계층적 군집 (1)

Hierarchical Clustering

계층적 군집분석은 데이터와 데이터 , 군집과 데이터 , 군집과 군집 간의 거리에 대한 유사도로 군집을 형성

동작하는 방식

두 점 사이를 가까운 것끼리 합침. 이 과정을 반복하여 전체가 하나의 클러스터에 속할 때까지 반복.

이 과정에 대한 시각화 결과물이 덴드로그램 형태로 나타남

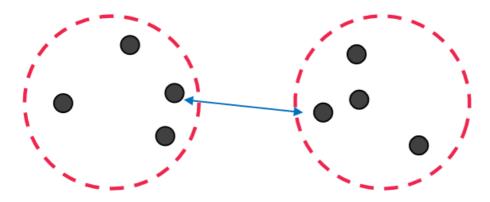
어떻게 두 점 사이의 거리를 결정할지에 대한 측정 방식이 필요함

유클리디안 거리 측정(직선거리), 맨하탄 거리 측정 방식(블록거리)

군집간의 거리를 구하는 방법

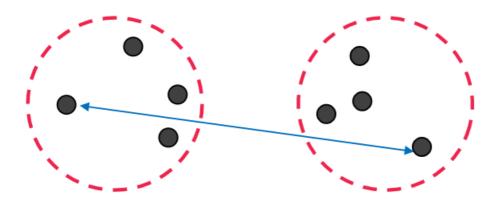
1. Min(Single Link)

군집과 군집의 거리를 구할 때 가장 최소거리인것을 유사도로 측정하는 방식



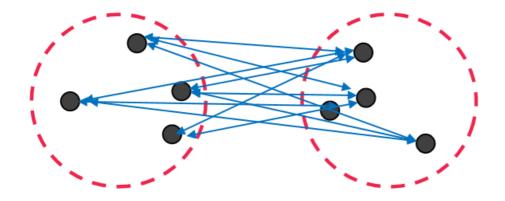
2. Max(Complete Link)

군집과 군집의 거리를 구할 때 가장 최대거리인것을 유사도로 측정하는 방식



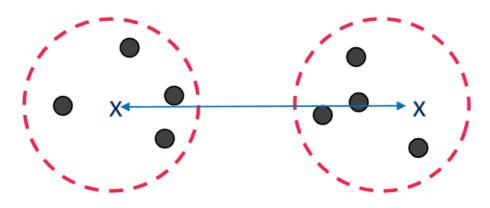
3. Average Link

군집과 군집의 거리를 구할 때 거리의 평균을 구해 유사도로 측정하는 방식



4. Centroids

군집과 군집의 거리를 구할 때 데이터의 중심점 거리를 유사도로 측정하는 방식

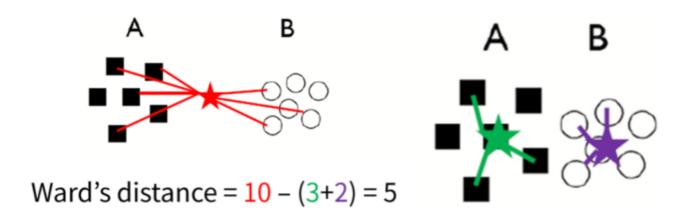


5. Ward's method

두개의 군집이 병합되었을 때 증가하는 변동성의 양으로 유사도를 측정하는 방식

변동성

두 군집의 중앙값과 두 군집에 있는 모든 데이터와의 거리의 합에서 군집간에 형성되는 거리를 뺀 값



세부 군집 알고리즘으로 Agglomerative Hierarchical Clustering, Divisive Hierarchical Clustering 이 있다.

#01. 패키지 참조

```
import seaborn as sb
import numpy as np
from matplotlib import pyplot as plt
from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage
```

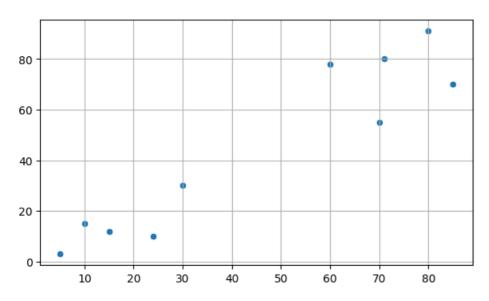
```
# sklearn은 AgglomerativeClustering() 함수를 제공한다.
from sklearn.cluster import AgglomerativeClustering
```

#02. 샘플 데이터를 통한 군집 실험

1. 실습 데이터 준비

```
x = np.array([[5,3],
        [10,15],
        [15,12],
        [24,10],
        [30,30],
        [85,70],
        [71,80],
        [60,78],
        [70,55],
        [80,91],])
```

```
plt.figure(figsize=(7, 4))
sb.scatterplot(x=x[:,0], y=x[:,1])
plt.grid()
plt.show()
plt.close()
```



