

MAD-CB

Figure 1:

Preparar Dados - Tidyverse

Preparar Dados para a Análise

- Coletar os dados numa forma organizada do início
- Quais tipos de variáveis você quer
- Quais tipos de números eles são?
 - ▶ Categórico/Numérico?
- Fonte de dados?
 - ▶ Sondagens de opinião
 - ▶ Bases de dados existentes
 - ▶ Dados pessoais
 - ▶ Máquina (Sequenciador, PCR, etc.)

Onde Gravar os Dados

- Mais fácil: Excel ou equivalente
- Software de base de dados (SQL, outro)

Formato para Gravar os Dados

- Formato “wide”
 - ▶ Cada linha é uma observação completa
 - ▶ Variáveis ficam nas colunas
 - ▶ De preferência, 1ª coluna é um identificador único
 - ▶ Um ID que liga o fonte de observações através de um serie de tabelas
 - ▶ Ex: RENAGENO: Patient ID
- Formato “wide” facilita transferência dos dados da planilha a um software de análise

Typical Wide Format

The diagram shows a table with columns A through I. Callouts point to specific features: 'NO accents' points to 'Sao Paulo'; 'Single variable name row' points to the header row; 'Unique ID (preferably consecutive)' points to the 'Unique ID' column; 'Coding (simple, consistent)' points to the 'Gender' column; 'Non-zero code for "undetectable"' points to the 'ViralLoad' column; and 'All cells have a value' points to the 'CD8' column.

	A	B	C	D	E	F	G	H	I
1	Unique ID	DoB	BirthCity	BirthUF	Gender	ViralLoad	CD4	CD8	TestDate
2	AB2387	26/03/1976	Sao Paulo	SP	M	10650	370	NA	15/01/2016
3	AB2388	23/05/1946	Osasco	SP	F	1	540	320	17/01/2016
4									
5									

NO accents

Single variable
name row

Unique ID
(preferably
consecutive)

Coding
(simple,
consistent)

Non-zero code for
"undetectable"

All cells have a
value

Figure 2:

- Toda linha — **observação**
- Toda coluna — **variável**

Um Exemplo Não Tão Bom

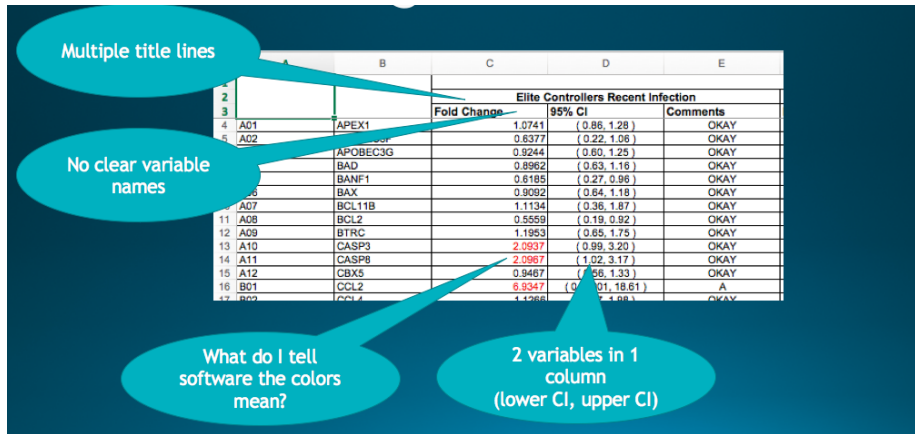


Figure 3:

E Essa Planilha

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J
1										
2	ID Paciente	TCD4+ célis/mm ³	TCD8+ célis/mm ³	Carga Viral cópias/mL - log10	TCD4+ célis/mm ³	TCD8+ célis/mm ³	Carga Viral cópias/mL - log10	TCD4+ célis/mm ³	TCD8+ célis/mm ³	Carga Viral cópias/mL - log10
3		Inicial	Inicial	Inicial	6 Meses	6 Meses	6 Meses	12 Meses	12 Meses	12 Meses
4										
5	HSP1	146	1181	4.6	462	1119	<lim min	668	1308	Nao detectado
6	HSP2	446	780	4.7	1423	1327	1.6	1501	1004	<lim min
7	HSP3	125	1449	5	311	1739	5.2	307	2008	4,8
8	HSP4	25	526	5.3	X	X	X	X	X	X
9	HSP5	140	469	5.3	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A	N/A
10	HSP6	48	121	5.5	X	X	X	X	X	X
11	HSP7	29	284	5.5	248	604	2.5	390	707	Nao detectado
12	HSP8	269	597	5.5	252	491	2.2	288	625	2.2

No clear variable names

What's the difference between 'X' and 'NA'

Interpretation of these 2 codes????

