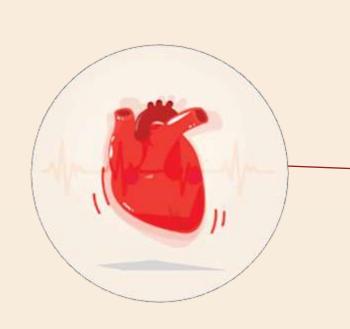
心臟病預測

黃柏禎



什麼是心臟病



心臟是人體中一個很特殊的器官,它能夠 自動地收縮、跳動,目的只有一個,那就 是無時無刻輸送血液到身體各器官組織, 就像扮演著汽車中的靈魂人物「馬達」。 當心臟中各個結構發生問題時,心臟無法 發揮正常功能,人體就會出現相關症狀, 就是我們所謂的「心臟病」。

專案目標

本專案的目標是開發一個模型,以預測患者是否患有心 臟病。這個模型基於病人的牛理數據,包括年齡、件 別、胸痛類型、靜息心率、血壓、膽固醇中的各種生化 指標等。通過使用機器學習技術,我們的目標是建立一 個高度準確的模型,以預測患有心臟病的風險。這將有 助於醫療保健專業人員更好的了解患者的狀況,制定更 好的治療方案,減少患者病情的惡化,提高醫療保健效 **蒸**。

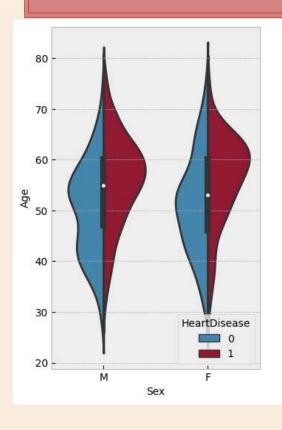
資料讀取

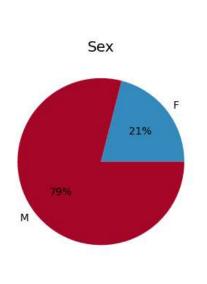
HeartDisease 輸出類[1:心髒病·0:正常]

# Age	患者年齢[歲]	✓ print(df.shape) ···	
# Sex	患者性別[M= 男, F= 女]	(918, 12)	
# ChestPainType 胸痛類型【TA=典型心絞痛, ATA=非典型心絞痛, NAP=非心絞痛, ASY=無症狀】			
# RestingBP	靜息血壓 [mm Hg]	✓ print(df.columns) ···	
# Cholesterol	血清膽固醇 [mm/dl]	<pre>Index(['Age', 'Sex', 'ChestPainType', 'RestingBP', 'Cholesterol', 'FastingBS',</pre>	
# FastingBS	空腹血糖 [if FastingBS > 120 mg/dl, else 0]	dtype='object')	
# RestingECG	靜息心電圖結果[正常:正常·ST:有 ST-T 波異常(T 波倒置和/或 ST 抬高或壓低 > 0.05 mV)· les 標準顯示可能或明確的左心室肥厚]		
# MaxHR	達到的最大心率 [60 到 202 之間的數值]		
# ExerciseAngina 運動誘發的心絞痛[Y:是,N:否]			
# Oldpeak	ST [抑鬱症測量的數值]		
# ST_Slope	峰值運動ST段的斜率[Up:向上傾斜,Flat:平坦,Dov		
		-	

年齡、性別小提琴分佈圖、圓餅圖

資料前處理





```
# 年齡 ( Age ): 性別與年齡 小提琴圖 圓餅圖 ( hue = HeartDisease )
plt.subplot(1, 2, 1)
sns.violinplot(data=df, x="Sex", y="Age", hue="HeartDisease", split=True)
plt.subplot(1, 2, 2)
df.groupby('Sex').size().plot(kind='pie', autopct='%.0f%%')
plt.title("Sex")
plt.show()
```

