菊安酱的机器学习第4期

菊安酱的直播问: https://live.bilibili.com/14988341

每周一晚8:00 菊安酱和你不见不散哦~(^o^)/~

更新日期: 2018-11-26

作者: 菊安酱

课件内容说明:

• 本文为作者原创内容, 转载请注明作者和出处

• 如果想获得此课件及完整视频,可扫描下方二维码,回复"k"进群

• 若有任何疑问,请给作者留言。



12期完整版课纲

直播时间: 每周一晚8:00

直播内容:

时间	期数	算法
2018/11/05	第1期	k-近邻算法
2018/11/12	第2期	决策树
2018/11/19	第3期	朴素贝叶斯
2018/11/26	第4期	Logistic回归
2018/12/03	第5期	支持向量机
2018/12/10	第6期	AdaBoost 算法
2018/12/17	第7期	线性回归
2018/12/24	第8期	树回归
2018/12/31	第9期	K-均值聚类算法
2019/01/07	第10期	Apriori 算法
2019/01/14	第11期	FP-growth 算法
2019/01/21	第12期	奇异值分解SVD

Logistic回归

菊安酱的机器学习第4期

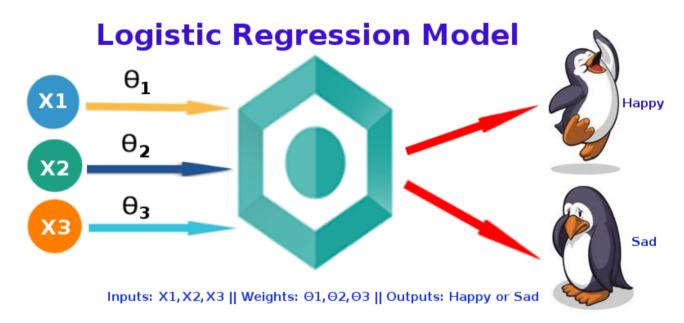
- 12期完整版课纲
- Logistic回归
- 一、概述
 - 1. Logistic Regression
 - 1.1 线性回归
 - 1.2 Sigmoid函数
 - 1.3 逻辑回归
 - 1.4 LR 与线性回归的区别
 - 2. LR的损失函数
 - 3. LR 正则化
 - 3.1 L1 正则化
 - 3.2 L2 正则化
 - 3.3 L1正则化和L2正则化的区别
 - 4. RL 损失函数求解
 - 4.1 基于对数似然损失函数
 - 4.2 基于极大似然估计
- 二、梯度下降法
 - 1. 梯度
 - 2. 梯度下降的直观解释
 - 3. 梯度下降的详细算法
 - 3.1 梯度下降法的代数方式描述
 - 3.2 梯度下降法的矩阵方式描述
 - 4. 梯度下降的种类
 - 4.1 批量梯度下降法BGD
 - 4.2 随机梯度下降法SGD
 - 4.3 小批量梯度下降法MBGD
 - 5. 梯度下降的算法调优
- 三、使用梯度下降求解逻辑回归
 - 1. 使用BGD求解逻辑回归
 - 1.1 导入数据集
 - 1.2 定义辅助函数
 - 1.3 BGD算法python实现
 - 1.4 准确率计算函数
 - 2. 使用SGD求解逻辑回归
 - 2.1 SGD算法python实现
- 四、从疝气病症预测病马的死亡率
 - 1. 准备数据
 - 2. logistic回归分类函数

一、概述

分类技术是机器学习和数据挖掘应用中的重要组成部分。在数据科学中,大约70%的问题属于分类问题。解决分类问题的算法也有很多种,比如: k-近邻算法,使用距离计算来实现分类; 决策树,通过构建直观易懂的树来实现分类; 朴素贝叶斯,使用概率论构建分类器。这里我们要讲的是Logistic回归,它是一种很常见的用来解决二元分类问题的回归方法,它主要是通过寻找最优参数来正确地分类原始数据。

1. Logistic Regression

逻辑回归(Logistic Regression,简称LR),其实是一个很有误导性的概念,虽然它的名字中带有"回归"两个字,但是它最擅长处理的却是分类问题。LR分类器适用于各项广义上的分类任务,例如:评论信息的正负情感分析(二分类)、用户点击率(二分类)、用户违约信息预测(二分类)、垃圾邮件检测(二分类)、疾病预测(二分类)、用户等级分类(多分类)等场景。我们这里主要讨论的是二分类问题。



1.1 线性回归

提到逻辑回归我们不得不提一下线性回归,逻辑回归和线性回归同属于广义线性模型,逻辑回归就是用线性回归模型的预测值去拟合真实标签的的**对数几率**(一个事件的几率(odds)是指该事件发生的概率与不发生的概率之比,如果该事件发生的概率是P,那么该事件的几率是 $\frac{P}{1-P}$,对数几率就是 $\log \frac{P}{1-P}$)。