Figure 4:

- Objetivo – preparar os dados para análise
 - ▶ Não publicação ou divulgação
 - ▶ Ênfase – fazer os dados compreensíveis para o software analítico
- Planilha com Dados Precisa
 - ▶ Dicionário dos Dados
 - ▶ Listagem de todas as variáveis, significação, e códigos usados
 - ▶ Você não vai lembrar os códigos depois de um ano sem um “cheat sheet”
- **SEJA PRECISO; NÃO CHUTE!**
 - ▶ A vida e saúde das pessoas podem depender em seus resultados
 - ▶ Arredondar números nesta fase não permitido
- “NA” é o código certo para “Não tenho este número”
 - ▶ Não 0 (zero) – Zero é um número que quer dizer algo específico

Exemplo de Uma Planilha Razoável

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L
1	codepac	idade	sexo	cidnasc	ufnasc	raca	escol	gestante	amostraid	copias_cv	contagem_cd4	contagem_cd8
2	96710	60	Masculino	Torres	RS	NA	NA	Nao	05RS090077	5200	898	1311
3	93778	73	Masculino	Vargem Grande do Sul	SP	Branca	De 8 a 11 anos	Nao	11SP073735	1947	958	817
4	91200	51	Feminino	Rinopolis	SP	Parda	De 4 a 7 anos	Nao	11SP073769	480000	958	817
5	91228	50	Masculino	Porto Feliz	SP	Branca	De 8 a 11 anos	NA	13SP070671	257313	142	1009
6	96186	44	Feminino	Ico	CE	Parda	De 4 a 7 anos	Nao	11SP073423	2585	524	586
7	93513	63	Masculino	Barreirinhas	MA	NA	NA	Nao	04DF080006	84	256	651
8	94147	25	Masculino	Lins	SP	Parda	De 4 a 7 anos	Nao	19SP090306	1286	353	393
9	99352	61	Feminino	Santana do Livramento	RS	NA	NA	Nao	21PR080198	13000	928	1740

Figure 5:

Dicionário dos Dados

	A	B	C	D	E	F
1	Nome	Tipo	Descreve			
2	codepac	Integer/Cat	ID de paciente			
3	idade	Integer	Idade em anos			
4	sexo	Cat	Genero (Masculino ou Feminino)			
5	cidnasc	Cat	Cidade de Nascimento			
6	ufnasc	Cat	Estado de Nascimento			
7	raca	Cat	Cor de pele			
8	escol	Cat	Número de anos de escolaridade			
9	gestante	Lógico	Se gestante ou não			
10	amostraid	Cat	Identificador de amostra de genotipagem			
11	copias_cv	Numérico	Número de cópias do vírus			
12	contagem_cd4	Numérico	Número de células T com CD4+/ml			
13	contagem_cd8	Numérico	Número de células T com CD8+/ml			
14						

Nossos Dados “Tidy”?

- Variáveis em colunas; Observações (pacientes) em linhas (OK)
- Podemos trabalhar com esses dados

Organização de Dados - “Tidy Data”

“Tidy Data” = Dados Organizados

- Dados seguem um formato consistente
- Um mapeamento da significação do conjunto à estrutura dele
- Facilitar a localização dos elementos do conjunto
- Facilitar o cálculo de estatísticas e construção dos gráficos
- Facilitar a percepção das relações entre variáveis

Definição de 'Tidy Data' de Hadley Wickham

*A dataset is a collection of values, usually either **numbers** (if quantitative) or **strings** (if qualitative). Values are organised in two ways. **Every value belongs to a variable and an observation.** A variable contains all values that measure the same underlying attribute (like height, temperature, duration) across units. An observation contains all values measured on the same unit (like a person, or a day, or a race) across attributes.*

Wickham, Hadley. 2014. "Tidy Data." Journal of Statistical Software Volume 59 (Issue 10). <https://www.jstatsoft.org/index.php/jss/article/view/v059i10/v59i10.pdf>.

