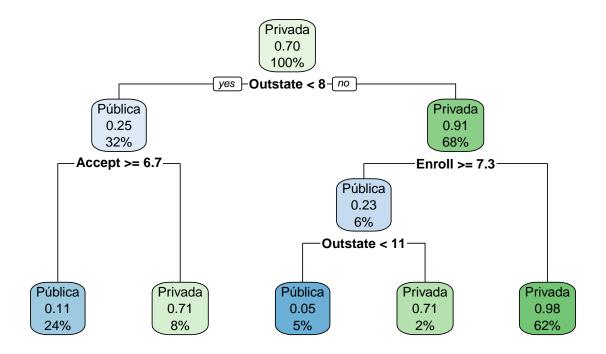
Práctica 1 Grupo 4

Iria Lago Portela Mario Picáns Rey Javier Kniffki David Bamio Martínez

Ejercicios

```
##
          rpart
                   rpart.plot
                                      caret randomForest
                                                                   pdp
                                                                             kernlab
##
           TRUE
                         TRUE
                                       TRUE
                                                     TRUE
                                                                   TRUE
                                                                                 TRUE
Preparación de los datos:
unis <- College4[, colnames(College4) != "Private"]
unis$Tipo <- factor(College4$Private == "Yes", labels = c("Pública", "Privada")) #Factor y cambio de et
#Proporción privada-pública
table(unis$Tipo)
##
## Pública Privada
               357
##
       143
#Semilla
set.seed(40)
nobs <- nrow(unis) #Filas</pre>
itrain <- sample(nobs, 0.8 * nobs)</pre>
train <- unis[itrain, ] # M. Entrenamiento</pre>
test <- unis[-itrain, ] # M. Prueba
tree <- rpart(Tipo ~ ., data = train)</pre>
#Gráfico
rpart.plot(tree, main = "Árbol de clasificación Privada-Pública")
```

Árbol de clasificación Privada-Pública



1. Obtener un árbol de decisión que permita clasificar las observaciones (universidades)

```
en privadas (`Private="Yes"`) o públicas (`Private="No"`).
```

##

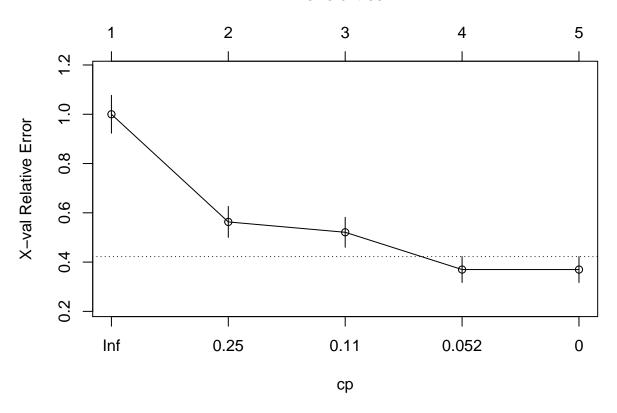
a. Seleccionar el parámetro de complejidad de forma automática, siguiendo el criterio de un error estándar de Breiman et al. (1984).

```
rpart.rules(tree, style = "tall")
## Tipo is 0.05 when
##
       Outstate is 8 to 11
       Enroll >= 7.3
##
##
## Tipo is 0.11 when
##
       Outstate < 8
##
       Accept >= 6.7
##
##
  Tipo is 0.71 when
##
       Outstate < 8
       Accept < 6.7
##
##
## Tipo is 0.71 when
##
       Outstate >= 11
       Enroll >= 7.3
##
```

```
## Tipo is 0.98 when
## Outstate >= 8
## Enroll < 7.3

tree <- rpart(Tipo ~ ., data = train, cp = 0)
plotcp(tree)</pre>
```

