# Параллельная реализация метода поиска закономерностей в последовательностях событий

Вишневский В.В.

12 мая 2011 г.

#### Задача исследования поведения

В поведении существуют закономерности. Повседневные церемонии: ритуалы приветствия, рабочие процессы, груминг у животных, состоят из поведенческих паттернов.

Пример. Принятие пищи: «подойти к столу», «отодвинуть стул», «сесть», «съесть главное блюдо», «съесть десерт», «выпить чай», «отодвинуть стул», «встать», «отойти от стола».

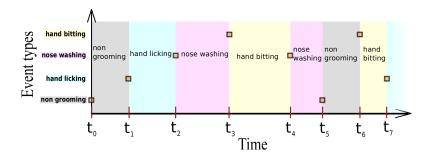
- События связанны временными интервалами.
- Есть иерархия.

#### Мотивация

Выделив такие поведенческие паттерны, становится возможно:

- делать выводы о сложности поведения,
- определять изменения в поведении наблюдаемых животных,
- измерять поведение анализировать влияние различных факторов на поведение.

#### Входные данные



#### Недостатки существующих методов

- Стандартные методы поиска закономерностей не предназначены для поиска поведенческих паттернов (важна иерархия, упорядоченность, временные интервалы).
- Широко используемый метод поиска Т-Паттернов **очень** чувствителен к шуму. Закрытые исходные коды.

#### Подход к поиску паттернов

Паттерн — это часто встречающаяся последовательность событий (поведенческих актов), возникающих один за другим через определенные промежутки времени.

Инициализируем множество паттернов поведенческими актами. Потом итеративно повторяем:

- **Конструирование:**Для всех пар паттернов проверить, повторяется ли один за другим достаточно часто. Если да, то получаем новый паттерн.
- **Редукция:** Удалить одинаковые паттерны, которые были сконструированы по-разному.

#### Plan

- Исследование поведения Р-Паттерны
- 2 Параллельная реализация
- 3 Эксперимент на реальных данных
- 4 Заключение

### Вероятностная модель Р-Паттерна

• Функция потерь:

$$f_{Loss}(x, N) = \begin{cases} \exp(-\frac{\lambda x}{N}), & x < N, \\ 0, & x = N. \end{cases}$$

• Правдоподобие паттерна:

$$L_{P}(\varepsilon) = f_{LOSS}(N_{-}, N_{P}) \prod_{i=1}^{N_{P}} \left( \frac{1}{\sqrt{2\pi} \sigma_{i}} \right) \prod_{i \in \mathcal{N}} \exp \left( -\frac{\delta_{i}^{2}}{2\sigma_{i}^{2}} \right)$$

### Правдоподобие

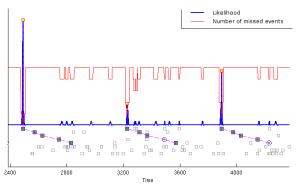


Рис.: Пример функции правдоподобия паттерна. Желтыми маркерами с красной границей изображены максимумы функции правдоподобия: моменты времени, когда мы считаем, что паттерн имеет место. В нижней части рисунка закрашенными квадратами показаны присутствующие события, полыми кружками — пропущенные события в паттерне. Полые серые квадраты соответствуют наблюдаемым поведенческим актам.

## Параметры предложенного метода

| Пар-     | Возможные     | defaults | На что влияет              |
|----------|---------------|----------|----------------------------|
| р        | значения      |          |                            |
| $\alpha$ | [0,1]         | 0.001    | Уровень значимости пат-    |
|          |               |          | терна                      |
| Nmin     | $[0,+\infty]$ | 3        | Минимальное количество     |
|          |               |          | появлений паттерна в дан-  |
|          |               |          | ных                        |
| λ        | $[0,+\infty]$ | 8        | Допустимая степень нечет-  |
|          |               |          | кости паттерна             |
| $\nu$    | [0, 1]        | 0.6      | Минимальная степень по-    |
|          |               |          | хожести паттернов для уда- |
|          |               |          | ления                      |
| $\gamma$ | [0, 1]        | 0.4      | Чувствительность к откло-  |
|          |               |          | нению от ожидаемого прав-  |
|          |               |          | доподобия                  |

#### Т-Паттерны и Р-Паттерны

- Т-Паттерны распараллеливаем на SMP с помощью OpenMP. Тестирование на 4-х ядерном CPU.
- Р-Паттерны распараллеливаем на GPU с помощью CUDA.
  Тестирование на GF 8800GTX, 128 потоковых процессора.

