Error Tolerance Heatmap: All Databases × All K-mer Sizes
Percentage of k-mers remaining specific after 1 sequencing error

Marker Database	k=21	k=25	k=31	k=35	k=41
Col-0_ARMS_Chr1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Col-0_ARMS_Chr2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Col-0_ARMS_Chr3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Col-0_ARMS_Chr4	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Col-0_ARMS_Chr5	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Col-0_CEN_Chr1	0.69	0.67	0.64	0.61	0.60
Col-0_CEN_Chr2	0.89	0.89	0.80	0.76	0.62
Col-0_CEN_Chr3	0.48	0.47	0.47	0.37	0.30
Col-0_CEN_Chr4	0.75	0.69	0.62	0.57	0.41
Col-0_CEN_Chr5	0.47	0.41	0.28	0.19	0.14
Ler-0_ARMS_Chr1	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ler-0_ARMS_Chr2	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ler-0_ARMS_Chr3	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ler-0_ARMS_Chr4	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ler-0_ARMS_Chr5	0.00	0.00	0.00	0.00	0.00
Ler-0_CEN_Chr1	1.04	1.12	0.96	0.87	0.82
Ler-0_CEN_Chr2	0.65	0.55	0.55	0.59	0.55
Ler-0_CEN_Chr3	0.50	0.33	0.25	0.20	0.17
Ler-0_CEN_Chr4	0.50	0.45	0.42	0.38	0.28
Ler-0_CEN_Chr5	0.43	0.43	0.31	0.24	0.22

Error Tolerance (%)

K-mer Size