

# 廣東工業大學

# 模式分类与机器学习

学院_		自动化学院			
专	业	控制科学与工程			
年级班别		2019 级(1)班			
学	号	2111904039、2111904040			
学生姓名		李森、吴颖			
指导老师		宋亚男			

2019年10月

# 目 录

1	实验任务	]
	1.1 任务提出	1
	1.2 国际象棋规则	1
	1.3 任务分析	2
2	数据构成	3
	2.1 样本数据	3
3	数据处理	∠
	3.1 标签分类	4
	3.2 五折交叉验证(5-Fold Cross Validation)	4
	3.3 归一化	5
	3.4 高斯核: 从低维到高维的映射	5
4	训练实验	6
	4.1 LIBSVM	6
	4.2 训练参数设置	6
	4.3 训练模型	7
5	测试实验	7
	5.1 测试样本	7
6	实验评价	8
	6.1 混淆矩阵	8
	6.1 ROC 曲线(Receiver Operator Characteristic Curve)	8
附件	‡ A 程序框图	10
附化	‡ B 程序源码	11

## 1 实验任务

#### 1.1 任务提出

国际象棋的残局:黑方剩下一个王,白方剩下一个兵和一个王。(如图 1) 当给出一组数据(三个棋子的位置),预测残局的结果。

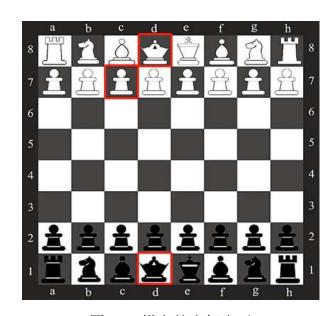


图 1.1 棋盘的坐标表示

#### 1.2 国际象棋规则

国际象棋的棋盘由 64 个黑白相间的八乘八网格组成,分为 1 至 8 行及 A 至 H 列。 每位玩家开局时各有 16 个棋子:一王、一后、两车、两马、两象和八兵,各具不同功能 与走法。

兵(黑白各八个):第一步只能向前走一格或者两格,以后每次只能向前走一格,不能后退。但在吃对方子时,则是位于斜前方的那格去吃,并落在那格。若前方有棋子挡住,不能往前面走。当己方的兵走到对方的底线(即最远离己方的一行)时,称为"兵的升变",此时,玩家可选择把该兵升级为车、马、象或后,但不能变王,也不能选择不变。

王(黑白各一个):是国际象棋中最为重要的棋子,王被将死即告负。走法是每次横直斜走都可以,但是每次只能走一格。吃子与走法相同。

皇后(黑白各一个):每次横直斜走都可以,但是每次可以走任意多步,是威力最大的棋子。吃子与走法相同。

相(黑白各两个):每次只能斜着走若干步。黑方的相永远在黑色格子里,白方的相永远在白色格子里,永不相遇。

马 (黑白各两个): 走"日"字。

城堡 (黑白各两个): 每次横直走,每次可以走任意多步。

棋手行棋目标是将对方的王处在不可避免的威胁之下以将死对方,也可以通过对方 自知无望、主动认输而获胜,另有相当多的情况可导致和局。

逼和:一方的王未被将军,但是移动到任意地方都会被对方将死,则此时是和局。 黑方可以利用这一条规则可以与白方逼和。

#### 1.3 任务分析

一个王和一个兵对单王有以下两种结果:

在某些位置下,白方可以将死黑方,白方胜。在其他一些位置,黑方和白方只能是 和局。

所以可以分为两类,输入数据为三个棋子的位置坐标和标签。

该问题有数据,有标签,再来一个数据,预测它的标签。因为标签是离散值,所以,此问题为监督学习的分类问题。

我们使用 SVM 来求解划分此数据集的超平面。

给定一个特征空间上的训练数据集 $T = \{(x_1, y_1), (x_2, y_2), ..., (x_N, y_N)\}$ ,其中 $x_i \in R^n$ , $y_i \in \{-1, +1\}$ ,那么支持向量机(SVM)要解决的是以下的优化问题:

找一组(w,b),满足:

最小化: 
$$\frac{1}{2} \|w\|^2 + C \sum_{i=1}^N \xi_i$$
限制条件: 
$$y_i (w^T \Phi(x_i) + b) \ge 1 - \xi_i$$

$$\xi_i \ge 0$$
(1-1)

即:

$$\min_{\omega,b,\xi} \frac{1}{2} w^{T} w + C \sum_{i=1}^{N} \xi_{i}$$

$$subject to \ y_{i}(w^{T} \Phi(x_{i}) + b) \ge 1 - \xi_{i}$$

$$\xi_{i} \ge 0$$
(1-2)

其中,包含第一个超参数是C,超参数(Hyperparameter)是认为指定的,下面我们会在对它进行遍历求最优解。

## 2 数据构成

#### 2.1 样本数据

数据来源于 UCI 机器学习数据库。数据样本链接为: <u>Click here</u>。总样本数为 28056个,其中正样本 2796(和局),负样本 25260(白方胜).数据格式如图 2.