size of tree

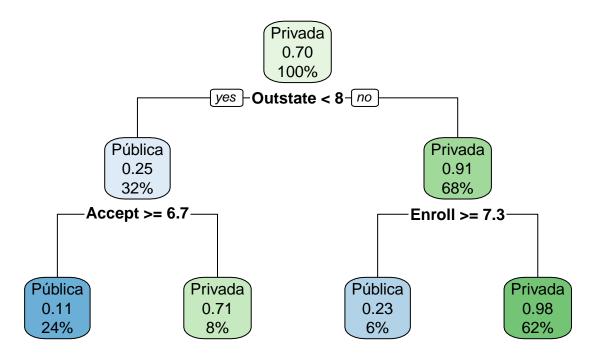


```
xerror <- tree$cptable[,"xerror"]
imin.xerror <- which.min(xerror)
upper.xerror <- xerror[imin.xerror] + tree$cptable[imin.xerror, "xstd"]
icp <- min(which(xerror <= upper.xerror))
cp <- tree$cptable[icp, "CP"]
tree <- prune(tree, cp = cp)</pre>
```

b. Representar e interpretar el árbol resultante.

```
rpart.plot(tree, main = "Árbol de clasificación privada-pública")
```

Árbol de clasificación privada-pública



Interpretación:

c. Evaluar la precisión, de las predicciones y de las estimaciones de la probabilidad, en la muestra de test.

```
#Predicciones
obs <- test$Tipo
head(predict(tree, newdata = test))
##
                                      Pública
                                                Privada
## University of San Francisco
                                   0.02016129 0.9798387
## Clarkson University
                                   0.02016129 0.9798387
## Marymount University
                                   0.02016129 0.9798387
## West Virginia Wesleyan College 0.02016129 0.9798387
## Salem-Teikyo University
                                   0.02016129 0.9798387
## Loyola Marymount University
                                   0.02016129 0.9798387
pred <- predict(tree, newdata = test, type = "class")</pre>
table(obs, pred)
##
            pred
## obs
             Pública Privada
                  17
    Pública
                           70
     Privada
confusionMatrix(pred,obs)
```

Confusion Matrix and Statistics

```
##
##
             Reference
## Prediction Pública Privada
##
      Pública
                   17
##
      Privada
                    7
                           70
##
##
                  Accuracy: 0.87
                    95% CI: (0.788, 0.9289)
##
##
       No Information Rate: 0.76
       P-Value [Acc > NIR] : 0.004749
##
##
##
                     Kappa: 0.6385
##
   Mcnemar's Test P-Value : 1.000000
##
##
##
               Sensitivity: 0.7083
               Specificity: 0.9211
##
##
            Pos Pred Value: 0.7391
##
            Neg Pred Value: 0.9091
##
                Prevalence: 0.2400
##
            Detection Rate: 0.1700
##
      Detection Prevalence: 0.2300
##
         Balanced Accuracy: 0.8147
##
          'Positive' Class : Pública
##
##
```

2. Realizar la clasificación anterior empleando Bosques Aleatorios mediante

```
el método `"rf"` del paquete `caret`.
```

a. Considerar 300 árboles y seleccionar el número de predictores empleados en cada división mtry = c(1, 2, 4, 6) mediante validación cruzada, con 10 grupos y empleando el criterio de un error estándar de Breiman.

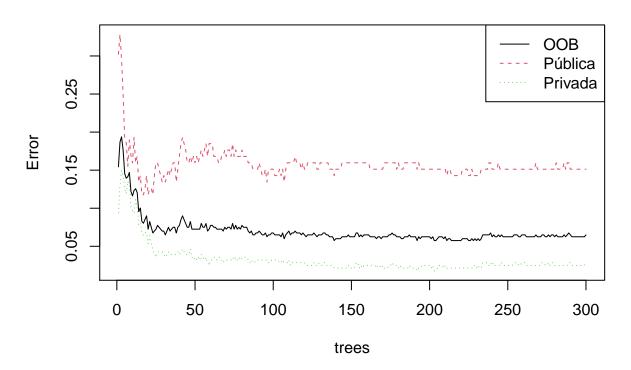
```
tuneGrid <- data.frame(mtry = c(1, 2, 4, 6))

rf.caret <-
    train(
        Tipo ~ .,
        data = train,
        method = "rf",
        ntree = 300,
        tuneGrid = tuneGrid,
        trControl = trainControl(
            method = "cv",
             number = 10,
            selectionFunction = "oneSE"
        )
    )

final <- rf.caret$finalModel</pre>
```

b. Representar la convergencia del error en las muestras OOB en el modelo final.

Tasas de error OOB



c. Estudiar la importancia de las variables y el efecto de las principales empleando algún método gráfico (para la interpretación del modelo).