## Ускорение OpenMP

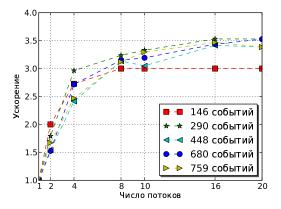


Рис.: Ускорение алгоритма поиска Т-Паттернов на 4-х ядерном процессоре.

### Ускорение алгоритма поиска Р-Паттернов. CUDA

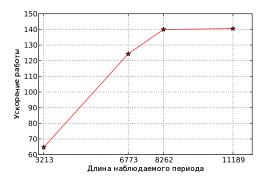


Рис.: Ускорение стадии подсчета правдоподобия паттернов в зависимости от размера входных данных.

### Ускорение алгоритма поиска Р-Паттернов. CUDA

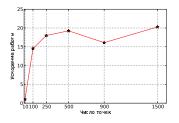


Рис.: Ускорение стадии конструирования паттернов в зависимости от размера входных данных.

Ускорение метода в целом  $\sim$  40 раз.

Типичные экспериментальные данные: 12 секунд на GPU, 470 секунд на CPU(1 поток).

Утилизация GPU  $\sim$  230 GFLOPS (Заявленная производительность 518 GFLOPS)

#### **∟**Эксперимент на реальных данных

## Эксперимент с грызунами без гиппокампа

- Гиппокамп отдел головного мозга. Его функции связывают с механизмами работы памяти, обучением, пространственной навигацией.
- Две группы: контрольная (12 особей) и грызуны без гиппокампа (12 особей).
- Определить по поведению к какой группе относится особь.
- Как меняется поведение после воздействия на определенный участок мозга?



#### Результаты экспериментов

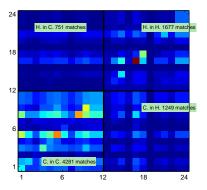


Рис.: Таблица соответствий паттернов. Неформально: по вертикали *откуда* берутся паттерны, по горизонтали — *где* ищутся вхождения этих паттернов; например, в ячейке (3,10) записано число соответствий паттернов третей особи в поведении десятой.

#### Результаты экспериментов

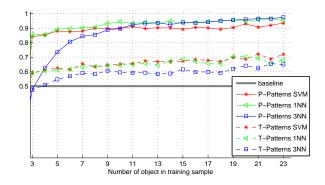


Рис.: Средняя доля правильных ответов классификации методами SVM и kNN с разными способами поиска паттернов, в зависимости от размера обучающей выборки. Средняя доля правильных классификации: P-Паттерны — 92%, T-Паттерны —68%.

#### Выводы

- Предложенный метод расширяет существующий подход к поиску паттернов.
- Находятся более длинные паттерны, в бо́льших количествах.
- Устойчивость к шуму.
- Достигнуто ускорение параллельной версии на GPU в 40 раз.
- ullet Качество классификации на экспериментальных данных  $\sim 92\%$ .
- Предложенный метод применим не только для анализа поведения животных(структура ДНК, спайковая активность нейронов, рынки, новостные тренды).
- Сложности на очень маленьких объемах данных.
- Долгое время работы на очень больших объемах данных.

#### Выносится на защиту:

- Разработан новый метод поиска поведенческих закономерностей закономерностей.
- Создана свободная, документированная, параллельная (ускорение порядка 40 раз) реализация метода.
- На реальных данных получен биологический результат:
  классификация мышей по поведению (качество классификации порядка 92%).