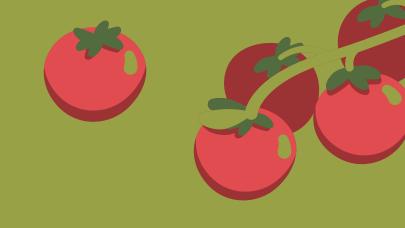


SUBSTITUIÇÃO DE ALIMENTOS EM DIETAS





ARTHUR MARQUES
CAMILA NIEDERAUER
HENRIQUE DE ALARCÃO
JAMILLE GHAZALEH

JOÃO VICTOR MOURA LUIZ HENRIQUE MARCOS PAULO



PROPÓSITO DO TRABALHO



Este projeto tem como objetivo desenvolver uma ferramenta para substituição de alimentos em dietas, com foco na gestão eficaz dos macronutrientes. A precisão das substituições será garantida pela utilização da TACO da Unicamp como base de dados. A ferramenta será acessível e prática para indivíduos que buscam atender suas necessidades nutricionais específicas, com uma abordagem mais consciente e personalizada em relação à dieta.









PROTEÍNA

Participam em praticamente todos os processos celulares, desempenhando um vasto conjunto de funções no organismo.

CARBOIDRATO

Principal fonte de energia do nosso organismo.

GORDURA

Responsáveis pela absorção das vitaminas A, D, e E, ajudam o corpo a produzir hormônios e energia e ajudam na regulação da temperatura corporal.

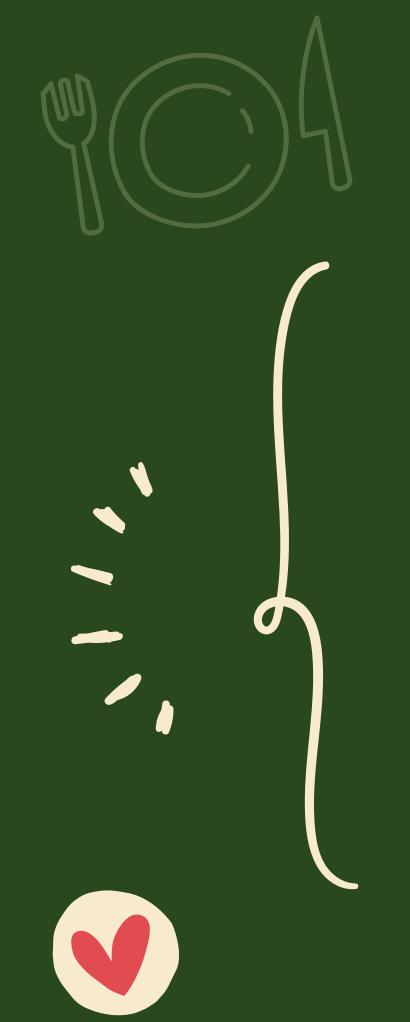


É uma medida de energia. A energia permite que as células realizem todas as suas funções, incluindo a síntese de proteínas e outras substâncias necessárias ao organismo.

BASE DE DADOS: TABELA TACO UNICAMP



O projeto, coordenado pelo NEPA/UNICAMP, é uma iniciativa para oferecer dados de um grande número de nutrientes em alimentos nacionais e regionais obtidos por meio de amostragem representativa e análises realizadas por laboratórios com competência analítica comprovada por estudos interlaboratoriais, segundo critérios internacionais.



LIMPEZA DOS DADOS

library(ggplot2)
library(ggrepel)

Declarando a variável dados
dados <- Taco_4a_edicao_2011</pre>

Renomeando as colunas

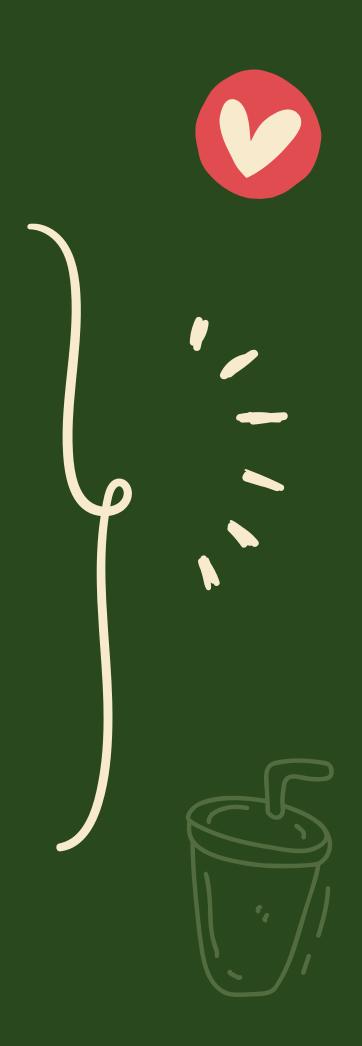
colnames(dados)[2] <- "Alimentos"

colnames(dados)[6] <- "Proteínas"

colnames(dados)[7] <- "Gorduras"

colnames(dados)[9] <- "Carboidratos"

colnames(dados)[4] <- "Energia"