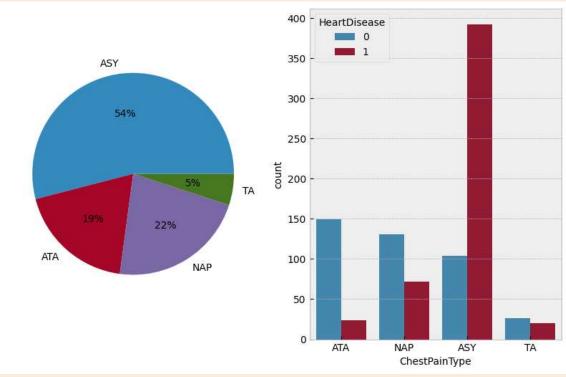
男生比例占79%、女生比例占21%

男生年齡50~70歲有心臟病人數較多

女生年齡50~70歲有心臟病人數較多

ChestPainType 胸痛類型長條圖、圓餅圖

```
# 胸痛類型 (ChestPainType) : 類型圓餅圖比例,長條圖 ( hue = HeartDisease ) plt.figure(figsize=(10,6)) plt.title("ChestPainType") plt.subplot(1, 2, 1) df.groupby("ChestPainType").size().plot(kind='pie', autopct='%.0f%%') plt.subplot(1, 2, 2) sns.countplot(data=df, x="ChestPainType", hue="HeartDisease") plt.show()
```





Cholesterol 血清膽固醇箱型圖

```
# 血清膽固醇 (Cholesterol): 膽固醇與年紀 盒狀圖 (hue = HeartDisease )

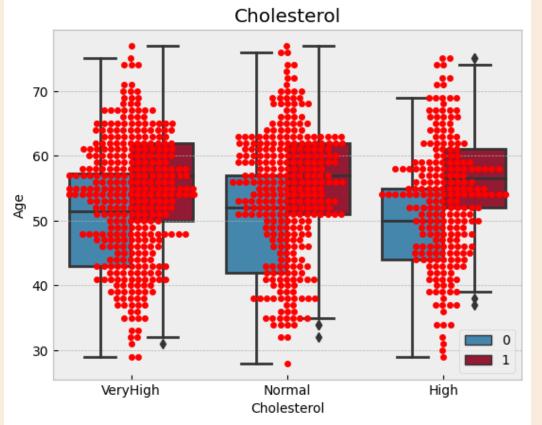
chol = df["Cholesterol"].apply(
    lambda x: "VeryHigh" if x >= 240 else ("High" if x >= 200 else "Normal"))

sns.boxplot(x=chol, y=df["Age"], hue=df["HeartDisease"])

sns.swarmplot(y="Age",x=chol, data=df,color="r")

plt.title("Cholesterol")

plt.show()
```



VeryHigh:在超標膽 固醇具有心臟病的 病患落在50~60歲 左右,人數最多

Normal:一般膽固醇具有心臟病的病患落在50~60歲左右.人數次之

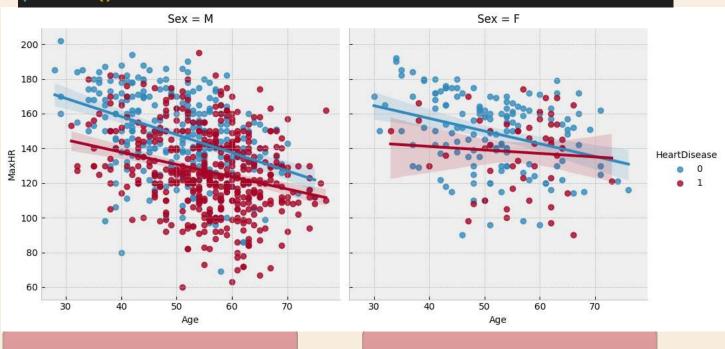
將膽固醇分

類為三類:

High:在高膽固醇具 有心臟病的病患落 在50~60歲左右,人 數較少

MaxHR 最大心率與年齡散佈圖

達到的最大心率(MaxHR): 年齡與最大心率 散佈圖 (hue = HeartDisease) sns.lmplot(data=df, x="Age", y="MaxHR", hue="HeartDisease",col="Sex") plt.show()



回歸線呈現負成長(年紀越大,最大心率越低,較容易有心臟病)

男性有心臟病落在年齡**50~70** 歲,最大心率落在**100~140**左 右 女性有心臟病落在年齡**50~70** 歲,最大心率落在**100~140**左 右