逻辑回归和线性回归本质上都是得到一条直线,不同的是,线性回归的直线是尽可能去拟合输入变量X的分布,使得训练集中所有样本点到直线的距离最短;而逻辑回归的直线是尽可能去拟合**决策边界**,使得训练集样本中的样本点尽可能分离开。因此,两者的目的是不同的。

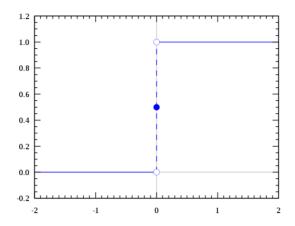
线性回归方程:

$$y = wx + b$$

此处, y为因变量, x为自变量。在机器学习中y是标签, x是特征。

1.2 Sigmoid函数

我们想要的函数应该是,能接受所有的输入然后预测出类别。例如在二分类的情况下,函数能输出0或1。那拥有这类性质的函数称为海维赛德阶跃函数(Heaviside step function),又称之为单位阶跃函数(如下图所示)



单位阶跃函数的问题在于:在0点位置该函数从0瞬间跳跃到1,这个瞬间跳跃过程很难处理(不好求导)。幸运的是,Sigmoid函数也有类似的性质,且数学上更容易处理。

Sigmoid函数公式:

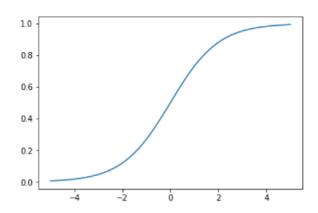
$$f(x) = \frac{1}{1+e^{-(x)}}$$

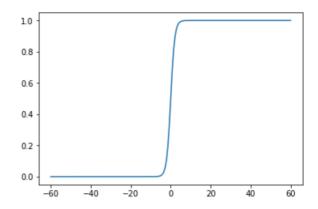
```
import numpy as np
import math
import matplotlib.pyplot as plt
%matplotlib inline

x = np.linspace(-5,5,200)
y = [1/(1+math.e**(-x)) for x in X]
plt.plot(x,y)
plt.show()

x = np.linspace(-60,60,200)
y = [1/(1+math.e**(-x)) for x in X]
plt.plot(X,y)
plt.show()
```

下图给出了Sigmoid函数在不同坐标尺度下的两条曲线。当x为0时,Sigmoid函数值为0.5。随着x的增大,对应的函数值将逼近于1;而随着x的减小,函数值逼近于0。所以Sigmoid函数值域为(0,1),注意这是开区间,它仅无限接近0和1。如果横坐标刻度足够大,Sigmoid函数看起来就很像一个阶跃函数了。





1.3 逻辑回归

通过将线性模型和Sigmoid函数结合,我们可以得到逻辑回归的公式:

$$y = \frac{1}{1 + e^{-(wx+b)}}$$

这样y就是(0,1)的取值。

对式子进行变换,可得:

$$log\frac{y}{1-y} = wx + b$$

这个其实就是一个对数几率公式

二项Logistic回归:

$$P(y = 0|x) = rac{1}{1 + e^{w \cdot x}}$$
 $P(y = 1|x) = rac{e^{w \cdot x}}{1 + e^{w \cdot x}}$

多项Logistic回归:

$$egin{aligned} P(y=k|x) &= rac{e^{w_k \cdot x}}{1 + \sum_{k=1}^{K-1} e^{w_k \cdot x}} \ P(y=K|x) &= rac{1}{1 + \sum_{k=1}^{K-1} e^{w_k \cdot x}} \end{aligned}$$

1.4 LR 与线性回归的区别

逻辑回归和线性回归是两类模型,逻辑回归是分类模型,线性回归是回归模型

(看到这里的小伙伴,请忽略视频讲解的内容~,因为这两个模型是不同类的模型不可这样比较~~)

2. LR的损失函数

在机器学习算法中,我们常常使用损失函数来衡量模型预测的好坏。损失函数,通俗讲,就是衡量**真实值和预测值 之间差距**的函数。所以,损失函数越小模型就越好。在这里,最小损失是0。

LR损失函数为:

$$\begin{cases} -log(x), y = 1\\ -log(1-x), y = 0 \end{cases}$$

看一下这个函数的图像:

```
X = np.linspace(0.0001,1,200)
y = [(-np.log(x)) for x in X]
plt.plot(X,y)
plt.show()

X = np.linspace(0,0.99999,200)
y = [(-np.log(1-x)) for x in X]
plt.plot(X,y)
plt.show()
```

