

BCQM

QU1: ¿Presenta el Carcinoma Lobulillar Invasivo(ILC) características genéticas molecularmente diferentes a los demás tipos de cáncer de mama?

QU2: ¿Es la proteína HER2 positiva un rasgo genético necesario para diagnosticar el Carcinoma Ductal invasivo(IDC) pero no suficiente para diagnosticar el Carcinoma Lobulillar Invasivo(ILC)?

QU3: ¿Es posible clasificar el Carcinoma de tumores mixtos (MDLC) en subgrupos de tipo Carcinoma Lobulillar Invasivo(LBC) o Carcinoma Ductal invasivo(IDC) según sus propiedades genéticas?

Actividades

T1: Unificar los datos genómicos obtenidos desde las diferentes fuentes.

T2: Estandarizar los tipos de variables.

T3: Estructurar los datos en un archivo CSV.

T4: Crear un nuevo proyecto en Jupyter NoteBook.

T5: Crear análisis exploratorio de datos (EDA) e Interpretar el resultado obtenido.

T6: Generar diagramas de correlación.

T7: Comprobar datos faltantes en el conjunto de datos.

T8: Eliminar datos innecesarios del conjunto de datos.

T9: Seleccionar los atributos para entrenar los modelos de Machine Learning.

T10: Crear modelo de Machine Learning para agrupación.

T11: Crear modelo de Machine Learning para Clasificación.

T12: Entrenar Modelos de Agrupación y Clasificación.

T13: Evaluar Modelos de Machine Learning.

T14: Interpretar los resultados generados por los modelos de Machine Learning.

T15: Generar respuestas a las preguntas planteadas en el BCQM.