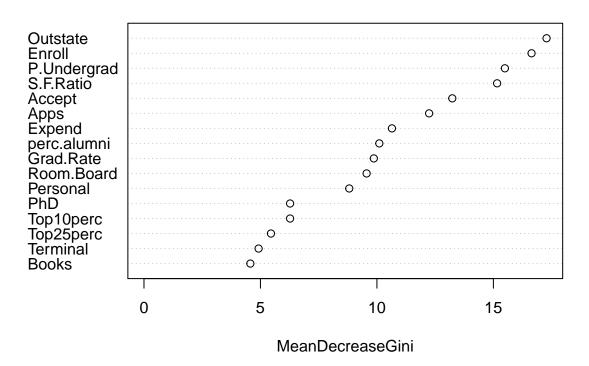
importance(final)

##		${\tt MeanDecreaseGini}$
##	Apps	12.241090
##	Accept	13.235416
##	Enroll	16.638087
##	Top10perc	6.272712
##	Top25perc	5.452311
##	P.Undergrad	15.493902
##	Outstate	17.283349
##	Room.Board	9.557924
##	Books	4.566409
##	Personal	8.812833
##	PhD	6.273321
##	Terminal	4.920698

```
## S.F.Ratio 15.160058
## perc.alumni 10.102554
## Expend 10.644972
## Grad.Rate 9.867373
```

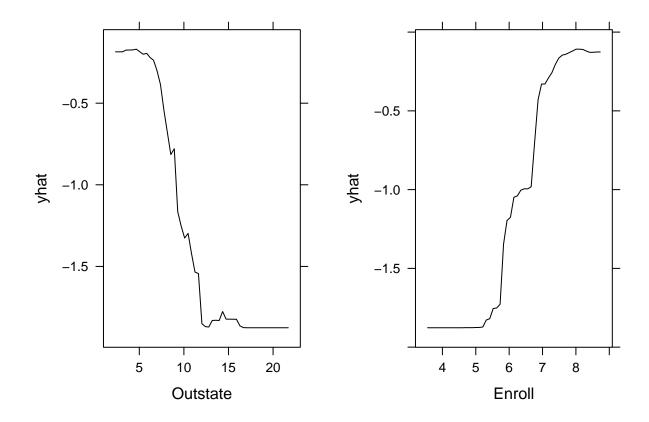
varImpPlot(final)

final



```
pdp1 <- partial(final, "Outstate", train = train)
p1 <- plotPartial(pdp1)

pdp2 <- partial(final, "Enroll", train = train)
p2 <- plotPartial(pdp2)
grid.arrange(p1, p2, ncol = 2)</pre>
```



d. Evaluar la precisión de las predicciones en la muestra de test y comparar los resultados con los obtenidos con el modelo del ejercicio anterior.

```
obs <- test$Tipo
head(predict(final, newdata = test))
      University of San Francisco
##
                                               Clarkson University
##
                           Privada
                                                           Privada
##
             Marymount University West Virginia Wesleyan College
##
                           Privada
                                                            Privada
##
          Salem-Teikyo University
                                      Loyola Marymount University
##
                           Privada
                                                            Privada
## Levels: Pública Privada
pred <- predict(final, newdata = test, type = "class")</pre>
table(obs, pred)
##
            pred
## obs
             Pública Privada
##
     Pública
                   18
                            6
     Privada
                           72
confusionMatrix(pred, obs)
## Confusion Matrix and Statistics
##
##
             Reference
```

```
## Prediction Pública Privada
##
      Pública
                   18
##
      Privada
                   6
                           72
##
##
                  Accuracy: 0.9
##
                    95% CI: (0.8238, 0.951)
##
       No Information Rate: 0.76
       P-Value [Acc > NIR] : 0.0003075
##
##
##
                     Kappa: 0.7178
##
   Mcnemar's Test P-Value: 0.7518296
##
##
               Sensitivity: 0.7500
##
##
               Specificity: 0.9474
##
            Pos Pred Value: 0.8182
##
            Neg Pred Value: 0.9231
##
                Prevalence: 0.2400
##
            Detection Rate: 0.1800
##
      Detection Prevalence: 0.2200
##
         Balanced Accuracy: 0.8487
##
          'Positive' Class : Pública
##
##
```

