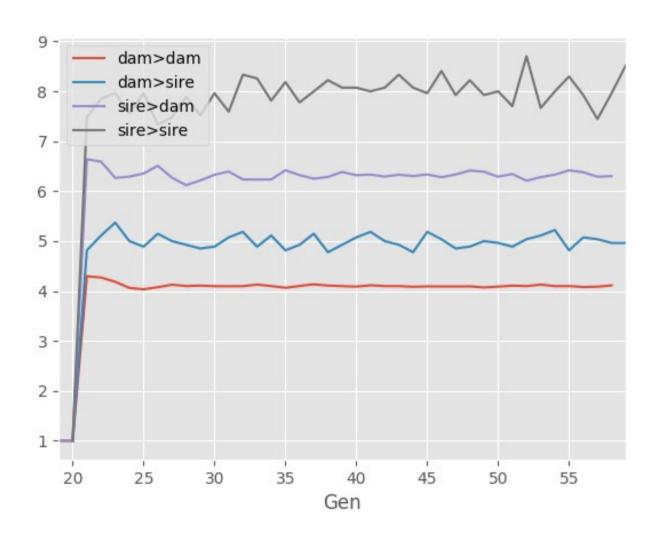


Generacijski interval

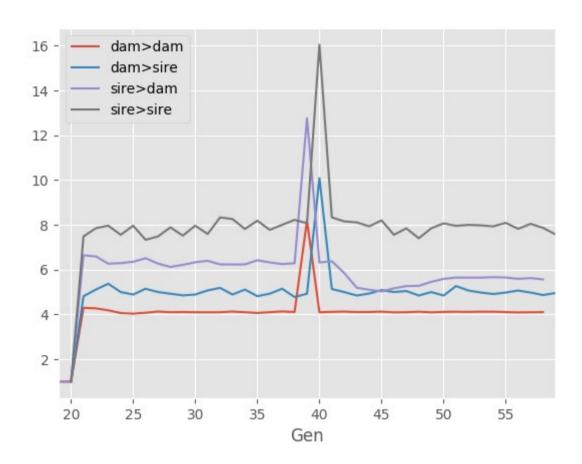


1) gen (norRef)

Genomsko testirane bike uporabljamo le na splošni populaciji – vendar v miksu z mladimi in progeno testiranimi. Nimamo velike reference za napoved gEBV (le 100 PB). Bikovske matere semenimo le s progeno testiranimi biki. Biki postanejo progeno testirani pri 6 letih starosti (pri čemer predpostavimo, da se jim je nabralo z osemenjevanjem krav dovolj potomk, da bodo točnosti zadovoljive). Napoved gEBV brez velike reference potomciNP genPB pripust krave BMLETA do zadostnega Predpostavimo, da se števila laktacije jih nabere dovoli fenot. Potomcev

Progeno testirani

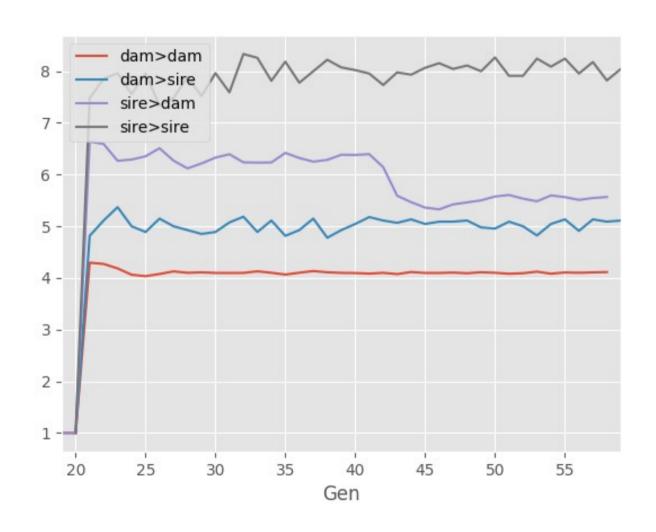
• Generacijski interval – zniža se sire > dam, vendar še vedno ostaja visok, saj je splošna populacija osemenjena z miksom genPB, progeno test PB, pripusta



1) gen (Ref)