3 Características de Tidy Data

- 1 Cada variável fica numa coluna
- 2 Cada observação fica numa linha
- 3 Cada tipo de unidade observacional compõe uma tabela.

country	year	cases	population
Afghanistan	1999	181	197071
Afghanistan	2000	266	2035360
Brazil	1999	3737	17206362
Brazil	2000	8488	17404898
China	1999	21258	127205272
China	2000	21366	128093583

variables

country	year	cases	population
Afghanistan	1999	181	197071
Afghanistan	2000	266	2035360
Brazil	1999	3737	17206362
Brazil	2000	8488	17404898
China	1999	21258	127205272
China	2000	21366	128093583

observations

country	year	cases	population
Afghanistan	1999	181	197071
Afghanistan	2000	266	2035360
Brazil	1999	3737	17206362
Brazil	2000	8488	17404898
China	1999	21258	127205272
China	2000	21366	128093583

values

Por Esta Definição, Nossos Dados Tidy?

- Eles combinam vários tipos de dados no mesmo conjunto

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K	L
1	codepac	idade	sexo	cidnasc	ufnasc	raca	escol	gestante	amostraid	copias_cv	contagem_cd4	contagem_cd8
2	96710	60	Masculino	Torres	RS	NA	NA	Nao	05RS090077	5200	898	1311
3	93778	73	Masculino	Vargem Grande do Sul	SP	Branca	De 8 a 11 anc	Nao	11SP073735	1947	958	817
4	91200	51	Feminino	Rinopolis	SP	Parda	De 4 a 7 anos	Nao	11SP073769	480000	958	817
5	91228	50	Masculino	Porto Feliz	SP	Branca	De 8 a 11 anc	NA	13SP070671	257313	142	1009
6	96186	44	Feminino	Ico	CE	Parda	De 4 a 7 anos	Nao	11SP073423	2585	524	586
7	93513	63	Masculino	Barreirinhas	MA	NA	NA	Nao	04DF080006	84	256	651
8	94147	25	Masculino	Lins	SP	Parda	De 4 a 7 anos	Nao	19SP090306	1286	353	393
9	99352	61	Feminino	Santana do Livramento	RS	NA	NA	Nao	21PR080198	13000	928	1740

- Algumas variáveis são informações demográficas dos pacientes
 - ▶ idade, sexo, cidnasc
- Outras contam resultados quantitativos dos testes
 - ▶ copias_cv, contagem_cd4, contagem_cd8
- O que unificam os 2 tipos é o codepac – o ID do paciente

Podemos fazer o trabalho de separar esses tipos de dados em R

Passo 1 – Chamar os Pacotes Que Usaremos

```
suppressMessages(library(tidyverse))  
library(DescTools)  
options(scipen = 1000)
```

Passo 2 – Carregar os Dados e Olhar Neles

```
dados <- read_csv("pac_demo.csv")
```

```
## Parsed with column specification:
## cols(
##   codepac = col_integer(),
##   idade = col_integer(),
##   sexo = col_character(),
##   cidnasc = col_character(),
##   ufnasc = col_character(),
##   raca = col_character(),
##   escol = col_character(),
##   gestante = col_character(),
##   amostraid = col_character(),
##   copias_cv = col_integer(),
##   contagem_cd4 = col_integer(),
##   contagem_cd8 = col_integer()
## )
```

```
tibble::glimpse(dados)
```

```
## Observations: 50
```

```
## Variables: 12
```

```
## $ codepac      <int> 96710, 93778, 91200, 91228, 96186, 93513, 94147, ..
```

```
## $ idade        <int> 60, 73, 51, 50, 44, 63, 25, 61, 49, 41, 44, 81, 2..
```

```
## $ sexo         <chr> "Masculino", "Masculino", "Feminino", "Masculino"..
```

```
## $ cidnasc      <chr> "Torres", "Vargem Grande do Sul", "Rinopolis", "P..
```

```
## $ ufnasc       <chr> "RS", "SP", "SP", "SP", "CE", "MA", "SP", "RS", "..."
```

```
## $ raca         <chr> NA, "Branca", "Parda", "Branca", "Parda", NA, "Pa..
```

```
## $ escol        <chr> NA, "De 8 a 11 anos", "De 4 a 7 anos", "De 8 a 11..
```

```
## $ gestante     <chr> "Nao", "Nao", "Nao", NA, "Nao", "Nao", "Nao", "Na..
```

```
## $ amostraid    <chr> "05RS090077", "11SP073735", "11SP073769", "13SP07..
```

```
## $ copias_cv    <int> 5200, 1947, 480000, 257313, 2585, 84, 1286, 13000..
```

```
## $ contagem_cd4 <int> 898, 958, 958, 142, 524, 256, 353, 928, 66, 66, 3..
```

```
## $ contagem_cd8 <int> 1311, 817, 817, 1009, 586, 651, 393, 1740, 801, 8..
```