ExerciseAngina 運動誘發心絞痛長條圖、圓餅圖

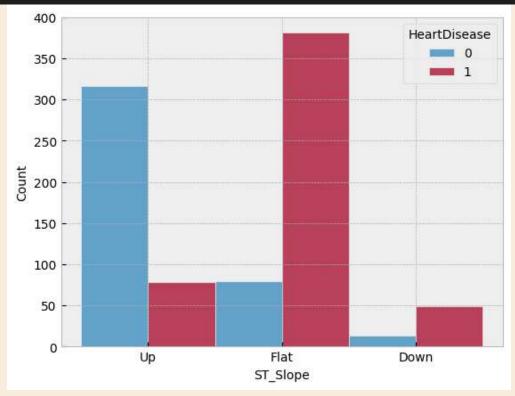
ExerciseAngina

```
運動誘發的心絞痛(ExerciseAngina):可以使用計數圖或餅圖顯示運動誘發的心絞痛的分佈情況
plt.subplot(1,2,1)
df.groupby("ExerciseAngina").size().plot(kind="pie", autopct='%.0f%%')
                                                                              ExerciseAngina
plt.subplot(1,2,2)
plt.title("ExerciseAngina")
                                                                                  HeartDisease
                                                                       350 -
sns.countplot(data=df, x="ExerciseAngina", hue="HeartDisease")
plt.show()
                                                                       300 -
                                                                       250 -
                                                      60%
                                                                     200
                                                                       150
                  由長條圖可知,
                                                                       100 -
                 運動誘發心絞痛
                                                                        50
                 診斷出心臟病的
```

機率非常高

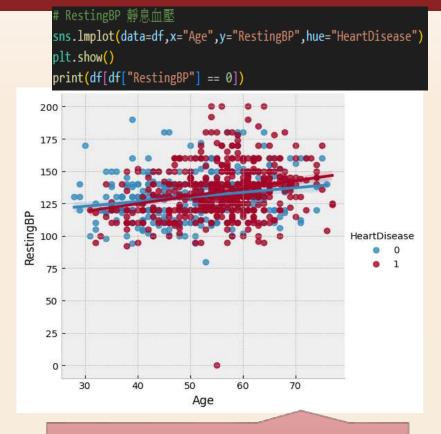
ST_Slope 峰值運動ST段的斜率

ST_Slope 峰值運動ST段的斜率
sns.histplot(data=df,x="ST_Slope",hue="HeartDisease",multiple="dodge")
plt.show()

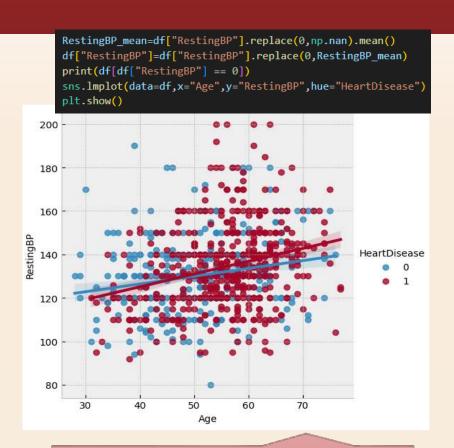


由長條圖可知,在 Flat平坦的心臟病 人數比其它類型的 區段多非常多。

Resting 靜息血壓、年齡散佈圖



在靜息血壓**0**的位置,若正常人是不可能有血壓為零的數值,所以代表數據上有異常。



將錯誤的數據修改為平均值後正常的 視圖。

特徵工程

```
# Sex 患者性別[M=男, F=女]
df["Sex"] = df["Sex"].apply(lambda x: 1 if x == "M" else 0)
print(df["Sex"].value_counts())
# ST_Slope 峰值運動ST段的斜率[Up:向上傾斜,Flat:平坦,Down:向下傾斜]
def st slope num(x):
    if x == "Up":
                                                            資料類別轉換成數據,便
       return 1
    elif x == "Flat":
       return 2
                                                            於機器學習訓練與預測。
    else:
       return 3
df["ST_Slope"] = df["ST_Slope"].apply(st_slope_num)
print(df["ST Slope"].value counts())
# ChestPainType 胸痛類型【TA=典型心絞痛,ATA=非典型心絞痛,NAP=非心絞痛,ASY=無症狀】
def cptype(x):
   if x == "TA":
      return 1
   elif x == "ATA":
      return 2
   elif x == "NAP":
      return 3
      return 4
df["ChestPainType"] = df["ChestPainType"].apply(cptype)
print(df["ChestPainType"].value_counts())
# RestingECG 靜息心電圖結果
# normal:正常
# ST:有 ST-T 波異常(T 波倒置和/或 ST 抬高或壓低 > 0.05 mV)
# LVH:根據 Estes 標準顯示可能或明確的左心室肥厚
df["RestingECG"] = df["RestingECG"].apply(
    lambda x: 0 if x == "Normal" else (1 if x == "LVH" else 2))
print(df["RestingECG"].value_counts())
```