图 2 数据示例

棋盘的坐标表示(如图3):

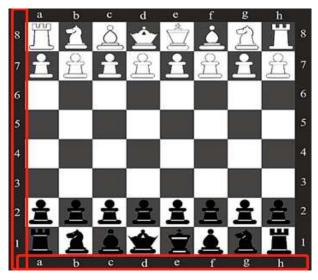


图 3 棋盘的坐标表示

标签有两类,一类代表的意思是和局,用"draw"表示。另一类是白方胜,one、two、…、fifteen 代表的是还有最快多少步可以将死黑方。在官方的文件是这样描述的:optimal depth-of-win for White in 0 to 16 moves, otherwise drawn {draw, zero, one, two, ..., sixteen}. 那就是说,最后的取胜路径(16 步之内),否则,则认为是和局。

## 3 数据处理

#### 3.1 标签分类

先将输入的 28056 个样本数据的标签分为正负两类,和局记为正样本,共 2796 个; 白方胜记为负样本,共 25260 个。

随后打乱数据样本。

#### 3.2 五折交叉验证(5-Fold Cross Validation)

随机取 5000 个样本训练,其余 23056 个样本做(未知)测试。对于 5000 个训练样本,使用五折交叉验证。(如图 4)

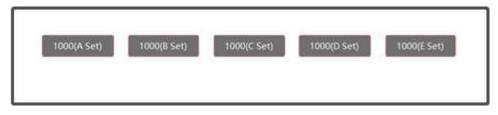


图 4 分集示例

把 5000 个训练样本平均分为五份,每份 1000 个,每一次用 4000 个训练数据训练, 其余用 1000 个验证。也就是说,接下来,ABCD 训练,用 E 验证;用 ABCE 训练,用 D 验证;用 ABDE 训练,用 C 验证;用 ACDE 训练,用 B 验证;用 BCDE 训练,用 A 验证. 这样将会做出五个模型,最终准确率是五个模型准确率的平均。

#### 3.3 归一化

要对每一个特征做归一化。输入的每组位置坐标是一个六维向量,我们在程序中, 把 a 到 h 转化为 1 到 8,每个维度是从 1 到 8 的自然数。

不建议把数据直接输进去,而是对每一维的数据做归一化,

$$newX = \frac{X - mean(X)}{std(X)}$$
 (1-3)

减掉每个维度的均值,再除以每个维度的方差。这就可以做成一个均值为 0, 方差为 1 的一个高斯分布。因为在实际采出来的特征中,我们并不知道特征的性质。

对训练样本取均值和方差,对训练样本和测试样本做归一化。值得注意的是,因为测试样本是未知的,所以测试样本做归一化用的也是训练样本取均值和方差。

#### 3.4 高斯核: 从低维到高维的映射

利用核函数,将低维的线性不可分的数据,通过核函数的映射,映射到高维,可能变成线性可分的数据集。

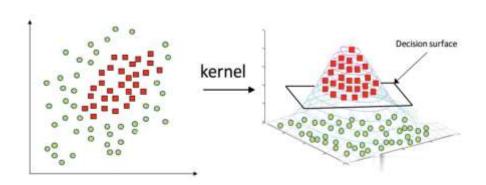


图 5 从低维到高维的映射

本实验选择高斯核函数(RBF-Radial Basis Function):

$$K(x, y) = e^{\frac{\|x - y\|^2}{2\sigma^2}} = e^{-\gamma \|x - y\|^2}$$
 (1-4)

其中,核的超参数是 $\sigma$ ,令 $\gamma = -\frac{1}{2\sigma^2}$ 。  $\gamma$ 为本实验中第二个需要优化的超参数。