我们把这两个损失函数综合起来:

$$-[ylog(x) + (1-y)log(1-x)]$$

y就是标签,分别取0,1

对于m个样本,总的损失函数为:

$$J(heta) = -rac{1}{m} \sum_{i=1}^m [y_i log(p(x_i) + (1-y_i) log(1-p(x_i))]$$

这个式子中,m是样本数,y是标签,取值0或1,i表示第i个样本,p(x)表示预测的输出。

不过当损失过于小的时候,也就是模型能够拟合绝大部分的数据,这时候就容易出现过拟合。为了防止过拟合,我们会引入正则化。

3. LR 正则化

3.1 L1 正则化

Lasso 回归,相当于为模型添加了这样一个先验知识:w服从零均值拉普拉斯分布。

拉普拉斯分布:

$$f(w|\mu,b)=rac{1}{2b}exp(-rac{|w-\mu|}{b})$$

其中µ,b为常数,且µ>0。

下面证明这一点,由于引入了先验知识,所以似然函数这样写:

$$L(w) = P(y|w,x)P(w) = \prod_{i=1}^N p(x_i)^{y_i} (1-p(x_i))^{1-y_i} \prod_{j=1}^d rac{1}{2b} exp(-rac{|w_j|}{b})$$

取log再取负,得到目标函数:

$$-log L(w) = -\sum_{i} [y_i log p(x_i) + (1-y_i) log (1-p(x_i))] + rac{1}{2b^2} \sum_{j} |w_j|$$

等价于原始的cross-entropy后面加上了L1正则,因此L1正则的本质其实是为模型增加了"**模型参数服从零均值拉普拉斯分布**"这一先验知识。

3.2 L2 正则化

Ridge 回归,相当于为模型添加了这样一个先验知识:w服从零均值正态分布。

正态分布公式:

$$f(w|\mu,\sigma)=rac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma}exp(-rac{(w-\mu)^2}{2\sigma^2})$$

下面证明这一点,由于引入了先验知识,所以似然函数这样写:

$$egin{aligned} L(w) &= P(y|w,x)P(w) = \prod_{i=1}^N p(x_i)^{y_i} (1-p(x_i))^{1-y_i} \prod_{j=1}^d rac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma} exp(-rac{w_j^2}{2\sigma^2}) \ &= \prod_{i=1}^N p(x_i)^{y_i} (1-p(x_i))^{1-y_i} rac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma} (-rac{w^Tw}{2\sigma^2}) \end{aligned}$$

取log再取负,得到目标函数:

$$-logL(w) = -\sum_{i}[y_{i}logp(x_{i}) + (1-y_{i})log(1-p(x_{i}))] + rac{w^{T}w}{2\sigma^{2}} + const$$

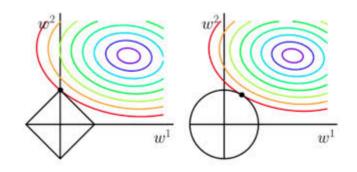
等价于原始的cross-entropy后面加上了L2正则,因此L2正则的本质其实是为模型增加了"**模型参数服从零均值正态分布**"这一先验知识。

3.3 L1正则化和L2正则化的区别

- 1. 两者引入的关于模型参数的先验知识不一样,L1是拉普拉斯分布,L2是正态分布
- 2. L1偏向于使模型参数变得稀疏(但实际上并不那么容易), L2偏向于使模型每一个参数都很小, 但是更加稠密, 从而防止过拟合。

为什么L1偏向于稀疏, L2偏向于稠密呢?

看下面两张图,每一个圆表示loss的等高线,即在该圆上loss都是相同的,可以看到L1更容易在坐标轴上达到,而L2则容易在象限里达到。



4. RL 损失函数求解

4.1 基于对数似然损失函数

对数似然损失函数为:

$$L(Y, P(Y|X)) = -logP(Y|X)$$

对于LR来说,单个样本的对数似然损失函数可以写成如下形式:

$$L(y_i, p(y_i|x_i)) = egin{cases} -lograc{exp(w\cdot x)}{1+exp(w\cdot x)} = log(1+e^{-w\cdot x}) = log(1+e^{-\hat{y_i}}), y_i = 1 \ -lograc{1}{1+exp(w\cdot x)} = log(1+e^{w\cdot x}) = log(1+e^{\hat{y_i}}), y_i = 0 \end{cases}$$

综合起来,写成同一个式子:

$$L(y_i, p(y_i|x_i)) = y_i log(1 + e^{-w \cdot x}) + (1 - y_i) log(1 + e^{w \cdot x})$$

于是对整个训练样本集而言,对数似然损失函数是:

$$J(w) = rac{1}{N} \sum_{i=1}^{N} \{ y_i log(1 + e^{-w \cdot x}) + (1 - y_i) log(1 + e^{w \cdot x}) \}$$

4.2 基于极大似然估计

设
$$p(y=1|x)=p(x)$$

$$p(y=0|x)=1-p(x)$$
 ,

假设样本是独立同分布生成的,它们的似然函数就是各样本后验概率连乘:

$$L(w) = P(y|w,x) = \prod_{i=1}^N p(x_i)^{y_i} [1-p(x_i)]^{1-y_i}$$

为了防止数据下溢,写成对数似然函数形式:

$$egin{aligned} log L(w) &= \sum_{i=1}^{N} [y_i log p(x_i) + (1-y_i) log (1-p(x_i)] \ &- log L(w) = -\sum_{i=1}^{N} [y_i (w \cdot x_i) - log (1+e^{w \cdot x})] \end{aligned}$$

可以看出实际上 $J(w) = -\frac{1}{N}logL(w)$,J(w)要最小化,而logL(w)要最大化,实际上是等价的。

讨论:

1. 损失函数为什么是log损失函数(交叉熵),而不是MSE?