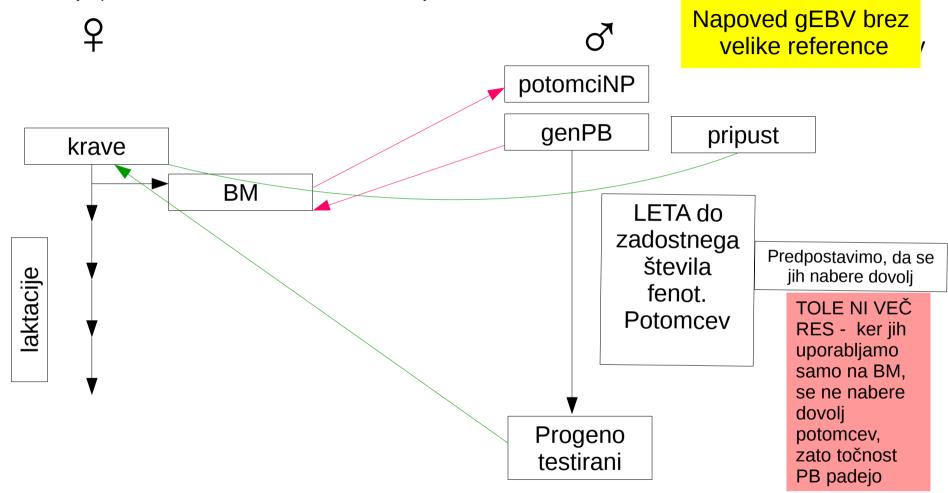
Genomsko testirane bike uporabljamo le na splošni populaciji – vendar v miksu z mladimi in progeno testiranimi. Imamo referenco za napoved gEBV – 10,000 krav in 100 pb, neupdatana. Vsako leto genotipiziramo vse potomce NP. Bikovske matere semenimo le s progeno testiranimi biki. Biki postanejo progeno testirani pri 6 letih starosti (pri čemer predpostavimo, da se jim je nabralo z osemenjevanjem krav dovolj potomk, da bodo Napoved gEBV z točnosti zadovoljive). Referenco 10,000 krav potomciNP genPB pripust krave BMLETA do zadostnega Predpostavimo, da se števila laktacije jih nabere dovoli fenot. Potomcev Progeno testirani

Enako kot pri prešnji (razen, da mi tu ne nardi tiste čudne špice - (?))

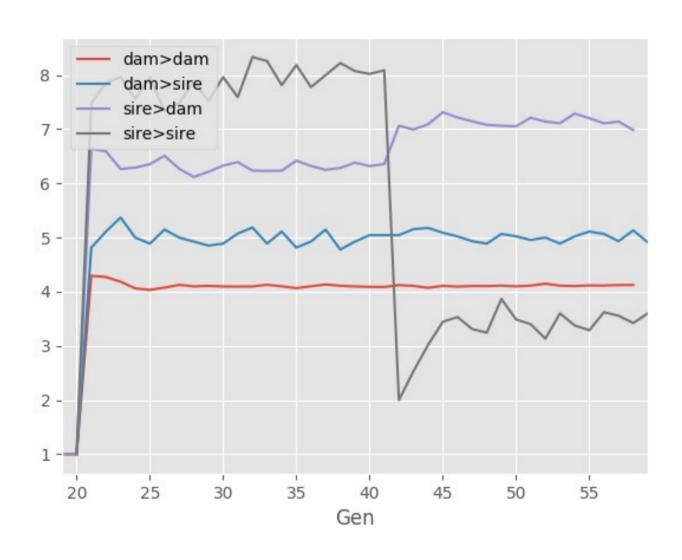


1) genFather (noRef) Genomsko testirani LE NA BM!

Genomsko testirane bike uporabljamo le na bikovskih materah. Nimamo velike reference za napoved gEBV (le 100 PB). Vsako leto genotipiziramo vse potomce NP. Biki postanejo progeno testirani pri 6 letih starosti (pri čemer predpostavimo, da se jim je nabralo z osemenjevanjem krav dovolj potomk, da bodo točnosti zadovoljive) – KAR PA TUKAJ NI RES! - ni realna situacija

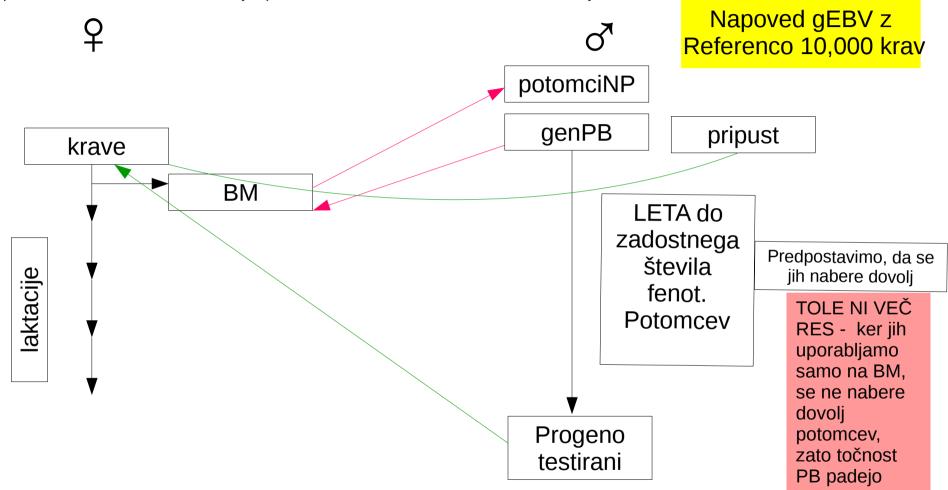


Generacijski interval – sklepam, da se pri sire>dam zviša, ker se ne uporablja več mladih bikov (kar so zdaj genPB) na splošni populaciji