## 4 训练实验

#### 4.1 LIBSVM

LIBSVM是台湾大学林智仁(Lin Chih-Jen)教授等开发设计的一个简单、易于使用和快速有效的SVM模式识别与回归的软件包。该软件对SVM提供了很多的默认参数,利用这些默认参数可以解决很多问题。我们可以通过设置一下参数来训练获得一些超参数和模型。

### 4.2 训练参数设置

我们利用libsvmtrain()函数返回训练好的SVM分类器模型,参数设置如下:

训练参数设置:

Symtrain (yTraining, xTraining, cmd)

其中,yTraining 是真实的标签值,xTraining 是输入训练样本,cmd 为训练参数配置量,我们选择的 cmd 训练参数为:

-s svm 类型:	0 - C-SVC	
-t 核函数类型:	2 - RBF(径向基)核函数	
-c cost: 设置 C-SVC 的参数	CValue	
-g r(gamma): 核函数中的 gamma 函	GammaValue	
数设置		
-v n: n-fold 交互检验模式, n 为	-v 5 - 5fold 交互检验模式	
fold 的个数		

设置超参数的区间范围,遍历区间,在 $C \in \left[2^{-5},2^{15}\right]$ , $\gamma \in \left[2^{-15},2^{3}\right]$ 上做搜索和遍历,每隔两个幂次数取一个值,求最大的识别率,以及以及最大识别率下的C和 $\gamma$ ,在选出一组最大识别率下的C和 $\gamma$ 后,再在那个 $(C,\gamma)$ 的周围框出一个为 10\*10 的邻域,再把

这个邻域做细分,再遍历,选出一个更优的一组C和 $\gamma$ 。

#### 4.3 训练模型

当确定最优的超参数 C 和  $\gamma$  后,再把所有训练数据(5000 个)放进去,做一个最后的训练,训练出一个模型。

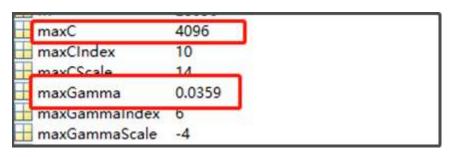


图 6 训练后获得超参数

## 5 测试实验

#### 5.1 测试样本

输入 23056 个测试样本(xTesting)做测试,用预测值(yPred)和真值(yTesting)做比较,得出识别率。0表示全部不识别,1表示全部识别。

```
optimization finished, #iter = 329430

nu = 0.024624

obj = -374832.583919, rho = 61.554409

nSV = 208, nBSV = 80

Total nSV = 208

Accuracy = 99.4015% (22918/23056) (classification)
```

图 7 测试实验结果

其中,#iter 为迭代次数, rho 为判决函数的偏置项 b,决策函数 wx+b 中的常数项 b=6.2863.

支持向量: 288 个,其中 208 个正样本,80 个负样本。只有支持向量对最后算 $w^T\Phi(x_i)+b$ 有贡献,训练样本为 5000 个,最后得到的 288 个支持向量占不到  $\frac{1}{10}$  ,因为支持向量是寻找规律的东西,如果支持向量大于  $\frac{1}{10}$  ,如果支持向量特别多,接近  $\frac{1}{2}$  的话,

那么该模型是不可用的。因为每次打乱的不一样, 所以每次跑出来的结果也略微有区别。

## 6 实验评价

#### 6.1 混淆矩阵

对于一个系统好不好,不能脱离实际条件,而只看识别率。一般应该用混淆矩阵来 衡量。通过实验的结果我们可以得到混淆矩阵如下:

 预测

 实际
 正样本
 负样本

 2264 (TP)
 47 (FN)

 负样本
 91 (FP)
 20654 (TN)

表 6.1 混淆矩阵(个数):

其中, TP(truePositive)是将正样本识别为正样本的数量或概率; FP(falsePositive)是将负样本识别为正样本的数量或概率。TN 是将负样本识别为负样本的数量或概率。FN 是将正样本识别为负样本的数量或概率。

百分比表示如下:

		预测	
		正样本	负样本
实际	正样本	97. 96% (TP)	2.04% (FN)
	负样本	0.44%(FP)	99. 56% (TN)

表 6.2 混淆矩阵(概率/百分数)

#### 6.1 ROC 曲线(Receiver Operator Characteristic Curve)

系统的性能可以用唯一的数来表示,这个数叫做等错误率(Equal Error Rate),我们以FP为横坐标,TP为纵坐标,可以画出ROC曲线,同时做出EER直线,如图8:

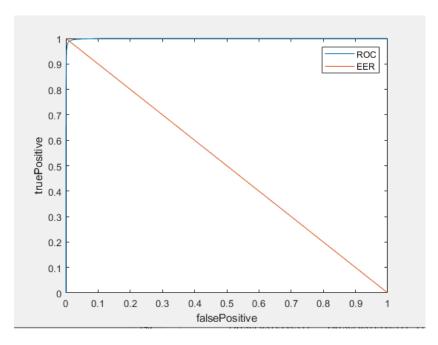


图 8 ROC 和 EER

交点是 FN(将负样本识别为负样本的数量或概率)和 FP(将负样本识别为正样本的数量或概率)相等时的错误率(因为 FN=1-TP),当 EER 越接近于 0。系统性能越好,因为预测对了更多的真的正值。

也可以采用第二种评判方法: Area Under Curve, 即在 ROC 曲线下,与坐标轴围起来的面积越大,则系统越好。

由此可见, 我们的系统性能是比较可靠的。

## 附件 A 程序框图

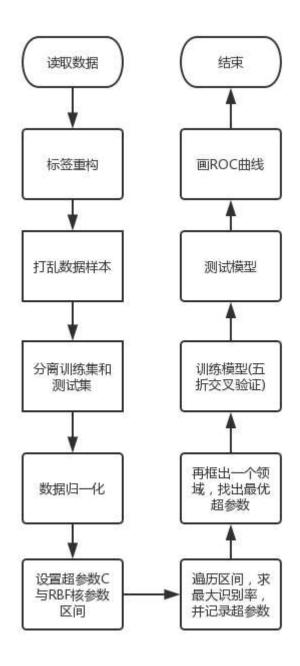


图 9 程序框图

## 附件 B 程序源码

```
clear all;
   % Read the data.线性可分的训练数据集:
3. fid = fopen('krkopt.DATA');
4. c = fread(fid, 3);
5. \operatorname{vec} = \operatorname{zeros}(6,1);
6. xapp = [];
7. yapp = [];
8. while ~feof(fid)
             string = [];
             c = fread(fid, 1);
             flag = flag+1;
             while c \sim = 13
             1. string = [string, c];
                 c=fread(fid,1);
             end;
             fread(fid,1);
             %处理正负样本标签
             if length(string)>10
                 vec(1) = string(1) - 96;
                 vec(2) = string(3) - 48;
                 vec(3) = string(5) - 96;
                 vec(4) = string(7) - 48;
                 vec(5) = string(9) - 96;
                 vec(6) = string(11) - 48;
                 xapp = [xapp, vec];
                 if string(13) == 100
                     yapp = [yapp, 1];
                 else
                     yapp = [yapp, -1];
                 end;
             end;
9. end;
10. fclose(fid);
11. [N,M] = size(xapp);
12. p = randperm(M); %直接打乱了训练样本
13. numberOfSamplesForTraining = 5000;
14. %存训练样本
15. xTraining = [];
16. yTraining = [];
```

```
17. for i=1:numberOfSamplesForTraining
          xTraining = [xTraining, xapp(:,p(i))];
          yTraining = [yTraining, yapp(p(i))];
18. end:
19. xTraining = xTraining';
20. yTraining = yTraining';
21. %存测试样本
22. xTesting = [];
23. yTesting = [];
24. for i=numberOfSamplesForTraining+1:M
          xTesting = [xTesting, xapp(:,p(i))];
          yTesting = [yTesting, yapp(p(i))];
25. end;
26. xTesting = xTesting';
27. yTesting = yTesting';
29. %Normalization 对训练样本取均值和方差,对训练样本做归一化
30. [numVec,numDim] = size(xTraining);
31. avgX = mean(xTraining);
32. stdX = std(xTraining);
33. for i = 1:numVec
          xTraining(i,:) = (xTraining(i,:)-avgX)./stdX;
34. end;
35. %对训练样本取均值核方差,对测试样本做归一化
36. [numVec,numDim] = size(xTesting);
37. for i = 1:numVec
          xTesting(i,:) = (xTesting(i,:)-avgX)./stdX;
38. end;
40. %SVM Gaussian kernel
41. %Search for the optimal C and gamma, K(x1,x2) = \exp\{-\|x1-x2\|^2/2gamma\} to
42. %make the recognition rate maximum.
43. %Firstly, search C and gamma in a crude scale (as recommended in 'A practical Guide to
   Support Vector Classification'))
44. %每隔两个幂数取值,与 PPT 对应
45. CScale = [-5, -3, -1, 1, 3, 5,7,9,11,13,15];
46. gammaScale = [-15,-13,-11,-9,-7,-5,-3,-1,1,3];
47. C = 2.^{CS}cale;
48. gamma = 2.^gammaScale;
49. maxRecognitionRate = 0;
50. %遍历, 求最大识别率
```

