และประชากรที่หายจากโรค ซึ่งผู้วิจัยเพิ่มค่าพารามิเตอร์ (θ)คือ อัตราการฉีดวัคซีนลงในตัวแบบเชิง คณิตศาสตร์ใช้วิธีการวิเคราะห์วิธีมาตรฐาน และวิเคราะห์เชิงตัวเลขสำหรับตรวจสอบการแพร่ระบาดของโรค

ผู้วิจัยได้พิจารณาจุดสมคุลที่ไม่มีโรคและจุดสมคุลที่เกิดการแพร่ระบาดของโรคโดยการวิเคราะห์จุดสมคุลและเสถียรภาพของ จุดสมคุลด้วยวิธีการวิเคราะห์วิธีมาตรฐานซึ่งค่าเสถียรภาพของระบบ Local Asymptotically Stable ที่ได้ต้องเป็นไปตามเงื่อนไขของ Routh-Hurwitz เพื่อสามารถหาค่าพารามิเตอร์ \mathbf{R}_0 ซึ่งมีความจำเป็นภายใต้เงื่อนไขเพื่อให้ Local Asymptotically Stability of Equilibrium Stable ที่มีเสถียรภาพในส่วนของจุดสมคุลที่ไม่มีโรคและจุดสมคุลที่เกิดการแพร่ระบาดของโรค โดยที่ $\mathbf{R}_0 = \frac{\mathbf{v} \mu \mathbf{N} \mathbf{E}}{(\omega + \theta)(\varepsilon + \omega)(\sigma + \omega + \beta)}$ สามารถพิจารณาค่าระดับการติดเชื้อ $\left(\mathbf{R}_0\right)$ โดยค่า $\mathbf{R}_0 < 1$ วิเคราะห์ได้ว่า ณ จุดสมคุลที่ไม่มีโรคจึง

ไม่เกิดการแพร่ระบาดของโรค และค่า $R_0>1$ วิเคราะห์ได้ว่า ณ จุดสมดุลที่มีการติดเชื้อจึงเกิดการแพร่ระบาดของโรค จากการ วิเคราะห์เชิงตัวเลขพบว่าจุดสมดุลทั้งสองเป็น Local Asymptotically Stable

จากการวิจัยพบว่าประสิทธิภาพการฉีดวัคซีนป้องกันเป็นผลปัจจัยหนึ่งที่ส่งผลต่อการเปลี่ยนแปลงของตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ SEIR สำหรับการควบคุมการแพร่ระบาดของโรค ถ้าประชากรที่เสี่ยงต่อการติดเชื้อโควิด-19มีการฉีดวัคซีนป้องกันจำนวน มาก จะส่งผลให้การแพร่ระบาดของโรคลดลง แต่อย่างไรก็ตามในปัจจุบันสถานการณ์โรคโควิด-19ในประเทศไทยค่า (R_0) ยังคงมีการ เปลี่ยนแปลงอยู่เสมอ เนื่องจากการวิวัฒนาการของสายพันธุ์ไวรัสโรคโควิด-19 การสร้างภูมิคุ้มกันในร่างกายลดน้อยลง และยังมีการ พบปะสังสรรค์ การเดินทางไปหาสู่กัน การอยู่ร่วมกันในสังคมแออัด ดังนั้น เราจึงต้องมีการปรับเปลี่ยนค่าพารามิเตอร์ตลอดเวลา ตาม สถานการณ์ในปัจจุบัน



ข้อเสนอแนะ

- 1. ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ที่ได้จากการศึกษาในครั้งนี้สามารถนำไปประยุกต์ใช้กับโรคชนิดอื่น ที่มีลักษณะการแพร่ระบาด ของโรคคล้ายกับโรคโควิด-19 ได้
- 2. สามารถวิจัยและศึกษาองค์ประกอบอื่นๆ ที่มีผลกระทบต่อการควบคุมการแพร่ระบาดของโรคโควิด-19 โดยการเพิ่ม ค่าพารามิเตอร์อื่นๆ ได้ ได้แก่ การณรงค์การให้ความรู้ การสวมหน้ากากอนามัย เป็นต้น
- 3. สามารถพัฒนาตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของการแพร่ระบาดของโรคโควิด-19 โดยการเพิ่มค่าพารามิเตอร์จากกลุ่มที่หาย ป่วยแล้วกลับไปยังกลุ่มเสี่ยงอีกครั้งหนึ่ง เนื่องจากผู้ป่วยโควิด-19 ที่รักษาหายแล้วมีโอกาสติดเชื้อได้อีก

เอกสารอ้างอิง

กระทรวงสาธารณสุขจังหวัดภูเก็ต. (2565). **โควิด-19**. (ข้อมูลเมื่อ 28 ธันวาคม 2565๗)

ธีรวัฒน์ นาคะบุตร. (2546). **ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์**. นครปฐม: สถาบันราชภัฏนครปฐม.

แคทลียา ดวงเกตุ. (2556). **20 คำถามสำคัญของคณิตศาสตร์** (พิมพ์ครั้งที่2). (น.247-248). กรุงเทพฯ: มติชน.

กรมควบคุมโรค กระทรวงสาธารณะสุข. (2563-2565). **รายงานสถาณการ์การติดเชื้อไวรัสโคโรนา2019**. https://ddc.moph.go. th/covid19-dashboard/?dashboard=province>

กรมควบคุมโรค กระทรวงสาธารณสุข. (2563ก). **คู่มือการป้องกันและควบคุมโรคติดเชื้อไวรัสโคโรนา2019 สำหรับประชาชน**. กรุงเทพฯ: โรงพิมพ์ชุมนุมสหกรณ์การเกษตรแห่งประเทศไทย

อิทธิพล นวาระสุจิต และ คณะ. (2565). ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ของโรคโควิด-19 ในประเทศไทย. **วารสารการวิทยาศาสตร์และ** เทคโนโลยี มหาวิทยาลัยราชภัฎนครศวรรค์

อนุวัตร จิรวัฒนพาณิช, อนุรักษ์ วีระประเสริฐสกุล, สุดาทิพย์ หาญเชิงชัย และ จุฬาลักษณ์ ใจอ่อน. (2559). ตัวแบบเชิงคณิตศาสตร์ SEIR สำหรับการควบคุมการแพร่ระบาดของโรคอีสุกอีใสโดยการรณรงค์ให้ความรู้. **วารสารวิชาการ มหาวิทยาลัยราชภัฏ ภูเก็ต**, 13(2), 254-275.

Fred Brauer, Pauline den Driessche and Jianhong Wu. (2008). **Mathematical Epidemilogy**. 2563, http://link.springer.com/book/10.1007%2F978-3-540-789911-6

Contributions to the mathematical theory of epidemics--III. Further studies of the problem of endemicity. 1933

Kermack, W. O., and McKendrick, A. G. (1927). A Contribution to the Mathematical Theory of Epidemics. Containing Papers of a Mathematical and Physical Character, 115(772), 700-721. https://doi.org/10.1098/rspa.1927.0118