Passo 3 – Fazer o Conjunto Realmente “Tidy” por Subsets

- Subsetting por `dplyr::select`
 - ▶ Criar um subset só com os dados demográficos – `demog`
 - ▶ Criar um outro subset só com os dados de testes – `testes`
 - ▶ O conjunto mestre fica o mesmo.
 - ▶ Sempre temos isso para referência e criação de novos subsets

Extract Variables

Column functions return a set of columns as a new table. Use a variant that ends in `_` for non-standard evaluation friendly code.



`select(.data, ...)`

Extract columns by name. Also **`select_if()`**
`select(iris, Sepal.Length, Species)`

Use these helpers with **`select()`**,
e.g. *`select(iris, starts_with("Sepal"))`*

`contains(match)`

`ends_with(match)`

`matches(match)`

`num_range(prefix, range)`

`one_of(...)`

`starts_with(match)`

`:`, e.g. `mpg:cyl`

`-`, e.g. `-Species`

```
demog <- dados %>% select(codepac:amostraid)
testes <- dados %>% select(c(codepac, copias_cv:contagem_cd8))
```

```
glimpse(demog)
```

```
## Observations: 50
## Variables: 9
## $ codepac    <int> 96710, 93778, 91200, 91228, 96186, 93513, 94147, 993..
## $ idade      <int> 60, 73, 51, 50, 44, 63, 25, 61, 49, 41, 44, 81, 25, ..
## $ sexo       <chr> "Masculino", "Masculino", "Feminino", "Masculino", "..
## $ cidnasc    <chr> "Torres", "Vargem Grande do Sul", "Rinopolis", "Port..
## $ ufnasc     <chr> "RS", "SP", "SP", "SP", "CE", "MA", "SP", "RS", "RS"..
## $ raca       <chr> NA, "Branca", "Parda", "Branca", "Parda", NA, "Parda..
## $ escol      <chr> NA, "De 8 a 11 anos", "De 4 a 7 anos", "De 8 a 11 an..
## $ gestante   <chr> "Nao", "Nao", "Nao", NA, "Nao", "Nao", "Nao", "Nao",..
## $ amostraid  <chr> "05RS090077", "11SP073735", "11SP073769", "13SP07067..
```

Variáveis com Número Limitado de Categorias

- sexo - “Masculino”, “Feminino” – 2 (fácil)
- Para raca, escol, gestante, pode usar a função unique para ver quantas categorias
- unique: retorna os elementos únicos de uma variável

```
unique(demog$raca)
```

```
## [1] NA          "Branca" "Parda"  "Preta"
```

```
unique(demog$escol)
```

```
## [1] NA          "De 8 a 11 anos" "De 4 a 7 anos"  
## [4] "De 1 a 3 anos" "De 12 e mais anos" "Nenhuma"
```

```
unique(demog$gestante)
```

```
## [1] "Nao" NA
```

Passo 4 – Simplificar as Variáveis Categorias

- Converter todos os 4 ao tipo de factor
 - ▶ Não é necessário com outros porque têm muitas categorias
- gestante - só tem um valor; não necessário para os cálculos; retirar ela
- raca - categorias servem; compreensíveis
- escol - usamos “fundamental”, “média”, “superior” no dia-à-dia
 - ▶ Simplificar as atuais

factor como Classe de Variável

- Variáveis categóricas têm número de níveis fixos e conhecidos
 - ▶ Ex., “Masculino”/“Feminino”
- `factor` é uma classe que gerencia elas com eficiência
- `factor` converte categóricas em números internamente mas deixa o valor original como `character`
- Com `factor` pode controle a ordem das categorias

Exemplo: factor – Meses do Ano

- Imagine a variável mês que tem 4 valores: “jan”, “mai”, “out”, “abr”

```
(meses <- c("jan", "mai", "out", "abr"))
```

```
## [1] "jan" "mai" "out" "abr"
```

```
sort(meses) ## colocar os valores em ordem
```

```
## [1] "abr" "jan" "mai" "out"
```

Quisemos eles em ordem de mês. Como Podemos Fazer?

