

# **Отчёт по лабораторной работе №6**

**Математическое моделирование**

Мухамедияр Адиль

# Содержание

<b>1</b>	<b>Цель работы</b>	<b>5</b>
<b>2</b>	<b>Задание</b>	<b>6</b>
<b>3</b>	<b>Теоретическое введение</b>	<b>7</b>
<b>4</b>	<b>Выполнение лабораторной работы</b>	<b>9</b>
<b>5</b>	<b>Вывод</b>	<b>17</b>

## Список иллюстраций

4.1	Случай 1 OpenModelica . . . . .	10
4.2	Случай 2 OpenModelica . . . . .	11
4.3	Программа на Julia . . . . .	14
4.4	Программа на Julia . . . . .	15
4.5	Программа на Julia . . . . .	16

## **Список таблиц**

# 1 Цель работы

- Рассмотреть простейшую модель эпидемии.
- Построить модель и визуализировать график изменения числа особей.
- Визуализировать модель с помощью Julia и OpenModelica

## 2 Задание

Вариант 6.

На одном острове вспыхнула эпидемия. Известно, что из всех проживающих на острове ( $N=12\,000$ ) в момент начала эпидемии ( $t=0$ ) число заболевших людей (являющихся распространителями инфекции)  $I(0)=212$ , А число здоровых людей с иммунитетом к болезни  $R(0)=12$ . Таким образом, число людей восприимчивых к болезни, но пока здоровых, в начальный момент времени  $S(0)=N-I(0)-R(0)$ . Постройте графики изменения числа особей в каждой из трех групп. Рассмотрите, как будет протекать эпидемия в случае: 1) если  $I(0) \leq I_2$  2) если  $I(0) > I_2$

### 3 Теоретическое введение

Предположим, что некая популяция, состоящая из  $N$  особей, (считаем, что популяция изолирована) подразделяется на три группы.

- $S(t)$  — восприимчивые к болезни, но пока здоровые особи
- $I(t)$  — это число инфицированных особей, которые также при этом являются распространителями инфекции
- $R(t)$  — это здоровые особи с иммунитетом к болезни.

До того, как число заболевших не превышает критического значения  $I^*$  считаем, что все больные изолированы и не заражают здоровых. Когда  $I(t) > I^*$ , тогда инфицирование способны заражать восприимчивых к болезни особей.

Таким образом, скорость изменения числа  $S(t)$  меняется по следующему закону:

$$\frac{\partial S}{\partial t} = \begin{cases} -\alpha S, & I(t) > I^* \\ 0, & I(t) \leq I^* \end{cases}$$

Поскольку каждая восприимчивая к болезни особь, которая, в конце концов, заболевает, сама становится инфекционной, то скорость изменения числа инфекционных особей представляет разность за единицу времени между заразившимися и теми, кто уже болеет и лечится, т.е.:

$$\frac{\partial I}{\partial t} = \begin{cases} \alpha S - \beta I, & I(t) > I^* \\ -\beta I, & I(t) \leq I^* \end{cases}$$

А скорость изменения выздоравливающих особей (при этом приобретающие иммунитет к болезни)

$$\frac{\partial R}{\partial t} = \beta I$$

Постоянные пропорциональности:

•

$\alpha$

— коэффициент заболеваемости

•

$\beta$

— коэффициент выздоровления

Для того, чтобы решения соответствующих уравнений определялось однозначно, необходимо задать начальные условия. Считаем, что на начало эпидемии в момент времени  $t = 0$  нет особей с иммунитетом к болезни  $R(0)=0$ , а число инфицированных и восприимчивых к болезни особей  $I(0)$  и  $S(0)$  соответственно. Для анализа картины протекания эпидемии необходимо рассмотреть два случая:  $I(0) > I^*$  и  $I(0) \leq I^*$



## 4 Выполнение лабораторной работы

### Код на *OpenVodelica*

```
model lab06

constant Real a = 0.01; //коэф заболеваемости
constant Real b = 0.02; //коэф выздоровления
constant Real N = 12000; //общее число популяции

Real R; // здоровые, с иммунитетом
Real I; // заболевшие
Real S; // здоровые, в зоне риска

initial equation
R = 12;
I = 212; //кол-во заболевших в t = 0
S = N-I-R;

equation
//Случай 1: I>I*

der(S) = - a * S;
der(I) = a * S-b * I;
der(R) = b * I;
```

```
//Случай 2:  $I \leq I^*$ 
```

```
/*
```

```
der(S) = 0;
```

```
der(I) = -b * I;
```

```
der(R) = b * I;
```

```
*/
```

```
end lab06;
```