心臟病相關係數熱力圖

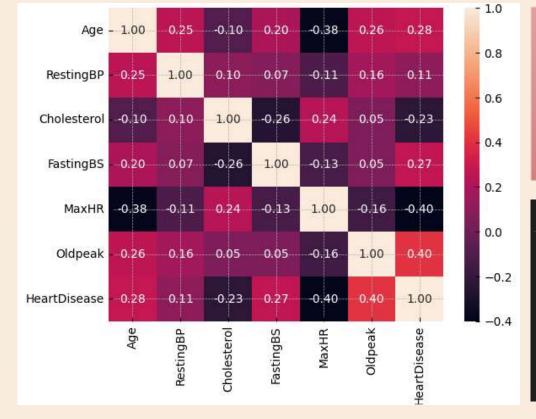
```
# 各特徵相關熱力圖

df_corr = df.corr()

print(df_corr["HeartDisease"].sort_values(ascending=False))

sns.heatmap(df_corr, annot=True, fmt=".2f")

plt.show()
```



心臟病相關係數

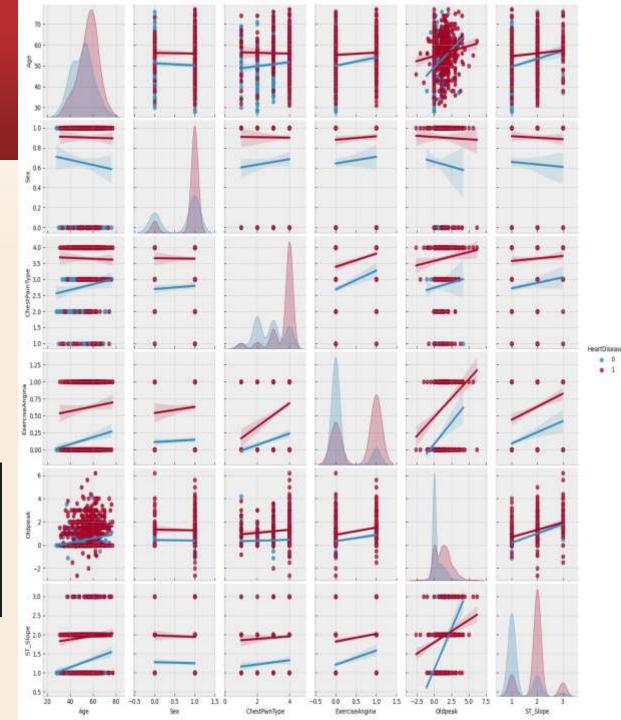
```
✓ df_corr = df.corr() ···
HeartDisease
                1.000000
01dpeak
                0.403951
                0.282039
Age
FastingBS
                0.267291
RestingBP
                0.107589
Cholesterol
               -0.232741
               -0.400421
MaxHR
Name: HeartDisease, dtype: float64
```

其它Feature配對圖

刪除與**HeartDisease** 相關性最低的前五個 特徵

```
✓ df_corr = df.corr() ···
                 -0.400421
MaxHR
Cholesterol
                 -0.232741
RestingECG
                  0.107628
RestingBP
                  0.117938
FastingBS
                  0.267291
Age
                  0.282039
Sex
                  0.305445
01dpeak
                  0.403951
ChestPainType
                  0.471354
ExerciseAngina
                  0.494282
ST_Slope
                  0.558771
HeartDisease
                  1.000000
Name: HeartDisease, dtype: float64
```

```
# 刪除最不相關的前五個特徵
print(df_corr["HeartDisease"].sort_values(ascending=True))
top_feature = df.drop(
        ["FastingBS", "RestingBP", "RestingECG", "Cholesterol", "MaxHR"], axis=1)
print(top_feature.columns)
sns.pairplot(top_feature, kind="reg", diag_kind="auto", hue="HeartDisease")
plt.show()
```



建模、拆分資料

```
Modeling
#%%
X = df.drop(["HeartDisease"], axis=1)
y = df["HeartDisease"]
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(
   X, y, test size=0.2, random state=20)
print(X_train.shape)
print(y_train.shape)
print(X_test.shape)
print(y_test.shape)
```