TIMPEZA DOS DADOS



Substitua todas as strings nas colunas 6, 7 e 9 por NA dados\$Proteínas <- as.numeric(gsub("[^0-9.]", "", dados\$Proteínas)) dados\$Gorduras <- as.numeric(gsub("[^0-9.]", "", dados\$Gorduras)) dados\$Carboidratos <- as.numeric(gsub("[^0-9.]", "", dados\$Carboidratos)) dados\$Energia <- as.numeric(gsub("[^0-9.]", "", dados\$Energia))



Arredondar os valores

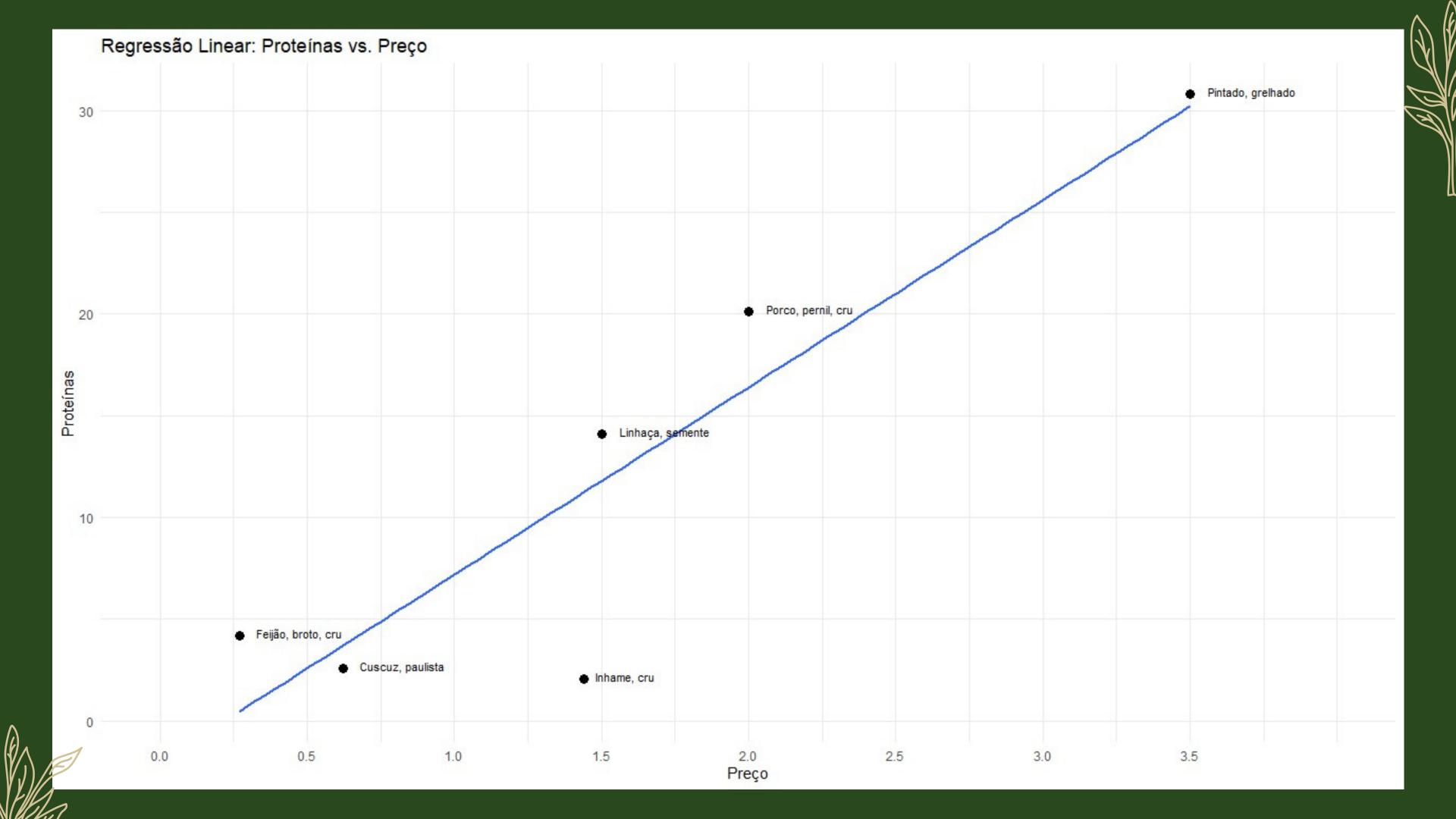
dados\$Proteínas <- round(dados\$Proteínas)

