

دانشگاه صنعتی امیرکبیر (پلی تکنیک تهران) دانشکده ریاضی و علوم کامپیوتر

گزارش ششم درس هوش مصنوعی

نگارش آرمان صالحی

استاد راهنما دکتر مهدی قطعی

بهار 1403

چکیده

الگوریتم ژنتیک یک روش بهینهسازی الهام گرفته از طبیعت است که شامل مراحل انتخاب، ترکیب و جهش برای بهبود راهحلها است. در این کد، ما از الگوریتم ژنتیک برای خوشهبندی دادهها استفاده کردهایم و از معیار silhouette_score برای ارزیابی کیفیت خوشهبندی بهره بردهایم. با تکرار این مراحل، الگوریتم به تدریج راهحلهای بهتری را پیدا میکند.

واژههای کلیدی:

Genetic Algorithm – Data Frame – Label Encoder – Fit – StandardScaler - silhouette_score - Mutation

صفحه	فهرست مطالب
Í	چکیده
3	

گزارش کار

1. وإرد كردن كتابخانهها

```
import numpy as np
import pandas as pd
from sklearn.preprocessing import LabelEncoder, StandardScaler
from sklearn.metrics import silhouette_score
```

2. خواندن ديتاست از فايل اكسل

```
6 # Reading and processing data from dataset
7 data = pd.read_excel('Dry_Bean_Dataset.xlsx')
```

این خط فایل اکسل را با استفاده از pandas میخواند و آن را به یک DataFrame تبدیل می کند.

3. پردازش پیش از داده

```
9  data = data.dropna()
10  labelEncoder = LabelEncoder()
11  data['Class'] = labelEncoder.fit_transform(data['Class'])
```

- data.dropna(): حذف ردیفهای حاوی مقادیر گمشده.
- LabelEncoder: برای تبدیل برچسبهای کلاس به مقادیر عددی استفاده میشود.
- (['Class'] = label_encoder.fit_transform(data['Class']): تبدیل برچسبهای کلاس به مقادیر عددی و جایگزینی در DataFrame.

4. جداسازی ویژگیها و Labelها

```
13 X = data.drop('Class', axis=1)
14 y = data['Class']
```

- X: شامل ویژگیهای دادهها (بدون ستون برچسب).
 - y: شامل برچسبهای کلاس.

5. نرمال سازی دادهها

```
16   scaler = StandardScaler()
17   X = scaler.fit_transform(X)
```

- StandardScaler: برای نرمالسازی دادهها به طوری که میانگین صفر و واریانس یک داشته باشند.
 - X = scaler.fit_transform(X): نرمالسازی دادههای ویژگی.

6. تعريف توابع الگوريتم ژنتيک

a. مقداردهی اولیه جمعیت

```
#Implementation of genetic algorithm

21 def initializePopulation(size, numFeatures):

22 return np.random.rand(size, numFeatures)
```

- این تابع یک جمعیت اولیه از راهحلهای تصادفی ایجاد میکند. اندازه جمعیت و تعداد ویژگیها به عنوان ورودی دریافت میشود.

d. محاسبه شایستگی

```
def calculateFitness(population, X, y):
    fitness = []
    for individual in population:
        distances = np.linalg.norm(X[:, np.newaxis] - individual, axis=2)
        labels = np.argmin(distances, axis=1)
        if len(np.unique(labels)) > 1:
            fitness.append(silhouette_score(X, labels))
        else:
            fitness.append(0)
        return np.array(fitness)
```

- این تابع شایستگی هر فرد در جمعیت را محاسبه می کند.
- distances: محاسبه فاصله هر نقطه داده با مراكز خوشههاي كانديد.
 - labels: اختصاص هر نقطه به نزدیکترین مرکز خوشه.
- silhouette_score: ارزیابی کیفیت خوشه بندی. اگر تعداد خوشه ها کمتر از دو باشد، شایستگی صفر است.

c. انتخاب

```
def selection(population, fitness):
    indices = np.argsort(fitness)[-len(population)//2:]
    return population[indices]
```

- این تابع افراد با شایستگی بالاتر را برای تولید نسل بعدی انتخاب می کند. نیمی از افراد با بالاترین شادستگی انتخاب می شوند.

d. ترکیب (Crossover)

```
def crossover(parent1, parent2):
    crossoverPoint = np.random.randint(0, len(parent1))
    child1 = np.concatenate([parent1[:crossoverPoint], parent2[crossoverPoint:]])
    child2 = np.concatenate([parent2[:crossoverPoint], parent1[crossoverPoint:]])
    return child1, child2
```

- این تابع دو والد را ترکیب می کند تا دو فرزند تولید کند. نقطه ترکیب به صورت تصادفی انتخاب می شود و بخشهای والدین تعویض می شوند.

e. جهش (Mutation)

- این تابع تغییرات تصادفی کوچکی در ژنهای فرزند ایجاد میکند. احتمال جهش توسط mutation_rat تعیین می شود.

7. پارامترهای الگوریتم ژنتیک

```
51 populationSize = 50
52 numGenerations = 100
53 mutationRate = 0.1
54 numFeatures = X.shape[1]
```

- population size: تعداد افراد در جمعیت.
 - num_generations: تعداد نسلها.
 - mutation_rate: نرخ جهش.
- num_features: تعداد ویژگیها (طول کروموزومها).

8. مقداردهی اولیه جمعیت

```
56 population = initializePopulation(populationSize, numFeatures)
```

- تولید جمعیت اولیه از راهحلهای تصادفی.

9. اجراى الگوريتم ژنتيک

```
for generation in range(numGenerations):
    fitness = calculateFitness(population, X, y)
    selected_population = selection(population, fitness)
    nextPopulation = []

while len(nextPopulation) < populationSize:
    parents = np.random.choice(range(len(selected_population)), size=2, replace=False)
    parent1, parent2 = selected_population[parents[0]], selected_population[parents[1]]
    child1, child2 = crossover(parent1, parent2)
    child1 = mutation(child1, mutationRate)
    child2 = mutation(child2, mutationRate)
    nextPopulation.extend([child1, child2])

population = np.array(nextPopulation)</pre>
```

- برای هر نسل:

- calculate_fitness: محاسبه شایستگی جمعیت.
 - selection: انتخاب افراد با شایستگی بالاتر.

تولید نسل بعدی: ترکیب و جهش والدین انتخاب شده برای تولید فرزندان.

10. انتخاب بهترین فرد

```
73 bestIndividual = population[np.argmax(calculateFitness(population, X, y))]
74 print(bestIndividual)
```

- (population, X, y): بیدا کردن بهترین فرد در جمعیت. np.argmax(calculate_fitness(population, X, y))