RandomForset 隨機森林

```
rfc = RandomForestClassifier(random state=20)
# # GridSearchCV 參數最佳化
param_grid = {
    "n_estimators": list(range(20, 100, 10)),
    "max_depth": list(range(2, 9, 1))
rfc grid cv = GridSearchCV(rfc, param grid, cv=5)
##訓練及預測
rfc_grid_cv.fit(X_train, y_train)
print(
    f"best estimator: {rfc grid cv.best estimator }\n\
    best score: {rfc grid cv.best score :.2f}")
y rfc pred = rfc grid cv.predict(X test)
print(f"預測結果: \n{y_rfc_pred}")
# # 準確率
accuracy = metrics.accuracy score(y test, y rfc pred)
print(f"rfc Accuracy: : {accuracy:.3f}")
cm = confusion_matrix(y_test, y_rfc_pred)
print("Matrix: \n", cm)
cm display = metrics.ConfusionMatrixDisplay(
    confusion matrix=cm, display labels=[True, False])
cm display.plot()
plt.show()
```

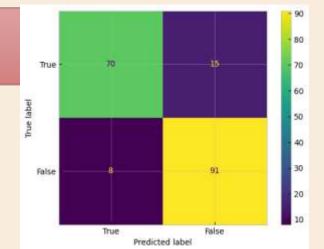
GridSeachCV 得最佳化參數

best_estimator: RandomForestClassifier(max_depth=6, n_estimators=50, random_state=20)

best_score: 0.87

訓練後得預測結果、精確度

混淆矩陣



Matrix: [[70 15] [8 91]]

SVM 支持向量機(標準化)

建立Pipe結合SVM、StanderScaler標準化提高精確度。

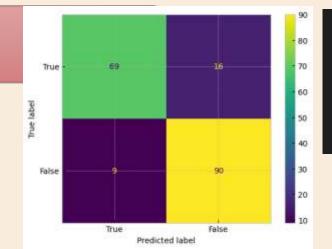
```
# B T Pipeline
pipe = Pipeline([('scaler', StandardScaler()),
               ('svc', SVC())1)
# # GridSearchCV 多數差佳化
param grid = 4
    "svc C": np.linspace(1, 1.5, 10),
   "svc_kernel": [ linear', 'poly', 'rbf', 'sigmoid'],
   "svc gamma": ['scale', 'auto']
svc grid cv = GridSearchCV(estimator=pipe, param grid=param grid, cv=5)
##訓練及預測
svc_grid_cv.fit(X_train, y_train)
   f"best params: (svc grid cv.best params )\n\
   best score: (svc grid cv.best score : 2f)")
y svc pred = svc grid cv.predict(X test)
print(f"預測結果: \n(y svc pred)")
accuracy = metrics.accuracy_score(y_test, y_svc_pred)
print(f"SVC_Accuracy: (accuracy: 3f}")
cm = confusion_matrix(y_test, y_svc_pred)
print("Matrix: \n", cm)
cm_display = metrics.ConfusionMatrixDisplay(
   confusion matrix=cm, display labels=[True, False])
cm display.plot()
plt.show()
```

GridSeachCV 得最佳化參數

```
best_params: {'svc__C': 1.5, 'svc__gamma': 'scale', 'svc__kernel': 'rbf'}
best_score: 0.87
```

訓練後得預測結果、精確度

混淆矩陣



Matrix: [[69 16] [9 90]]

SVM 支持向量機(無標準化)

```
svc = SVC(random state=20, C=1.5, kernel="rbf", gamma="scale")
##訓練及預測
svc.fit(X_train, y_train)
y svc pred = svc.predict(X test)
print(f"預測結果: \n{y_svc_pred}")
# # 準確率
accuracy = metrics.accuracy score(y test, y svc pred)
print(f"SVC Accuracy: {accuracy:.3f}")
# # 混淆矩陣
cm = confusion_matrix(y_test, y_svc_pred)
print("Matrix: \n", cm)
cm display = metrics.ConfusionMatrixDisplay(
   confusion matrix=cm, display labels=[True, False])
cm display.plot()
plt.show()
```

無標準化

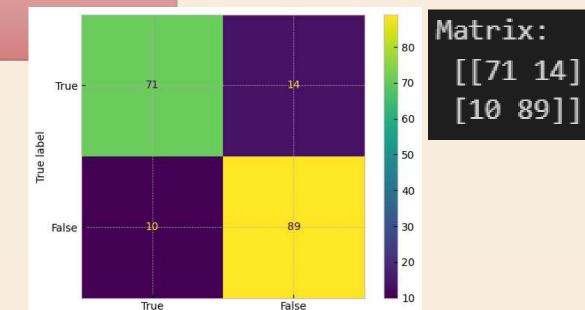
```
利用剛才GridSeachCV 得到
的最佳化套進SVM模型裡
面。
best params: {'svc C': 1.5, 'svc gamma': 'scale', 'svc kernel': 'rbf'}
   best score: 0.87
 訓練後得預測結果、精確
 度。無標準化精確度只有
預測結果:
1110111101010011011001101100001010101
SVC_Accuracy: 0.777
                                   Matrix:
 混淆矩陣
              True
                                     [[60 25]
                                     [16 83]]
```