51. for i = 1:length(C)

```
for j = 1:length(gamma)
               cmd=['-t 2 -c ',num2str(C(i)),' -g ',num2str(gamma(j)),' -v 5'];
               recognitionRate = symtrain(yTraining,xTraining,cmd);
               if recognitionRate>maxRecognitionRate
                  maxRecognitionRate = recognitionRate
                  maxCIndex = i;
                  maxGammaIndex = j;
           end;
           end;
52. end;
53. %选出了一个 C 和 gamma 之后,再精细,再那个点周围框出一个领域,再选出一个
    点来
54. n = 10;
55. minCScale = 0.5*(CScale(max(1,maxCIndex-1))+CScale(maxCIndex));
56. maxCScale = 0.5*(CScale(min(length(CScale),maxCIndex+1))+CScale(maxCIndex));
57. newCScale = [minCScale:(maxCScale-minCScale)/n:maxCScale];
58. minGammaScale
                                          0.5*(gammaScale(max(1,maxGammaIndex-
    1))+gammaScale(maxGammaIndex));
59. maxGammaScale
   0.5*(gammaScale(min(length(gammaScale),maxGammaIndex+1))+gammaScale(maxGa
   mmaIndex));
60. newGammaScale
                                                [minGammaScale:(maxGammaScale-
   minGammaScale)/n:maxGammaScale];
61. newC = 2.^newCScale;
62. newGamma = 2.^newGammaScale;
63. maxRecognitionRate = 0;
64. for i = 1:length(newC)
           for j = 1:length(newGamma)
               cmd=['-t 2 -c ',num2str(newC(i)),' -g ',num2str(newGamma(j)),' -v 5'];
               recognitionRate = symtrain(yTraining,xTraining,cmd);
               if recognitionRate>maxRecognitionRate
                  maxRecognitionRate = recognitionRate
                  maxC = newC(i);
                  maxGamma = newGamma(j);
               end;
           end;
65. end;
66. %当选出精确的 C 和 gamma (超参数) 后,再把所有的训练数据丢进去,做出一个
   SVM model
67. cmd=['-t 2 -c ',num2str(maxC),' -g ',num2str(maxGamma)];
68. model = svmtrain(yTraining,xTraining,cmd);
```

```
69. save model.mat model;
70. %在其余测试数据上测试模型并获得识别率。
71. load model.mat;
72. [yPred,accuracy,decisionValues] = sympredict(yTesting,xTesting,model);
73. save yPred.mat yPred;
74. save decisionValues.mat decisionValues;
75. save xTraining.mat xTraining;
76. save yTesting.mat yTesting;
77. %draw ROC 曲线
78. %totalScores 排序
79. [totalScores,index]
                        = sort(decisionValues);
80. labels = yTesting;
81. for i = 1:length(labels)
            labels(i) = yTesting(index(i));
82. end:
83. truePositive = zeros(1,length(totalScores)+1);
84. trueNegative = zeros(1,length(totalScores)+1);
85. falsePositive = zeros(1,length(totalScores)+1);
86. falseNegative = zeros(1,length(totalScores)+1);
87. for i = 1:length(totalScores)
            if labels(i) == 1
                 truePositive(1) = truePositive(1)+1;
            else
                 falsePositive(1) = falsePositive(1) + 1;
             end
88. end
89. for i = 1:length(totalScores)
        if labels(i) == 1
            truePositive(i+1) = truePositive(i)-1;
            falsePositive(i+1) = falsePositive(i);
        else
            falsePositive(i+1) = falsePositive(i)-1;
            truePositive(i+1) = truePositive(i);
        end
90. end
91. truePositive = truePositive/truePositive(1);
92. falsePositive = falsePositive/falsePositive(1);
93. plot(falsePositive,truePositive);
94. %plot(falsePositive,falseNegative);
```

- 95. xlabel('falsePositive');
- 96. ylabel('truePositive');
- 97. hold on
- 98. x=0:0.001:1;
- 99. plot(x,1-x);
- 100.legend('ROC','EER');