Bertil Wegmann Avdelning statistik och maskininlärning (STIMA) IDA Linköpings universitet bertil.wegmann@liu.se 2019-10-31

Inlämningsuppgift - Bayesiansk statistik, 7.5 hp

Moment 1 - introduktion till Bayesiansk statistik

Inlämningsuppgiften skall lösas <u>individuellt</u>. Valfritt program får användas för att lösa uppgifterna nedan, men mina instruktioner och ledtrådar gäller för programmeringsspråket R. Bifoga all kod tillsammans med lösningen för varje deluppgift. Labbrapport med lösningar på nedanstående uppgifter samt relevanta datorutskrifter lämnas in på Lisam senast måndagen den 11:e november kl. 23:59.

- 1. (9 poäng) I denna uppgift ska du använda data från följande sida med samtliga svenska väljar-barometrar: http://novus.se/valjaropinionen/samtliga-svenska-valjarbarometrar/. Klicka på länken SVENSKA VÄLJARBAROMETRAR och välj ett av partierna från september 2019 i Exceldokumentet.
 - (a) Redovisa vilket parti du valt. Tag fram din konjugerade prior för andelen väljare i september 2019 för det parti du valt ut. Känn dig fri att skapa din konjugerade prior utifrån ditt eget tycke, men du ska använda information från tidigare undersökningar på något valfritt sätt. Plotta fördelningen för din konjugerade prior.
 - (b) Använd data för Demoskops väljarundersökning i september 2019 och uppdatera din prior till posterior genom att dra 10000 värden direkt från den kända (exakta) posteriorfördelningen. Plotta både din prior och posterior i samma figur och kommentera skillnader mellan priorn och posteriorn.
 - (c) Använd data för *Demoskops* väljarundersökning i september 2019 och simulera fram 10000 värden från posteriorfördelningen med hjälp av 1) gridapproximation och 2) kvadratisk approximation. Plotta posteriorfördelningarna från respektive approximation för denna deluppgift och posteriorfördelningen i uppgift b). Verkar fördelningarna lika? Vad kan det bero på?
 - (d) Gör känslighetsanalys i **din konjugerade prior** genom att presentera följande figurer och kommentera vad skillnaderna/likheterna i posteriorn kan bero på (använd koden Manipulate Beta-Bernoulli Posterior.R för att skapa figurerna):
 - i. figur med **din konjugerade prior**, normaliserade likelihooden och posteriorn.
 - ii. figur med en **uniform prior**, normaliserade likelihooden och posteriorn.
 - iii. figur med en **betydligt mer informativ prior** än **din konjugerade prior**, normaliserade likelihooden och posteriorn.
 - (e) Beräkna posteriorfördelningens medelvärde och standardavvikelse med hjälp av gridapproximationen i uppgift (c).
 - (f) Redovisa ett 90.9 % kredibilitetsintervall för andelen väljare av det parti du valt genom att använda 10000 dragna värden direkt från den kända (exakta) posteriorfördelningen i uppgift (b). Tolka kredibilitetsintervallet i ord och ange hur många gånger mer sannolikt det är med värden på intervallet än värden utanför intervallet.
 - (g) Beräkna fram och redovisa posteriorfördelningen för $oddset = \frac{p}{1-p}$, där p är andelen väljare av det parti du valt. Den kvadratiska approximationen av posteriorn i uppgift (c) ska användas. Kommentera vad posteriorfördelningen för oddset visar.

- 2. (4 poäng) Använd datamaterialet om vikter för kycklingar efter 6 veckors föda, se Kod_Moment1.R
 - (a) Simulera fram 10000 värden från följande posterior för en genomsnittsvikt μ med hjälp av kvadratisk approximation:
 - i. använd viktdata för kycklingar som fått födan "soybean" och antag att vikterna följer en normalfördelning med känd standardavvikelse som standardavvikelsen av vikterna.
 - ii. använd en normalfördelad prior för medelvikten, där medelvärdet och standardavvikelsen i priorn är lika med medelvärdet och standardavvikelsen för vikterna på kycklingarna som inte fått varken födan "soybean" eller "meatmeal".
 - (b) Simulera på samma sätt som i uppgift (a) fram 10000 värden från posteriorn för en genomsnittsvikt μ , **men** använd här i stället viktdata för kycklingar som fått födan "meatmeal". Plotta posteriorfördelningen för μ och jämför med posteriorfördelningen för μ i (a) i samma figur och kommentera skillnaderna. Verkar det som att genomsnittsvikterna för de olika födorna skiljer sig åt?
 - (c) Med hjälp av dom simulerade posteriorvärdena i uppgift (a) och (b), ta fram posteriorfördelningen för skillnaden mellan genomsnittsvikterna för födorna "meatmeal" och "soybean", $\mu_{meatmeal} \mu_{soybean}$. Beräkna posteriorsannolikheten att $\mu_{meatmeal} \mu_{soybean} > 0 \iff \mu_{meatmeal} > \mu_{soybean}$ och tolka resultatet i ord.