Predicted label

LogisticRegression 邏輯回歸(標準化)

混淆矩陣

```
建立Pipe結合LogisticRegression、
 StanderScaler標準化提高精確度。
## 邏輯回歸 標準化
lr = LogisticRegression(random state=20)
##建立Pipeline標準化與模型
pipe = Pipeline([("scaler", StandardScaler()),
               ("lr", lr)])
##訓練及預測
pipe.fit(X_train, y_train)
y_lr_pred = pipe.predict(X_test)
print(f"預測結果: \n{y lr pred}")
# # 準確率
accuracy = metrics.accuracy score(y test, y lr pred)
print(f"lr_Accuracy: {accuracy:.3f}")
##混淆矩随
cm = confusion_matrix(y_test, y_lr_pred)
print("Matrix: \n", cm)
cm_display = metrics.ConfusionMatrixDisplay(
   confusion_matrix=cm, display_labels=[True, False])
cm_display.plot()
plt.show()
```



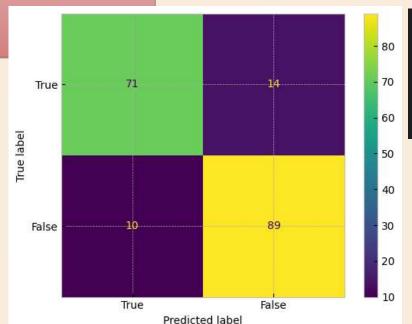
Predicted label

LogisticRegression 邏輯回歸(無標準化)

```
無標準化
lr = LogisticRegression(max iter=1000, random state=20)
##訓練及預測
lr.fit(X train, y train)
y_lr_pred = lr.predict(X test)
print(f"預測結果: \n{y_lr_pred}")
# # 準確率
accuracy = metrics.accuracy_score(y_test, y_lr_pred)
print(f"lr Accuracy: {accuracy:.4f}")
# 混淆矩陣
cm = confusion_matrix(y_test, y_lr_pred)
print("Matrix: \n", cm)
cm display = metrics.ConfusionMatrixDisplay(
    confusion_matrix=cm, display labels=[True, False])
cm display.plot()
plt.show()
```

訓練後得預測結果、精確度

混淆矩陣



Matrix: [[71 14] [10 89]]

預測結論

支持向量機

- 精確度達0.864
- 標準化與無標準化結果差異很大

邏輯回歸

- 精確度達0.870
- 標準化與無標準化結果差異不大

隨機森林

• 精確度達0.875

總結

在預測心髒病的問題中,我使用了一個包含**12**個特徵的數據集以及**918**個樣本,包括年齡、性別、胸痛類型、靜息血壓等等。首先對數據進行了探索性數據分析,然後進行了數據預處理,包括缺失值填充、特徵工程和標準化等步驟。

我還使用了各種機器學習模型進行了訓練和評估,包括邏輯回歸、支持向量機和隨機森林等模型。在模型評估方面,我們使用了交叉驗證和網格搜索來優化模型參數,以獲得更好的預測性能。最終,我選擇了隨機森林模型,並使用測試集進行了最終的評估,得到了高達 87.5% 的準確率。

總結來說,在預測心髒病這個問題上,我們使用了數據預處理、機器學習模型選擇、參數調優等多個步驟,最終得到了一個準確率比較高的模型,為預防心臟疾病提供參考價值。

使用模組

from sklearn.pipeline import Pipeline from sklearn.model_selection import GridSearchCV from sklearn.linear_model import LogisticRegression from sklearn.preprocessing import StandardScaler from sklearn.svm import SVC from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier from sklearn import metrics from sklearn.metrics import confusion_matrix from sklearn.model_selection import train_test_split import numpy as np import pandas as pd import matplotlib.pyplot as plt import seaborn as sns

參考資料

https://www.epochtimes.com/b5/19/3/1/n11082192.htm kaggle