2. 계층 군집 수행

method 파라미터

군집간의 거리를 구하는 방법

```
single, complete, average, weighted, centroid 중 선택
```

https://docs.scipy.org/doc/scipy/reference/generated/scipy.cluster.hierarchy.linkage.html

metric 파라미터

scipy.spatial.distance.pdist 클래스의 인스턴스

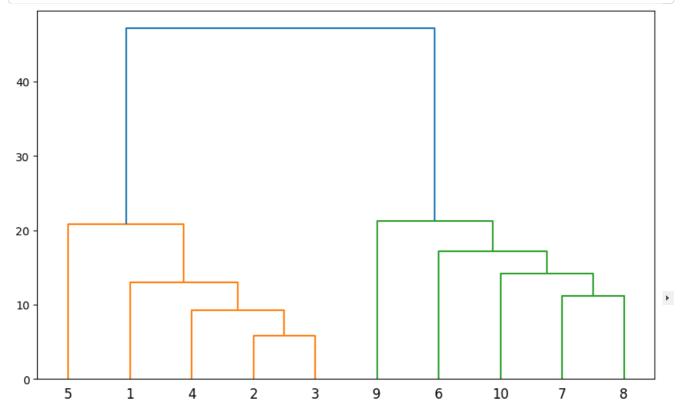
- euclidean : 점 사이의 직선거리 측정
- cityblock : 점 사이의 맨하탄 거리 측정(블록)
- seuclidean : 표준화 된 유클리디안
- sqeuclidean : 제곱된 유클리디안
- cosine : 코사인 거리 계산
- 콜백함수 지정 가능함

https://docs.scipy.org/doc/scipy/reference/generated/scipy.spatial.distance.pdist.html#scipy-spatial-distance-pdist

```
lnk = linkage(x, method='single', metric='euclidean')
lnk
```

```
, 2.
                           , 5.83095189, 2.
array([[ 1.
                                                   ],
                           , 9.21954446, 3.
      [ 3.
                , 10.
                                                   ],
                           , 11.18033989, 2.
                , 7.
      [ 6.
                                                  ],
      Γ0.
               , 11.
                           , 13.
                                  , 4.
                                                  ],
               , 12.
                           , 14.2126704 , 3.
      [ 9.
                                                  ],
                        , 17.20403632,
, 20.88061302, 5.
, 21.21320344, 5.
                           , 17.20465053, 4.
      [ 5.
               , 14.
                                                  ],
      [ 4.
               , 13.
                                                  ],
      [ 8.
               , 15.
                                                  ],
                                                  ]])
      [16.
                , 17.
```

군집 결과 시각화



#03. 병합군집 (sklearn)

1. 학습 모델 구현

```
ac = AgglomerativeClustering(
# 찾아야 할 클러스터 수
n_clusters=2,
# 클러스터 간 거리를 측정하는 방법(euclidean, cityblock, manhattan, cosine)
# `affinit`파라미터는 sklearn 1.4.0 버전부터 사용 불가.
metric='euclidean',
# 'ward'(기본값), 'complete', 'average', 'single'
linkage='single',
# 노드간의 거리 계산값을 저장할지 여부 (시각화를 위해서는 필수 적용)
compute_distances=True)
clustering = ac.fit(x)
clustering
```

```
AgglomerativeClustering

AgglomerativeClustering(compute_distances=True, linkage='single', metric='euclidean')
```

2. 군집 결과 확인

```
labels = clustering.labels_
labels
```

```
array([1, 1, 1, 1, 0, 0, 0, 0], dtype=int64)
```

3. 노드간의 거리 확인

학습 모델 객체 생성 단계에서 반드시 compute_distances=True 가 설정되어야만 한다.

```
clustering.distances_
```

```
array([ 5.83095189, 9.21954446, 11.18033989, 13. , 14.2126704 , 17.20465053, 20.88061302, 21.21320344, 47.16990566])
```