假设目标函数是MSE而不是交叉熵,即:

$$L = rac{(y-\hat{y})^2}{2}$$
 $rac{\partial L}{\partial w} = (\hat{y} - y)\sigma'(w \cdot x)x$

这里sigmoid的导数项:

$$\sigma'(w \cdot x) = w \cdot x(1 - w \cdot x)$$

根据w的初始化,导数值可能很小(想象一下sigmoid函数在输入较大时的梯度)而导致收敛变慢,而训练途中也可能因为该值过小而提早终止训练。

另一方面,logloss的梯度如下,当模型输出概率偏离于真实概率时,梯度较大,加快训练速度,当拟合值接近于真实概率时训练速度变缓慢,没有MSE的问题。

$$g = \sum_{i=1}^N x_i (y_i - p(x_i))$$

二、梯度下降法

由于极大似然函数无法直接求解,所以在机器学习算法中,在最小化损失函数时,可以通过梯度下降法来一步步的 迭代求解,得到最小化的损失函数和模型参数值。

1. 梯度

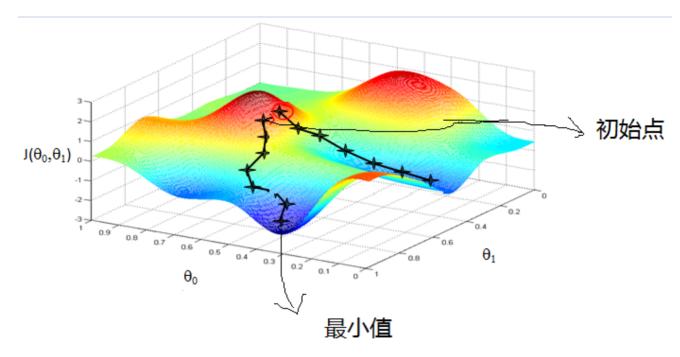
在微积分里面,对多元函数的参数求 ∂ 偏导数,把求得的各个参数的偏导数以向量的形式写出来,就是梯度。比如函数f(x,y), 分别对x,y求偏导数,求得的梯度向量就是 $(\partial f/\partial x,\partial f/\partial y)^T$,简称grad f(x,y)或者 $\nabla f(x,y)$ 。对于在点 (x_0,y_0) 的具体梯度向量就是 $(\partial f/\partial x_0,\partial f/\partial y_0)^T$ 或者 $\nabla f(x_0,y_0)$,如果是3个参数的向量梯度,就是 $(\partial f/\partial x,\partial f/\partial y_0,\partial f/\partial y_0,\partial f/\partial y_0)^T$,以此类推。

那么这个梯度向量求出来有什么意义呢?他的意义从几何意义上讲,就是函数变化增加最快的地方。具体来说,对于函数f(x,y),在点 (x_0,y_0) ,沿着梯度向量的方向就是 $(\partial f/\partial x_0,\partial f/\partial y_0)^T$ 的方向是f(x,y)增加最快的地方。或者说,沿着梯度向量的方向,更加容易找到函数的最大值。反过来说,沿着梯度向量相反的方向,也就是 $-(\partial f/\partial x_0,\partial f/\partial y_0)^T$ 的方向,梯度减少最快,也就是更加容易找到函数的最小值。

2. 梯度下降的直观解释

首先来看看梯度下降的一个直观的解释。比如我们在一座大山上的某处位置,由于我们不知道怎么下山,于是决定走一步算一步,也就是在每走到一个位置的时候,求解当前位置的梯度,沿着梯度的负方向,也就是当前最陡峭的位置向下走一步,然后继续求解当前位置梯度,向这一步所在位置沿着最陡峭最易下山的位置走一步。这样一步步的走下去,一直走到觉得我们已经到了山脚。当然这样走下去,有可能我们不能走到山脚,而是到了某一个局部的山峰低处。

从上面的解释可以看出,梯度下降不一定能够找到全局的最优解,有可能是一个局部最优解。当然,如果损失函数 是凸函数,梯度下降法得到的解就一定是全局最优解。



3. 梯度下降的详细算法

梯度下降法的算法可以有代数法和矩阵法(也称向量法)两种表示,如果对矩阵分析不熟悉,则代数法更加容易理解。不过矩阵法更加的简洁,且由于使用了矩阵,实现逻辑更加的一目了然。这里先介绍代数法,后介绍矩阵法。