3. Realizar la clasificación anterior empleando SVM mediante la función ksvm() del paquete kernlab,

a. Ajustar el modelo con las opciones por defecto.

```
set.seed(40)
svm <- ksvm(Tipo ~ ., data = train)</pre>
## Support Vector Machine object of class "ksvm"
##
## SV type: C-svc (classification)
## parameter : cost C = 1
##
## Gaussian Radial Basis kernel function.
  Hyperparameter : sigma = 0.0543868376683745
##
## Number of Support Vectors : 114
## Objective Function Value : -66.589
## Training error: 0.0425
pred <- predict(svm, newdata = test)</pre>
confusionMatrix(pred, test$Tipo)
## Confusion Matrix and Statistics
##
             Reference
##
## Prediction Pública Privada
##
      Pública
                  19
```

```
73
##
      Privada
                    5
##
                  Accuracy: 0.92
##
##
                    95% CI: (0.8484, 0.9648)
##
       No Information Rate: 0.76
       P-Value [Acc > NIR] : 3.001e-05
##
##
##
                     Kappa: 0.7743
##
   Mcnemar's Test P-Value: 0.7237
##
##
##
               Sensitivity: 0.7917
##
               Specificity: 0.9605
            Pos Pred Value: 0.8636
##
##
            Neg Pred Value: 0.9359
##
                Prevalence: 0.2400
##
            Detection Rate: 0.1900
##
      Detection Prevalence: 0.2200
##
         Balanced Accuracy: 0.8761
##
##
          'Positive' Class : Pública
##
```

b. Ajustar el modelo empleando validación cruzada con 10 grupos para seleccionar los valores "óptimos" de los hiperparámetros, considerando las posibles combinaciones de sigma = c(0.01, 0.05, 0.1) y C = c(0.5, 1, 10) (sin emplear el paquete caret; ver Ejercicio 3.1 en 03-bagging_boosting-ejercicios.html).

```
tune.grid <- expand.grid(</pre>
    sigma = c(0.01, 0.05, 0.1),
    C = c(0.5, 1, 10),
    error = NA
)
best.err <- Inf
set.seed(40)
for (i in 1:nrow(tune.grid)) {
    fit <-
         ksvm(
             Tipo ~ .,
             data = train[, ],
             cross = 10,
             C = tune.grid$C[i],
             kpar = list(tune.grid$sigma[i])
    fit.error <- fit@cross</pre>
    tune.grid$error[i] <- fit.error</pre>
    if (fit.error < best.err) {</pre>
         final.model <- fit</pre>
         best.err <- fit.error</pre>
        best.tune <- tune.grid[i,]</pre>
    }
}
```

```
final.model
## Support Vector Machine object of class "ksvm"
##
## SV type: C-svc (classification)
  parameter : cost C = 0.5
##
## Gaussian Radial Basis kernel function.
##
  Hyperparameter : sigma = 0.01
##
## Number of Support Vectors : 145
##
## Objective Function Value : -53.98
## Training error: 0.055
## Cross validation error : 0.0525
pred2 <- predict(final.model, newdata = test)</pre>
confusionMatrix(pred2, test$Tipo)
## Confusion Matrix and Statistics
##
##
             Reference
## Prediction Pública Privada
##
      Pública
                   19
      Privada
##
                    5
                           73
##
##
                  Accuracy: 0.92
##
                    95% CI: (0.8484, 0.9648)
##
       No Information Rate: 0.76
##
       P-Value [Acc > NIR] : 3.001e-05
##
##
                     Kappa: 0.7743
##
##
   Mcnemar's Test P-Value: 0.7237
##
##
               Sensitivity: 0.7917
               Specificity: 0.9605
##
            Pos Pred Value: 0.8636
##
            Neg Pred Value: 0.9359
##
##
                Prevalence: 0.2400
            Detection Rate: 0.1900
##
##
      Detection Prevalence: 0.2200
         Balanced Accuracy: 0.8761
##
##
          'Positive' Class : Pública
##
##
```

c. Evaluar la precisión de las predicciones de ambos modelos en la muestra de test y comparar también los resultados con los obtenidos en el ejercicio anterior.