Результат 1 случая( $I > I^*$ ):

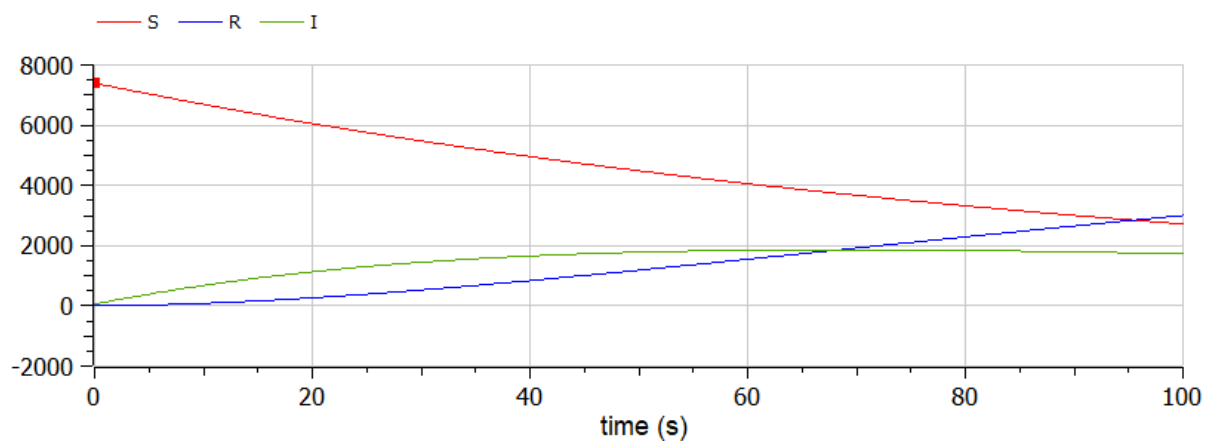


Рис. 4.1: Случай 1 OpenModelica

Результат 2 случая( $I \leq I^*$ ):