3.1 梯度下降法的代数方式描述

1. 先决条件: 确认优化模型的假设函数和损失函数。

比如对于线性回归,假设函数表示为 $h_{\theta}(x_1,x_2,\dots x_n)=\theta_0+\theta_1x_1+\dots+\theta_nx_n$, 其中 $\theta_i(i=0,1,2...n)$ 为模型参数, $x_i(i=0,1,2...n)$ 为每个样本的n个特征值。这个表示可以简化,我们增加一个特征 $x_0=1$,这样 $h_{\theta}(x_0,x_1,\dots x_n)=\sum_{I=0}^n\theta_Ix_I$ 。 同样是线性回归,对应于上面的假设函数,损失函数为(此处在损失函数之前加上 $\frac{1}{2m}$,主要是为了修正SSE让计算公式结果更加美观,实际上损失函数取MSE或SSE均可,二者对于一个给定样本而言只相差一个固定数值):

$$J(heta_0, heta_1\dots, heta_n) = rac{1}{2m} \sum_{j=0}^m (h_ heta(x_0^{(j)},x_1^{(j)},\dots x_n^{(j)}) - y_j)^2$$

- 2. 算法相关参数初始化:主要是初始化 $\theta_0, \theta_1, \dots, \theta_n$,算法终止距离 ε 以及步长 α 。在没有任何先验知识的时候,我们比较倾向于将所有的 θ 初始化为0,将步长初始化为1。在调优的时候再进行优化。
- 3. 算法过程:
 - (1).确定当前位置的损失函数的梯度,对于 θ_i ,其梯度表达式如下:

$$\frac{\partial}{\partial \theta_i} J(\theta_0, \theta_1, \dots, \theta_n)$$

- (2).用步长乘以损失函数的梯度,得到当前位置下降的距离,即 $\alpha \frac{\partial}{\partial \theta_i} J(\theta_0, \theta_1 \dots, \theta_n)$,对应于前面登山例子中的某一步。
- (3).确定是否所有的 θ_i ,梯度下降的距离都小于 ε ,如果小于 ε 则算法终止,当前所有的 θ_i ($i=0,1,\ldots n$)即为最终结果。否则进入步骤4.
- (4).更新所有的 θ ,对于 θ_i ,其更新表达式如下。更新完毕后继续转入步骤1.

$$heta_i = heta_i - lpha rac{\partial}{\partial heta_i} J(heta_0, heta_1 \dots, heta_n)$$

下面用线性回归的例子来具体描述梯度下降。假设我们的样本是

 $(x_1^{(0)},x_2^{(0)},\dots x_n^{(0)},y_0),(x_1^{(1)},x_2^{(1)},\dots x_n^{(1)},y_1),\dots (x_1^{(m)},x_2^{(m)},\dots x_n^{(m)},y_m)$.损失函数如前面先决条件所述:

$$J(heta_0, heta_1\dots, heta_n) = rac{1}{2m} \sum_{i=0}^m (h_ heta(x_0^{(j)},x_1^{(j)},\dots x_n^{(j)}) - y_j)^2$$

则在算法过程步骤1中对于 θ_i 的偏导数计算如下:

$$rac{\partial}{\partial heta_i}J(heta_0, heta_1\dots, heta_n)=rac{1}{m}\sum_{j=0}^m(h_ heta(x_0^{(j)},x_1^{(j)},\dots x_n^{(j)})-y_j)x_i^{(j)}$$

由于样本中没有 x_0 上式中令所有的 x_0^j 为1. 步骤4中 θ_i 的更新表达式如下:

$$heta_i = heta_i - lpha rac{1}{m} \sum_{j=0}^m (h_ heta(x_0^{(j)}, x_1^{(j)}, \dots x_n^{(j)}) - y_j) x_i^{(j)}$$

从这个例子可以看出当前点的梯度方向是由所有的样本决定的,加 $\frac{1}{m}$ 是为了好理解。由于步长也为常数,他们的乘积也为常数,所以这里 $\alpha \frac{1}{m}$ 可以用一个常数表示。 在下面会详细讲到的梯度下降法的变种,他们主要的区别就是对样本的采用方法不同。这里我们采用的是用所有样本。

3.2 梯度下降法的矩阵方式描述

这一部分主要讲解梯度下降法的矩阵方式表述,相对于上面的代数法,要求有一定的矩阵分析的基础知识,尤其是矩阵求导的知识。

1. 先决条件: 需要确认优化模型的假设函数和损失函数。对于线性回归,假设函数 $h_{\theta}(x_1, x_2, \dots x_n) = \theta_0 + \theta_1 x_1 + \dots + \theta_n x_n$ 的矩阵表达方式为:

$$h_{\theta}(\mathbf{x}) = \mathbf{X}\theta$$

其中,假设函数 $h_{\theta}(\mathbf{X})$ 为m*1的向量, θ 为(n+1)*1的向量,里面有n个代数法的模型参数。 \mathbf{X} 为m*(n+1)维的矩阵。m代表样本的个数,n+1代表样本的特征数。 损失函数的表达式为: $J(\theta) = \frac{1}{2m}(\mathbf{X}\theta - \mathbf{Y})^T(\mathbf{X}\theta - \mathbf{Y})$,其中 \mathbf{Y} 是样本的输出向量,维度为m*1.