4. 군집 결과 시각화

```
counts = np.zeros(clustering.children_.shape[0])
n_samples = len(clustering.labels_)

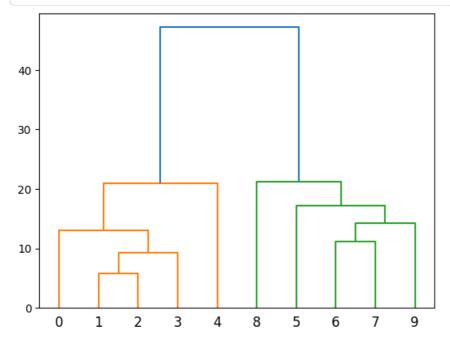
for i, merge in enumerate(clustering.children_):
    current_count = 0
    for child_idx in merge:
        if child_idx < n_samples:
            current_count += 1 # leaf node
        else:
            current_count += counts[child_idx - n_samples]
        counts[i] = current_count

linkage_matrix = np.column_stack(
        [clustering.children_, clustering.distances_, counts]
).astype(float)

# Plot the corresponding dendrogram
dendrogram(linkage_matrix)</pre>
```

```
{'icoord': [[15.0, 15.0, 25.0, 25.0],
        [20.0, 20.0, 35.0, 35.0],
        [5.0, 5.0, 27.5, 27.5],
        [16.25, 16.25, 45.0, 45.0],
        [75.0, 75.0, 85.0, 85.0],
        [80.0, 80.0, 95.0, 95.0],
        [65.0, 65.0, 87.5, 87.5],
        [55.0, 55.0, 76.25, 76.25],
        [30.625, 30.625, 65.625, 65.625]],
        'dcoord': [[0.0, 5.830951894845301, 5.830951894845301, 0.0],
        [5.830951894845301, 9.219544457292887, 9.219544457292887, 0.0],
        [0.0, 13.0, 13.0, 9.219544457292887],
        [13.0, 20.8806130178211, 20.8806130178211, 0.0],
        [0.0, 11.180339887498949, 14.212670403551895, 14.212670403551895, 0.0],
```

```
[0.0, 17.204650534085253, 17.204650534085253, 14.212670403551895],
[0.0, 21.213203435596427, 21.213203435596427, 17.204650534085253],
[20.8806130178211,
 47.16990566028302,
 47.16990566028302,
 21.213203435596427]],
'ivl': ['0', '1', '2', '3', '4', '8', '5', '6', '7', '9'],
'leaves': [0, 1, 2, 3, 4, 8, 5, 6, 7, 9],
'color_list': ['C1', 'C1', 'C1', 'C2', 'C2', 'C2', 'C2', 'C0'],
'leaves_color_list': ['C1',
'C1',
'C1',
'C1',
'C1',
'C2',
'C2',
'C2',
'C2',
'C2']}
```



```
def get_dendrogram_data(clustering):
    counts = np.zeros(clustering.children_.shape[0])
    n_samples = len(clustering.labels_)

for i, merge in enumerate(clustering.children_):
    current_count = 0
    for child_idx in merge:
        if child_idx < n_samples:
            current_count += 1 # leaf node
        else:
            current_count += counts[child_idx - n_samples]
        counts[i] = current_count

linkage_matrix = np.column_stack(
        [clustering.children_, clustering.distances_, counts]
).astype(float)</pre>
```

```
# 시각화에 필요한 배열 리턴 return linkage_matrix
```

data = get_dendrogram_data(clustering) dendrogram(data)

```
{'icoord': [[15.0, 15.0, 25.0, 25.0],
 [20.0, 20.0, 35.0, 35.0],
  [5.0, 5.0, 27.5, 27.5],
 [16.25, 16.25, 45.0, 45.0],
 [75.0, 75.0, 85.0, 85.0],
 [80.0, 80.0, 95.0, 95.0],
 [65.0, 65.0, 87.5, 87.5],
 [55.0, 55.0, 76.25, 76.25],
 [30.625, 30.625, 65.625, 65.625]],
 'dcoord': [[0.0, 5.830951894845301, 5.830951894845301, 0.0],
 [5.830951894845301, 9.219544457292887, 9.219544457292887, 0.0],
  [0.0, 13.0, 13.0, 9.219544457292887],
 [13.0, 20.8806130178211, 20.8806130178211, 0.0],
  [0.0, 11.180339887498949, 11.180339887498949, 0.0],
  [11.180339887498949, 14.212670403551895, 14.212670403551895, 0.0],
  [0.0, 17.204650534085253, 17.204650534085253, 14.212670403551895],
  [0.0, 21.213203435596427, 21.213203435596427, 17.204650534085253],
  [20.8806130178211,
  47.16990566028302,
  47.16990566028302,
  21.213203435596427]],
 'ivl': ['0', '1', '2', '3', '4', '8', '5', '6', '7', '9'],
 'leaves': [0, 1, 2, 3, 4, 8, 5, 6, 7, 9],
 'color_list': ['C1', 'C1', 'C1', 'C2', 'C2', 'C2', 'C2', 'C0'],
 'leaves_color_list': ['C1',
 'C1',
  'C1',
  'C1',
  'C1',
  'C2',
  'C2',
  'C2',
  'C2',
  'C2']}
```