- 1 Ensinar R o que são os níveis possíveis – os meses
- 2 Converter meses para um factor

```
mes_level <- c("jan", "fev", "mar", "abr", "mai", "jun", "jul", "ago",  
              "set", "out", "nov", "dez")  
mesesf <- factor(meses, levels = mes_level)  
str(mesesf)
```

```
## Factor w/ 12 levels "jan","fev","mar",...: 1 5 10 4
```

```
sort(mesesf)
```

```
## [1] jan abr mai out  
## Levels: jan fev mar abr mai jun jul ago set out nov dez
```

Passo 4A – Criar Fatores em demog

```
demog <- demog %>%  
  mutate(sexo = factor(sexo, levels = c("Masculino", "Feminino"))) %>%  
  mutate(raca = factor(raca, levels = c("Branca", "Parda", "Preta"))) %>%  
  mutate(escol = factor(escol)) # mudança de valores mais tarde
```


Agora, com Factors, Fácil a Contar Variáveis Categóricas

```
demog %>% dplyr::count(sexo)
```

```
## # A tibble: 2 × 2
##   sexo      n
##   <fctr> <int>
## 1 Masculino    28
## 2 Feminino     22
```

Função para Mudar Valores de Factores – forcats::fct_recode()

- fct_recode muda os valores de factors seguindo seu comando
- fct_recode(x, <valor novo> = <valor velho> , ...)
- Aplicado à sexo: 'fct_recode(demog\$sexo, m = "Masculino")

```
library(forcats) ## Carregar "forcats"; instalar se for necessário
demog <- demog %>%
  mutate(sexo = fct_recode(sexo,
                           "mas" = "Masculino",
                           "fem" = "Feminino"))
str(demog$sexo)
```

```
## Factor w/ 2 levels "mas","fem": 1 1 2 1 2 1 1 2 2 2 ...
```

- Queremos a categoria “fundamental” para tratar de 7 ou menos anos
 - ▶ “De 1 a 3 anos”
 - ▶ “De 4 a 7 anos”
- Queremos a categoria “media” para 8 - 11 anos
 - ▶ “De 8 a 11 anos”
- Queremos a categoria “superior” para 12 ou mais anos
 - ▶ “De 12 e mais anos”
- “Nenhuma” só queremos mudar para minúsculo “nenhuma”
- Podemos dar um de novos nomes às múltiplas categorias velhas

```
demog <- demog %>%  
  mutate(escol = fct_recode(escol,  
    "fundamental" = "De 1 a 3 anos",  
    "fundamental" = "De 4 a 7 anos",  
    "media" = "De 8 a 11 anos",  
    "superior" = "De 12 e mais anos",  
    "nenhuma" = "Nenhuma"))  
  
str(demog$escol)
```

```
## Factor w/ 4 levels "fundamental",...: NA 3 1 3 1 NA 1 NA NA NA ...
```

```
levels(demog$escol)
```

```
## [1] "fundamental" "superior"      "media"          "nenhuma"
```

Retirar a Variável gestante com dplyr::select

```
demog <- demog %>% select(-gestante)
glimpse(demog)
```

```
## Observations: 50
```

```
## Variables: 8
```

```
## $ codepac    <int> 96710, 93778, 91200, 91228, 96186, 93513, 94147, 993..
```

```
## $ idade      <int> 60, 73, 51, 50, 44, 63, 25, 61, 49, 41, 44, 81, 25, ..
```

```
## $ sexo       <fctr> mas, mas, fem, mas, fem, mas, mas, fem, fem, fem, m..
```

```
## $ cidnasc    <chr> "Torres", "Vargem Grande do Sul", "Rinopolis", "Port..
```

```
## $ ufnasc     <chr> "RS", "SP", "SP", "SP", "CE", "MA", "SP", "RS", "RS"..
```

```
## $ raca       <fctr> NA, Branca, Parda, Branca, Parda, NA, Parda, NA, Pa..
```

```
## $ escol      <fctr> NA, media, fundamental, media, fundamental, NA, fun..
```

```
## $ amostraid  <chr> "05RS090077", "11SP073735", "11SP073769", "13SP07067..
```

demog agora tidy, agora testes

```
## Observations: 50
## Variables: 4
## $ codepac      <int> 96710, 93778, 91200, 91228, 96186, 935
## $ copias_cv    <int> 5200, 1947, 480000, 257313, 2585, 84,
## $ contagem_cd4 <int> 898, 958, 958, 142, 524, 256, 353, 928
## $ contagem_cd8 <int> 1311, 817, 817, 1009, 586, 651, 393, 1
```

codepac – Número ou Categoria?