- 2. 算法相关参数初始化: θ 向量可以初始化为默认值,或者调优后的值。算法终止距离 ε ,步长 α 和3.1比没有变化。
- 3. 算法过程:
 - (1).确定当前位置的损失函数的梯度,对于 θ 向量,其梯度表达式如下:

$$\frac{\partial}{\partial \theta} J(\theta)$$

- (2).用步长乘以损失函数的梯度,得到当前位置下降的距离,即\$\alpha\frac{\partial} {\partial\theta}J(\theta)\$对应于前面登山例子中的某一步。
- - (4).更新\$\theta\$向量,其更新表达式如下。更新完毕后继续转入步骤1.

菊安酱

$$\theta = \theta - \alpha \frac{\partial}{\partial \theta} J(\theta)$$

还是用线性回归的例子来描述具体的算法过程。 损失函数对于 θ 向量的偏导数计算如下:

$$\frac{\partial}{\partial \theta} J(\theta) = \frac{1}{m} \mathbf{X}^T (\mathbf{X} \theta - \mathbf{Y})$$

步骤4中 θ 向量的更新表达式如下:

$$\theta = \theta - \alpha \mathbf{X}^T (\mathbf{X}\theta - \mathbf{Y})/m$$

可以看到矩阵法要简洁很多。这里面用到了矩阵求导链式法则,和两个矩阵求导的公式。

公式1: $\frac{\partial}{\partial \mathbf{X}}(\mathbf{X}\mathbf{X}^{\mathbf{T}}) = 2\mathbf{X}$

公式2: $\frac{\partial}{\partial \theta}(\mathbf{X}\theta) = \mathbf{X}^{\mathrm{T}}$

4. 梯度下降的种类

4.1 批量梯度下降法BGD

批量梯度下降法(Batch Gradient Descent, BGD)是梯度下降法最常用的形式,具体做法也就是在更新参数时使用所有的样本来进行更新。

$$heta_i = heta_i - lpha \sum_{i=1}^m (h_ heta(x_0^{(j)}, x_1^{(j)}, \dots x_n^{(j)}) - y_j) x_i^{(j)}$$

由于我们有m个样本,这里求梯度的时候就用了所有样本的梯度数据。

4.2 随机梯度下降法SGD

随机梯度下降法,其实和批量梯度下降法原理类似,区别在与求梯度时没有用所有的m个样本的数据,而是仅仅选取一个样本j来求梯度。对应的更新公式是:

$$heta_i = heta_i - lpha(h_ heta(x_0^{(j)}, x_1^{(j)}, \dots x_n^{(j)}) - y_j)x_i^{(j)}$$

随机梯度下降法和批量梯度下降法是两个极端,一个采用所有数据来梯度下降,一个用一个样本来梯度下降。自然各自的优缺点都非常突出。对于训练速度来说,随机梯度下降法由于每次仅仅采用一个样本来迭代,训练速度很快,而批量梯度下降法在样本量很大的时候,训练速度不能让人满意。对于准确度来说,随机梯度下降法用于仅仅用一个样本决定梯度方向,导致解很有可能不是最优。对于收敛速度来说,由于随机梯度下降法一次迭代一个样本,导致迭代方向变化很大,不能很快的收敛到局部最优解。但值得一提的是,随机梯度下降法在处理非凸函数优化的过程当中有非常好的表现,由于其下降方向具有一定随机性,因此能很好的绕开局部最优解,从而逼近全局最优解。

那么,有没有一个中庸的办法能够结合两种方法的优点呢?有!这就是下面的小批量梯度下降法。

4.3 小批量梯度下降法MBGD

小批量梯度下降法是批量梯度下降法和随机梯度下降法的折衷,也就是对于m个样本,我们采用x个子样本来迭代,1<x<m。一般可以取x=10,当然根据样本的数据,可以调整这个x的值。对应的更新公式是:

$$heta_i = heta_i - lpha \sum_{j=t}^{t+x-1} (h_ heta(x_0^{(j)}, x_1^{(j)}, \dots x_n^{(j)}) - y_j) x_i^{(j)}$$

总结:

BGD会获得全局最优解,缺点是在更新每个参数的时候需要遍历所有的数据,计算量会很大,并且会有很多的冗余 计算,导致的结果是当数据量大的时候,每个参数的更新都会很慢。

SGD以高方差频繁更新,优点是使得SGD会跳到新的和潜在更好的局部最优解,缺点是使得收敛到局部最优解的过程更加的复杂。

MBGD降结合了BGD和SGD的优点,每次更新的时候使用n个样本。减少了参数更新的次数,可以达到更加稳定收敛结果,一般在深度学习当中可以采用这种方法,将数据一个batch一个batch的送进去训练。

不过在使用上述三种方法时有两个问题是不可避免的:

- 1、如何选择合适的学习率(learning_rate)。自始至终保持同样的学习率显然是不太合适的,开始学习参数的时候,距离最优解比较远,需要一个较大的学习率能够快速的逼近最优解。当参数接近最优解时,继续保持最初的学习率,容易越过最优点,在最优点附近震荡。
- 2、如何对参数选择合适的学习率。对每个参数都保持的同样的学习率也是很不合理的。有些参数更新频繁,那么学习率可以适当小一点。有些参数更新缓慢,那么学习率就应该大一点。

针对以上问题,就提出了诸如Adam,动量法等优化方法,感兴趣的小伙伴可以自行研究。

5. 梯度下降的算法调优

- 1. 算法的**步长**选择。步长的选择实际上取值取决于数据样本,可以多取一些值,从大到小,分别运行算法,看 看迭代效果,如果损失函数在变小,说明取值有效,否则要增大步长。前面说了。步长太大,会导致迭代过 快,甚至有可能错过最优解。步长太小,迭代速度太慢,很长时间算法都不能结束。所以算法的步长需要多 次运行后才能得到一个较为优的值。
- 2. 算法参数的**初始值**选择。 初始值不同,获得的最小值也有可能不同,因此梯度下降求得的只是局部最小值; 当然如果损失函数是凸函数则一定是最优解。由于有局部最优解的风险,需要多次用不同初始值运行算法, 关键损失函数的最小值,选择损失函数最小化的初值。
- 3. **标准化**。由于样本不同特征的取值范围不一样,可能导致迭代很慢,为了减少特征取值的影响,可以对特征数据标准化,也就是对于每个特征x,求出它的期望x和标准差std(x),然后转化为:

$$\frac{x-\overline{x}}{std(x)}$$

这样特征的新期望为0,新方差为1,收敛速度可以大大加快。

三、使用梯度下降求解逻辑回归

testSet数据集中一共有100个点,每个点包含两个数值型特征:X1和X2。因此可以将数据在一个二维平面上展示出来。我们可以将第一列数据(X1)看作x轴上的值,第二列数据(X2)看作y轴上的值。而最后一列数据即为分类标签。根据标签的不同,对这些点进行分类。

在此数据集上,我们将通过批量梯度下降法和随机梯度下降法找到最佳回归系数。

1. 使用BGD求解逻辑回归

批量梯度下降法的伪代码:

```
每个回归系数初始化为1
重复下面步骤直至收敛:
计算整个数据集的梯度
使用alpha*gradient更新回归系数的向量
返回回归系数
```

1.1 导入数据集

```
import pandas as pd
import numpy as np

dataSet = pd.read_table('testSet.txt',header = None)
dataSet.columns =['X1','X2','labels']
dataSet
```

1.2 定义辅助函数

Sigmoid函数

标准化函数

```
INTERPORT IN THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF
```

1.3 BGD算法python实现

```
.....
函数功能:使用BGD求解逻辑回归
参数说明:
   dataSet: DF数据集
   alpha: 步长
   maxCycles: 最大迭代次数
返回:
   weights: 各特征权重值
def BGD_LR(dataSet,alpha=0.001,maxCycles=500):
   xMat = np.mat(dataSet.iloc[:,:-1].values)
   yMat = np.mat(dataSet.iloc[:,-1].values).T
   xMat = regularize(xMat)
   m,n = xMat.shape
   weights = np.zeros((n,1))
   for i in range(maxCycles):
       grad = xMat.T*(xMat * weights-yMat)/m
       weights = weights -alpha*grad
    return weights
```

```
ws=BGD_LR(dataSet,alpha=0.01,maxCycles=500)
xMat = np.mat(dataSet.iloc[:, :-1].values)
yMat = np.mat(dataSet.iloc[:, -1].values).T
xMat = regularize(xMat)
(xMat * ws).A.flatten()
```

```
p = sigmoid(xMat * ws).A.flatten()
for i, j in enumerate(p):
    if j < 0.5:
        p[i] = 0
    else:
        p[i] = 1</pre>
```

```
train_error = (np.fabs(yMat.A.flatten() - p)).sum()
train_error_rate = train_error / yMat.shape[0]
train_error_rate
```

1.4 准确率计算函数

将上述过程封装为函数,方便后续调用。

```
函数功能: 计算准确率
参数说明:
    dataSet: DF数据集
   method: 计算权重函数
   alpha: 步长
   maxCycles: 最大迭代次数
返回:
    trainAcc: 模型预测准确率
def logisticAcc(dataSet, method, alpha=0.01, maxCycles=500):
   weights = method(dataSet,alpha=alpha,maxCycles=maxCycles)
    p = sigmoid(xMat * ws).A.flatten()
    for i, j in enumerate(p):
       if j < 0.5:
           p[i] = 0
       else:
           p[i] = 1
    train_error = (np.fabs(yMat.A.flatten() - p)).sum()
    trainAcc = 1 - train_error / yMat.shape[0]
    return trainAcc
```

测试函数运行效果

```
logisticAcc(dataSet, BGD_LR, alpha=0.01, maxCycles=500)
```

2. 使用SGD求解逻辑回归

随机梯度下降法的伪代码:

```
每个回归系数初始化为1
对数据集中每个样本:
计算该样本的梯度
使用alpha*gradient更新回归系数值
返回回归系数值
```