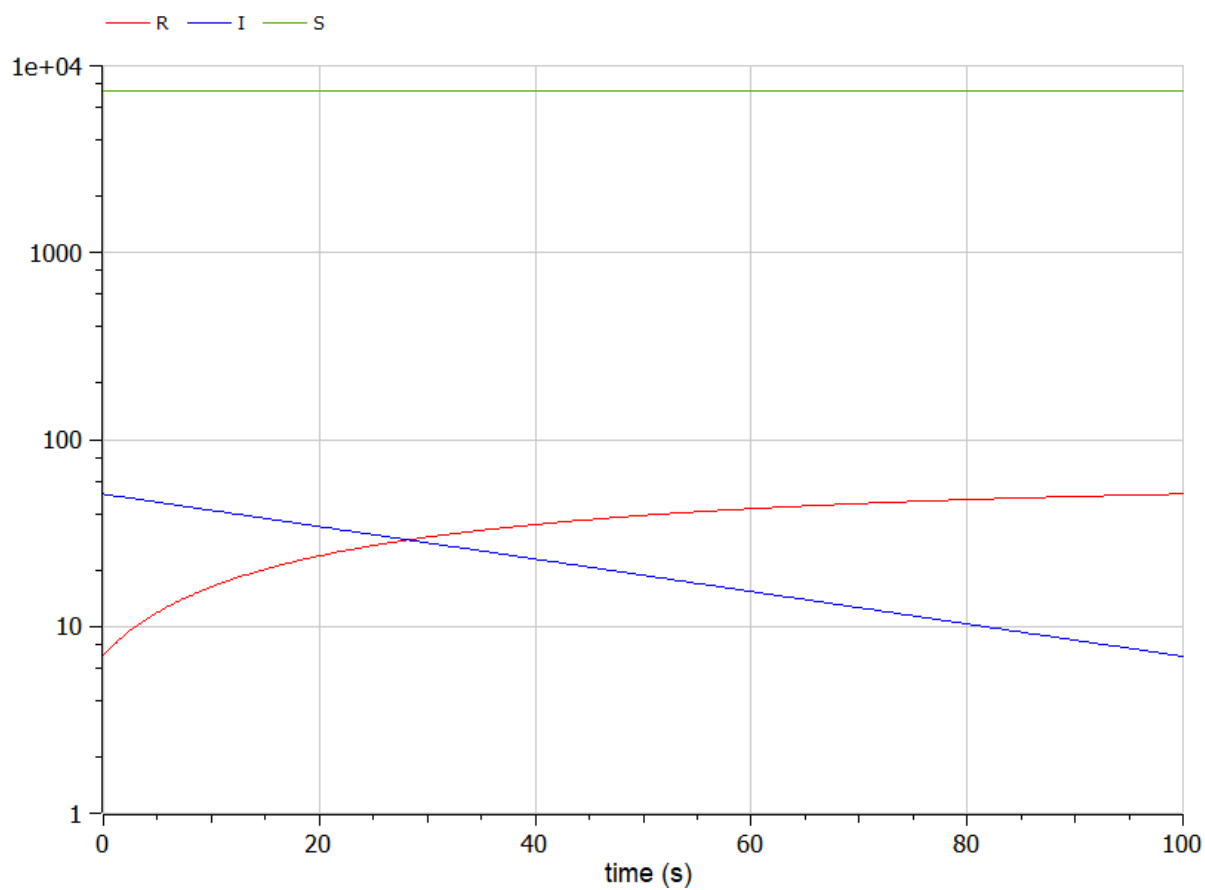


Рис. 4.2: Случай 2 OpenModelica

### Код на *Julia*

```
using Plots
using DifferentialEquations

const N = 12000
const I0 = 212
const R0 = 12

const alpha = 0.01
const beta = 0.02
```

```
S0 = N - I0 - R0
```

```
T = (0, 200)
```

```
u0 = [S0, I0, R0]
```

```
p1 = (beta)
```

```
# I0 < I*
```

```
function F1(du, u, p, t)
```

```
    beta = p
```

```
    du[1] = 0
```

```
    du[2] = -beta*u[2]
```

```
    du[3] = beta*u[2]
```

```
end
```

```
prob1 = ODEProblem(F1, u0, T, p1)
```

```
sol1 = solve(prob1, dtmax=0.01)
```

```
plt = plot(sol1, vars=(0,1), color=:red, label="S(t)", title="Изменения числа ос
```

```
plt2 = plot(sol1, vars=(0,2), color=:blue, label="I(t)", title="Изменения числа с
```

```
plot!(plt2, sol1, vars=(0,3), color=:green, label="R(t)")
```

```
savefig(plt, "Julia11.png")
```

```
savefig(plt2, "Julia12.png")
```

```
# I0 > I*
```

```
p2 = (alpha, beta)
```

```
function F2(du, u, p, t)
```

```
    alpha, beta = p
```

```
    du[1] = -alpha*u[1]
```

```
    du[2] = alpha*u[1]-beta*u[2]
```

```
    du[3] = beta*u[2]
```

```
end
```

```
prob2 = ODEProblem(F2, u0, T, p2)
```

```
sol2 = solve(prob2, dtmax=0.01)
```

```
plt = plot(sol2, vars=(0,1), color=:red, label="S(t)", title="Изменения числа особей")
```

```
plot!(plt, sol2, vars=(0,2), color=:blue, label="I(t)")
```

```
plot!(plt, sol2, vars=(0,3), color=:green, label="R(t)")
```

```
savefig(plt, "Julia2.png")
```

Результаты сохраняем в два графика, чтобы можно было увидеть изменения в группах R и I. Так как все инфицированные изолированы, количество особей в группе S не изменяется, число особей в группе I уменьшается, а в группе R - растёт.