- Mais útil como categoria
- Mas não faz problemas como Integer

Descrição de 'copias_cvdetestes'

```
Desc(testes$copias_cv, plotit = FALSE)
```

```
## -----
## testes$copias_cv (integer)
##
##      length      n      NAs    unique      Os      mean
##      50         50         0       46         0  90'692.82
##      100.0%      0.0%
##
##      .05      .10      .25    median      .75      .90
##      304.20    730.00  3'700.00  17'000.00  103'750.00  250'731.30
##
##      range      sd      vcoef      mad      IQR      skew
##      879'916.00  164'137.95  1.81  24'747.56  100'050.00  2.79
##
##      meanCI
##      44'045.33
##      137'340.31
##
##      .95
##      417'500.00
##
##      kurt
##      9.06
##
## lowest : 84, 240, 270, 346, 370
## highest: 257'313, 390'000, 440'000, 480'000, 880'000
```

Gráfico de copias_cv

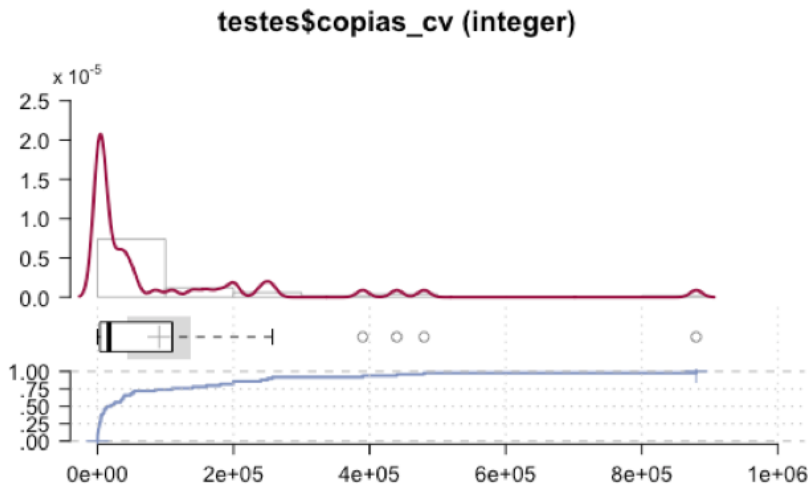


Figure 7:

Descrição de 'contagem_cd4detestes'

```
Desc(testes$contagem_cd4, plotit = FALSE)
```

```
## -----  
## testes$contagem_cd4 (integer)  
##  
##      length      n      NAs  unique      0s      mean      meanCI  
##          50      50        0      46        0  513.90      418.33  
##          100.0%    0.0%          0.0%          609.47  
##  
##      .05      .10      .25  median      .75      .90      .95  
##    84.80  138.90  250.75  472.50  676.00  961.80  1'051.35  
##  
##      range      sd      vcoef      mad      IQR      skew      kurt  
##  1'537.00  336.27      0.65  326.17  425.25      0.86      0.46  
##  
## lowest : 66 (2), 83, 87, 111, 142  
## highest: 996, 1'020, 1'077, 1'126, 1'603
```