2.1 SGD算法python实现

```
四数功能:使用SGD求解逻辑回归
```

```
参数说明:
   dataSet: DF数据集
   alpha: 步长
   maxCycles: 最大迭代次数
返回:
   weights: 各特征权重值
.....
def SGD_LR(dataSet,alpha=0.001,maxCycles=500):
   dataSet = dataSet.sample(maxCycles, replace=True)
   dataSet.index = range(dataSet.shape[0])
   xMat = np.mat(dataSet.iloc[:, :-1].values)
   yMat = np.mat(dataSet.iloc[:, -1].values).T
   xMat = regularize(xMat)
   m, n = xMat.shape
   weights = np.zeros((n,1))
   for i in range(m):
       grad = xMat[i].T * (xMat[i] * weights - yMat[i])
       weights = weights - alpha * grad
    return weights
```

```
SGD_LR(dataSet,alpha=0.001,maxCycles=500)
```

计算准确率

```
logisticAcc(dataSet, SGD_LR, alpha=0.001, maxCycles=5000)
```

四、从疝气病症预测病马的死亡率

将使用Logistic回归来预测患疝气病的马的存活问题。原始数据集下载地址:

http://archive.ics.uci.edu/ml/datasets/Horse+Colic

这里的数据包含了368个样本和28个特征。这种病不一定源自马的肠胃问题,其他问题也可能引发马疝病。该数据集中包含了医院检测马疝病的一些指标,有的指标比较主观,有的指标难以测量,例如马的疼痛级别。另外需要说明的是,除了部分指标主观和难以测量外,该数据还存在一个问题,数据集中有30%的值是缺失的。下面将首先介绍如何处理数据集中的数据缺失问题,然后再利用Logistic回归和随机梯度上升算法来预测病马的生死。

1. 准备数据

数据中的缺失值是一个非常棘手的问题,很多文献都致力于解决这个问题。那么,数据缺失究竟带来了什么问题?假设有100个样本和20个特征,这些数据都是机器收集回来的。若机器上的某个传感器损坏导致一个特征无效时该怎么办?它们是否还可用?答案是肯定的。因为有时候数据相当昂贵,扔掉和重新获取都是不可取的,所以必须采用一些方法来解决这个问题。下面给出了一些可选的做法:

- 使用可用特征的均值来填补缺失值;
- 使用特殊值来填补缺失值,如-1;
- 忽略有缺失值的样本;
- 使用相似样本的均值添补缺失值;
- 使用另外的机器学习算法预测缺失值。

预处理数据做两件事:

- 如果测试集中一条数据的特征值已经确实,那么我们选择实数0来替换所有缺失值,因为本文使用Logistic回归。因此这样做不会影响回归系数的值。sigmoid(0)=0.5,即它对结果的预测不具有任何倾向性。
- 如果测试集中一条数据的类别标签已经缺失,那么我们将该类别数据丢弃,因为类别标签与特征不同,很难确定采用某个合适的值来替换。

原始的数据集经过处理,保存为两个文件: horseColicTest.txt和horseColicTraining.txt。

```
train = pd.read_table('horseColicTraining.txt', header=None)
train.head()
train.shape
train.info()

test = pd.read_table('horseColicTest.txt', header=None)
test.head()
test.shape
test.info()
```

2. logistic回归分类函数

得到训练集和测试集之后,我们可以利用前面的BGD_LR或者SGD_LR得到训练集的weights。

这里需要定义一个分类函数,根据sigmoid函数返回的值来确定y是0还是1

```
M数功能: 给定测试数据和权重, 返回标签类别

参数说明:

inX: 测试数据

weights: 特征权重
"""

def classify(inX,weights):

p = sigmoid(sum(inX * weights))

if p < 0.5:
    return 0

else:
    return 1
```

构建logistic模型:

```
M数功能: logistic分类模型
参数说明:
    train: 测试集
    test: 训练集
    alpha: 步长
    maxCycles: 最大迭代次数
返回:
    retest:预测好标签的测试集
"""

def get_acc(train,test,alpha=0.001, maxCycles=5000):
    weights = SGD_LR(train,alpha=alpha,maxCycles=maxCycles)
```

```
xMat = np.mat(test.iloc[:, :-1].values)
xMat = regularize(xMat)
result = []
for inX in xMat:
    label = classify(inX,weights)
    result.append(label)
retest=test.copy()
retest['predict']=result
acc = (retest.iloc[:,-1]==retest.iloc[:,-2]).mean()
print(f'模型准确率为: {acc}')
return retest
```

```
get_acc(train,test,alpha=0.001, maxCycles=5000)
```

其他

- 菊安酱的直播间: https://live.bilibili.com/14988341
- 下周一 (2018/12/3) 将讲解**支持向量机**,欢迎各位进入菊安酱的直播间观看直播
- 如有问题,可以给我留言哦~