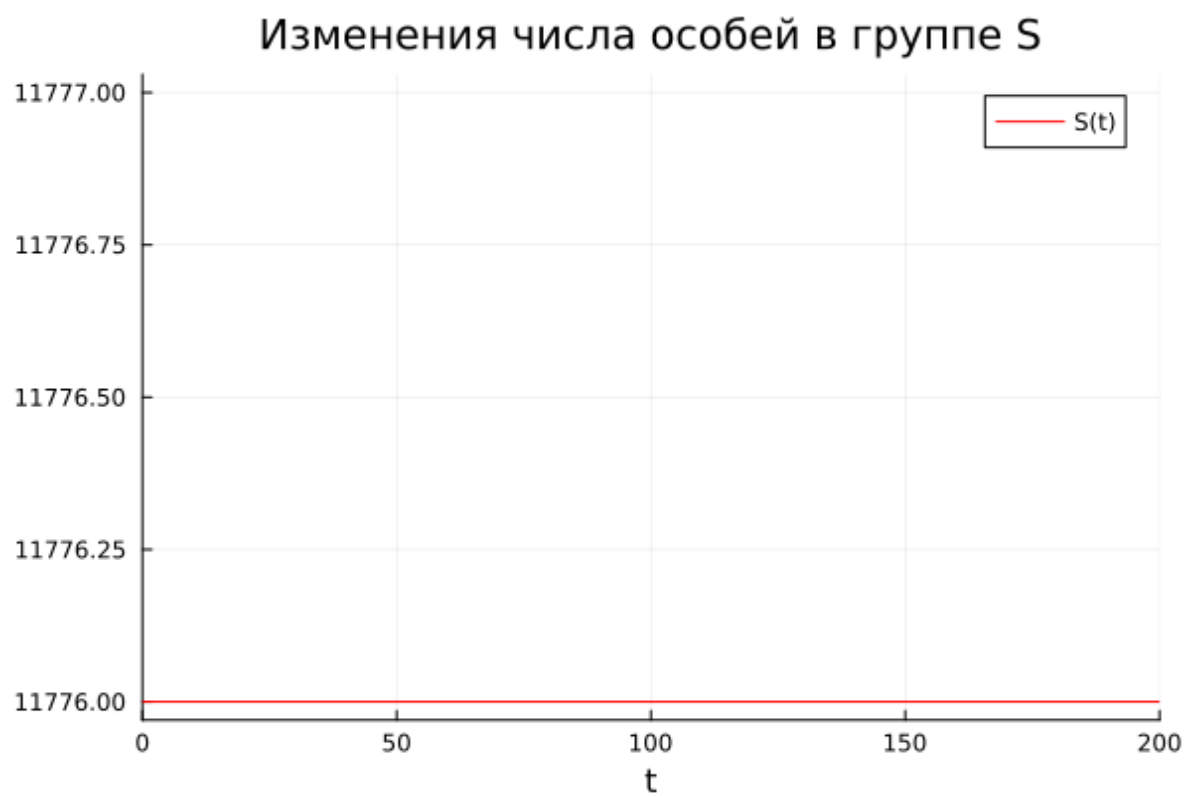


Рис. 4.3: Программа на Julia

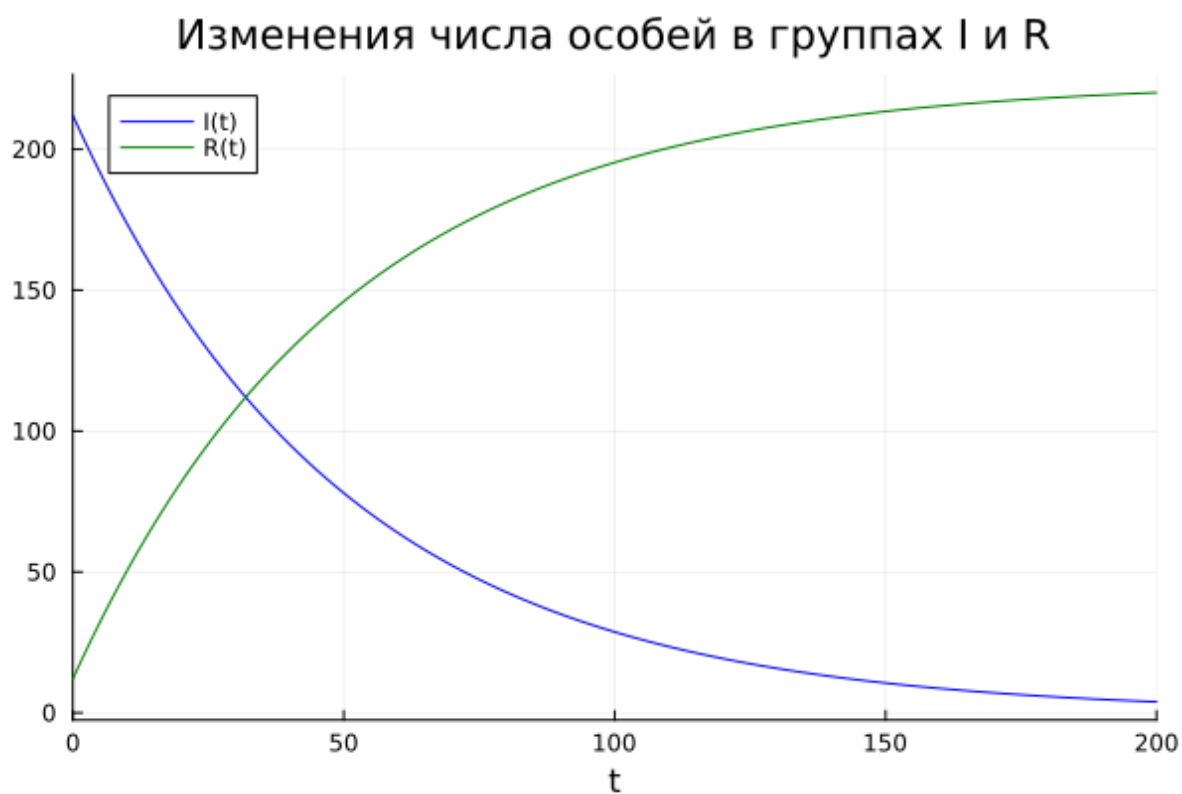


Рис. 4.4: Программа на Julia

Получаем графики изменения численности особей для групп S, I, R. Численность в группе R увеличивается, в группе I сначала растет, потом начинает