

Coursework Two Results: Jamal Khan - jzk09

The dependency matrix for HepatitisC data set:

1.530	0.045	0.026	0.048	0.034	0.024	0.039	0.086	0.016
0.045	2.372	0.009	0.060	0.069	0.030	0.071	0.083	0.003
0.026	0.009	0.992	0.012	0.007	0.002	0.007	0.005	0.001
0.048	0.060	0.012	1.697	0.539	0.275	0.032	0.032	0.006
0.034	0.069	0.007	0.539	2.411	0.606	0.041	0.051	0.008
0.024	0.030	0.002	0.275	0.606	1.832	0.025	0.041	0.016
0.039	0.071	0.007	0.032	0.041	0.025	2.629	0.063	0.004
0.086	0.083	0.005	0.032	0.051	0.041	0.063	1.489	0.032
0.016	0.003	0.001	0.006	0.008	0.016	0.004	0.032	0.754

The dependency list for HepatitisC data set:

0.606	4.000	5.000
0.539	3.000	4.000
0.275	3.000	5.000
0.086	0.000	7.000
0.083	1.000	7.000
0.071	1.000	6.000
0.069	1.000	4.000
0.063	6.000	7.000
0.060	1.000	3.000
0.051	4.000	7.000
0.048	0.000	3.000
0.045	0.000	1.000
0.041	5.000	7.000
0.041	4.000	6.000
0.039	0.000	6.000
0.034	0.000	4.000
0.032	3.000	7.000
0.032	7.000	8.000
0.032	3.000	6.000
0.030	1.000	5.000
0.026	0.000	2.000
0.025	5.000	6.000
0.024	0.000	5.000
0.016	5.000	8.000
0.016	0.000	8.000
0.012	2.000	3.000
0.009	1.000	2.000
0.008	4.000	8.000
0.007	2.000	4.000
0.007	2.000	6.000
0.006	3.000	8.000
0.005	2.000	7.000
0.004	6.000	8.000
0.003	1.000	8.000
0.002	2.000	5.000
0.001	2.000	8.000

The nodes for the spanning tree are:

0.606	4.000	5.000
0.539	3.000	4.000
0.086	0.000	7.000
0.083	1.000	7.000
0.071	1.000	6.000
0.069	1.000	4.000
0.032	7.000	8.000
0.026	0.000	2.000

For the graph I used the Graphviz library. You need to uncomment the import at the top of the python file and the lines relating to graph rendering in the coursework2() function to generate it.