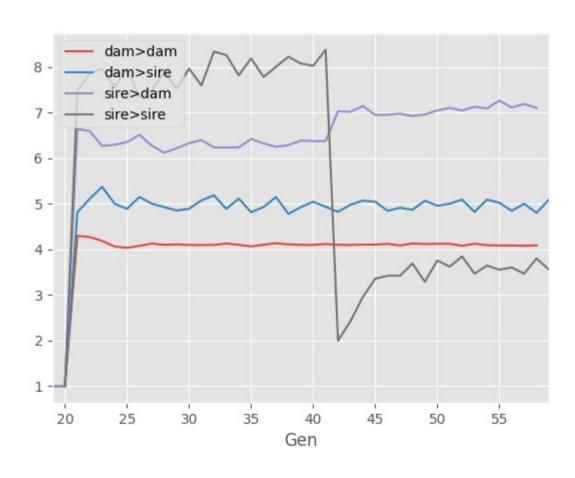


1) genFather (Ref) Genomsko testirani LE NA BM!

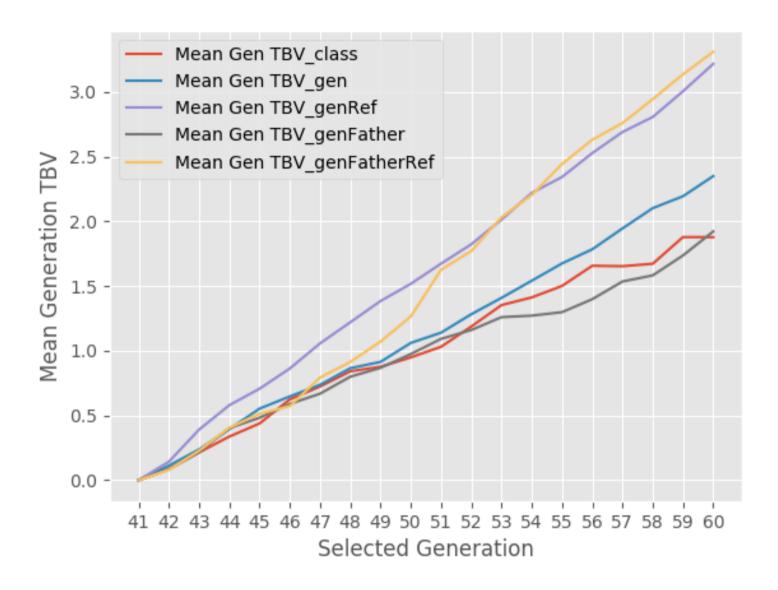
Genomsko testirane bike uporabljamo le na bikovskih materah. Imamo veliko referenco za napoved gEBV (10,000 krav in 100 PB, neupdatana). Vsako leto genotipiziramo vse potomce NP. Biki postanejo progeno testirani pri 6 letih starosti (pri čemer predpostavimo, da se jim je nabralo z osemenjevanjem krav dovolj potomk, da bodo točnosti zadovoljive) – KAR PA TUKAJ NI RES! - ni realna situacija



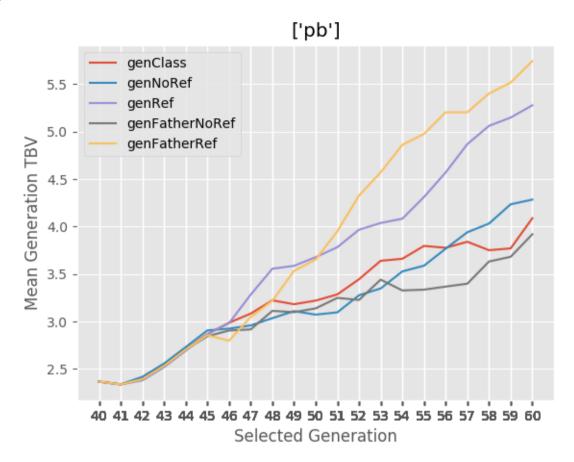
Enako kot pri prejšnji



Genetic gain – cela populacija



Genetic gain – ple



Pb so potomci (v oklepaju so starši staršev, pri ženskah mati ni pomembna):

- class: BM (PT) in progeno testiranih (PT) plemenskih bikov (BM in PT)
- genNoRef & genRef: BM (genTest in PT miks) in PT (BM in PT) bikov
- genFatherNoRef & genFatherRef: BM (PT) in PT (BM in genTest)

Kaj je tukaj problem pri shemi genFather(Ref/NoRef) – jaz pri starosti 1, 2 let odberem genomsko testirane (isto število kot progeno testiranih v klasični shemi) – uporabljam samo na BM – in jih potem po ~5 letih VSE prestavim v progeno testirane – uporaba na splošni populaciji. Ampak to so identični biki, ni še enga kroga selekcije. Zato so to tisti (očitno slabši), ki smo jih izbrali na podlagi netočnih gEBV (ker ni reference).

Plus problem je, da če genomske uporabim samo na BM, se jih v parih letih nabere komaj nekaj potomk. Zato tudi, če bi bil še en krog selekcije po rezultatih progenega testa na podlagi EBV, te EBV ne bi bile zanesljive. Zato nekak ne najdem pametne rešitve za izboljšanje tega scenarija.