уменьшаться, а в группе S уменьшается, то есть особи из группы S сначала переходят в группу I, а затем в группу R.

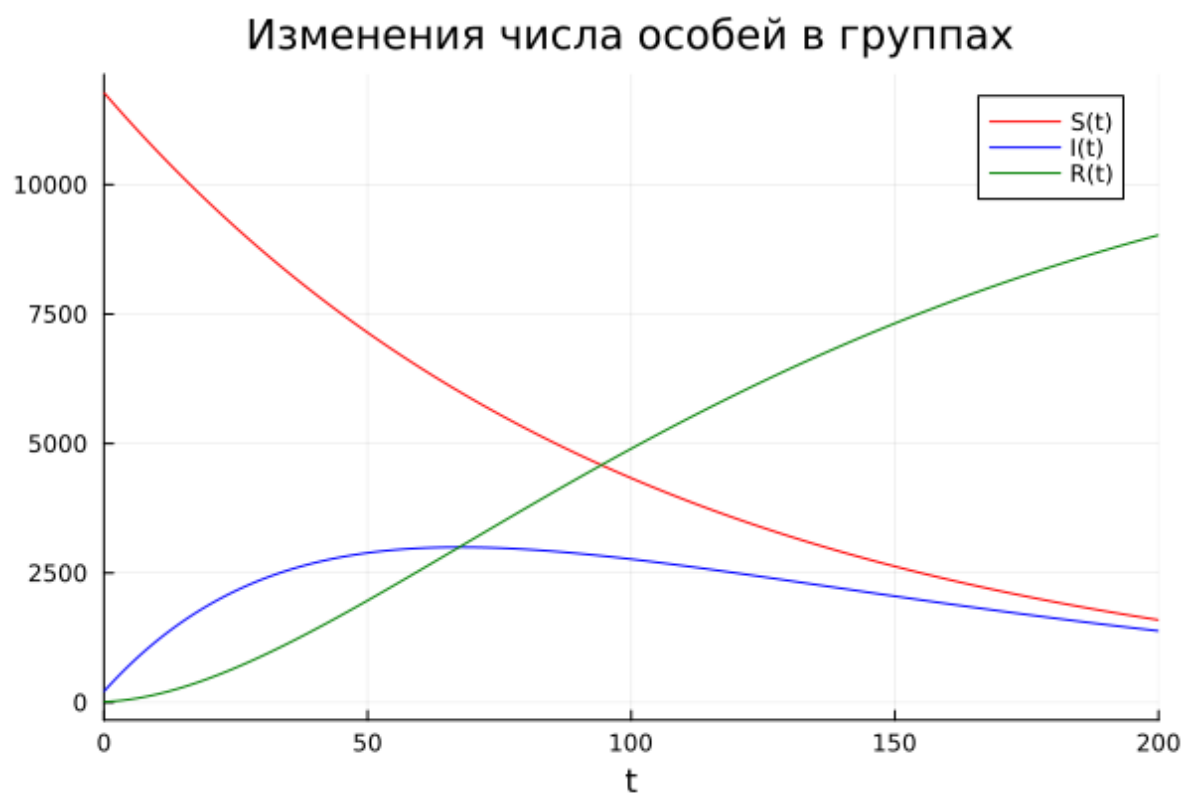


Рис. 4.5: Программа на Julia



## 5 Вывод

Благодаря данной лабораторной работе познакомился с простейшей моделью эпидемии.