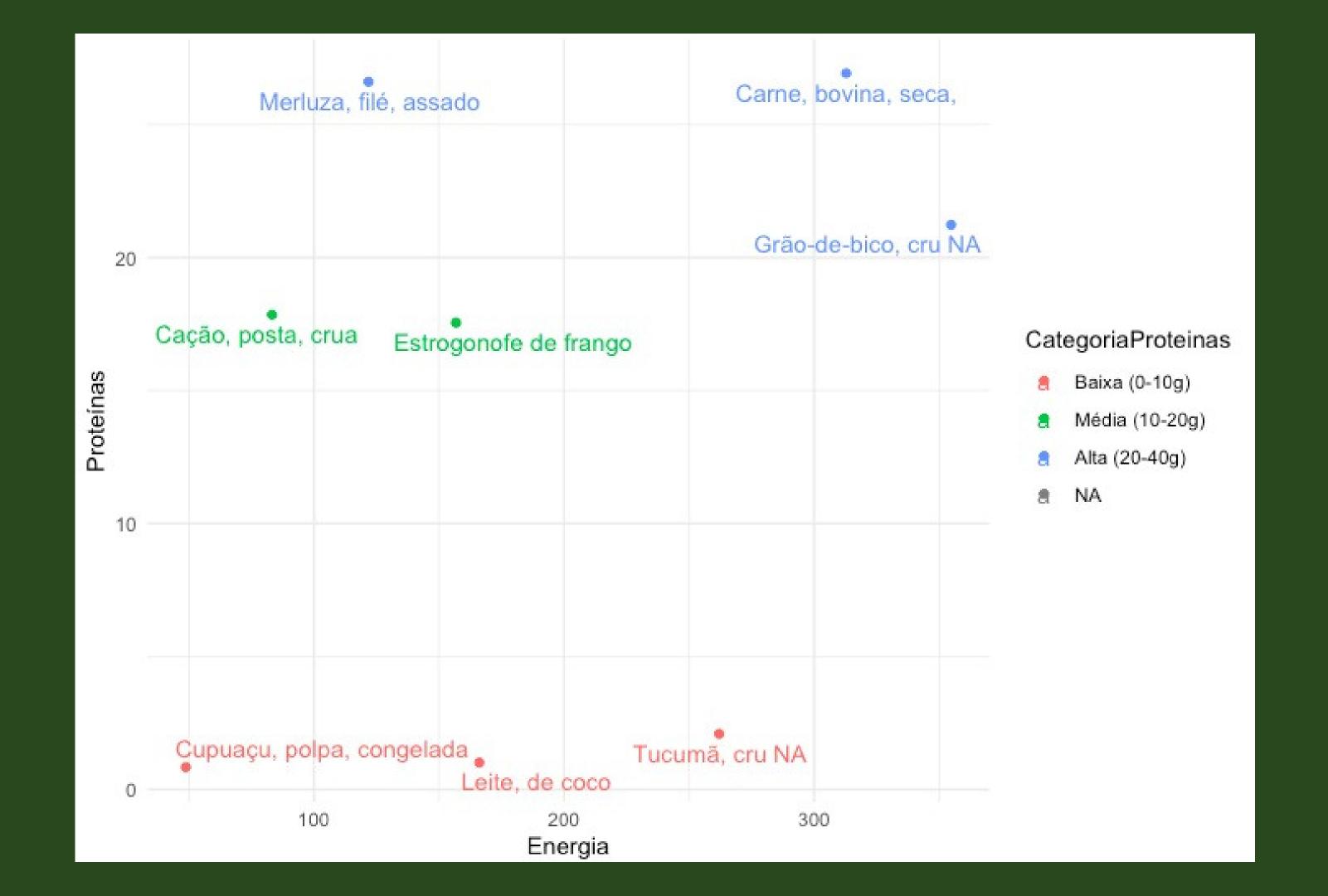
dados\$Gorduras <- round(dados\$Gorduras)

dados\$Carboidratos <- round(dados\$Carboidratos)

dados\$Energia <- round(dados\$Energia)











APLICATIVO