Gráfico de CD4

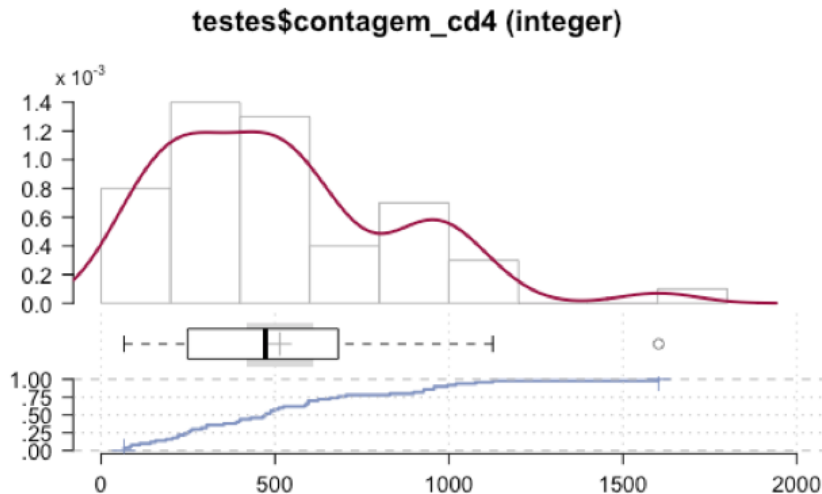


Figure 8:

O Que É a Média de CD4+ para Homens vs Mulheres?

- Precisamos sexo de demog
- Precisamos contagem_cd4 de testes
- Como ligamos estas variáveis
 - ▶ codepac – existe nos 2 tibbles
- Função para ligar esses valores é join

Fazer um Novo Conjunto com Os Dados Que Precisamos

```
cvsexo <- inner_join(demog, testes, by = "codepac") %>% select(codepac, sexo, copias)
Desc(copias_cv ~ sexo, data = cvsexo, plotit = FALSE)
```

```
## -----
## copias_cv ~ sexo
##
## Summary:
## n pairs: 50, valid: 50 (100.0%), missings: 0 (0.0%), groups: 2
##
##
##           mas           fem
## mean    100'149.071    78'657.591
## median   17'888.500    17'000.000
## sd       191'935.151   123'399.444
## IQR       87'988.250   110'900.000
## n         28          22
## np        56.000%     44.000%
## NAs        0          0
## Os         0          0
##
## Kruskal-Wallis rank sum test:
##      Kruskal-Wallis chi-squared = 0.10401, df = 1, p-value = 0.7471
```

Combine

Combine Variables

x		
A	B	C
a	t	1
b	u	2
c	v	3

y		
A	B	D
a	t	3
b	u	2
d	w	1

A	B	C	D
a	t	1	3
b	u	2	2
c	v	3	NA

Use `bind_cols()` to paste tables beside each other as they are.

`bind_cols(...)`
Returns tables placed side by side as a single table.
BE SURE THAT ROWS ALIGN.

Use a "Mutating Join" to join one table to columns from another, matching values with the rows that they correspond to. Each join retains a different combination of values from the tables.

`left_join(x, y, by = NULL, copy = FALSE, suffix = c("x", "y"), ...)`
Join matching values from y to x.

`right_join(x, y, by = NULL, copy = FALSE, suffix = c("x", "y"), ...)`
Join matching values from x to y.

`inner_join(x, y, by = NULL, copy = FALSE, suffix = c("x", "y"), ...)`
Join data. Retain only rows with matches.

`full_join(x, y, by = NULL, copy = FALSE, suffix = c("x", "y"), ...)`
Join data. Retain all values, all rows.

Figure 9.1

Resumo de Funções e Pacotes de Aula 4

- `tibble::glimpse`
- `unique()`
- `factor()`
- `sort()`
- `dplyr::count()`
- pacote `forcats`
- `mutate()`
- `fct_recode`
- `left_join()`

Problemas para Próxima Aula (21/2)

- 1 Utilizando um método sem `join`, calcule a média e o desvio padrão de CD8 em nossa amostra para homens e mulheres. Utilize outras funções que aprendemos no `tidyverse`.
- 2 Uma nova doença bacteriana de repente apareceu em São Paulo. Depois de seis meses, os epidemiologistas determinaram que a taxa de infecção é 0.05% da população. Os infectologistas de UNIFESP desenvolveram um teste preliminar que identificar corretamente 98% dos casos em pessoas com a doença. Também, pessoas saudáveis que fazem o teste tem uma resposta positiva em 2% dos casos. Você faz o teste. É positivo. Qual é a probabilidade que você tem a doença?
- 3 Problema 2 é uma aplicação de qual teorema em probabilidade?

- Terça

- ▶ Média, Mediana, Skewness e Medidas de Variação
- ▶ Gráficos básicos úteis em análise exploratória dos dados

- Sexta

- ▶ Mais funções para manipulação de dados em dplyr
- ▶ Summarize, etc.
- ▶ Funções gráficos - Gráficos DIY