# 13E053SOM - Projektni zadatak iz predmeta Sistemi odlučivanja u medicini

Aleksa Janjić 2019/0021 Septembar 2022.

## Dataset 20: COVID-19 presence



# Sadržaj

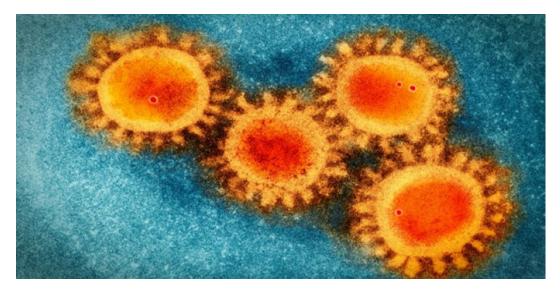
7	Programski kod u programskom jeziku Python	12
	6.3 Zaštita od preobučavanja - rano zaustavljanje	11
	6.2 Zaštita od preobučavanja - regularizacija	11
	6.1 Različite strukture neuralne mreže	8
6	Neuralna mreža	8
5	Parametarski klasifikator	7
4	Redukcija dimenzionalnosti - LDA i PCA metodi	6
3	Korelacija između obeležja i Information Gain	5
2	Analiza skupa podataka	4
1	Uvod	3

#### 1 Uvod

U proteklih nekoliko godina svima nama je termin **COVID-19** savršeno poznat, pošto je svima nama u proteklom periodu život u manjoj ili većoj meri promenjen zbog tog termina. **COVID-19** ili koronavirusna bolest 2019 (engl. *Coronavirus disease 2019*) je zarazna bolest uzrokovana teškim akutnim respiratornim sindromom virus korona 2 (SARS-CoV-2) koja je 2019. godine proglašena pandemijom.

Infekcija se širi od jedne do druge osobe kapljičnim putem - respiratornim kapljicama nastalim tokom kašljanja. Vreme inkubacije do pojave prvih simptoma je obično između 2 i 14 dana, a u proseku oko 5 dana. Uobičajeni simptomi su telesna temperature, kašalj i otežano disanje, dok su nešto ređi simptomi gubitak čula mirisa i ukusa, kao i bol u mišićima i grlobolja.

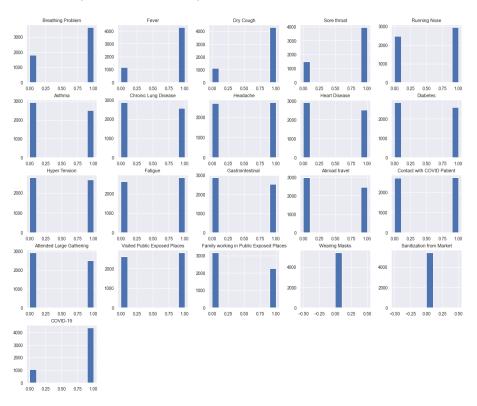
Standardan metod dijagnoze je lančana reakcija polimeraznom rezervnom transkripcijom (rRT-PCR) iz nazofaringealnog brisa ili uzorka ispljuvaka, a infekcija se može registrovati i ispitivanjem prisutnosti antitela iz uzorka krvnog seruma ili iz kombinacije simptoma, faktora rizika zaraze i CT-a prsnog koša koji pokazuje karakteristike upale pluća. Usled same činjenice da se radi o globalnoj pandemiji, a imajući u vidu da se i sama zaraza vrlo lako i brzo širi, broj obolelih ljudi je iz dana u dan vrtoglavo rastao, samim tim i mnogi zdravstveni sistemi su bili preopterećeni i nisu bili spremni da logistički, kadrovski i medicinski odgovore na ovu pandemiju. Sam postupak detekcije prisustva COVID-19 u telu osobe zahteva određeno vreme koje je značajno veće u odnosu na vreme koje je neophodno da se infekcija proširi između dve ili više osoba, stoga se tragalo za rešenjem koje bi bilo moguće da instantivno odgovori na pitanje da li osoba je zaražena virusom ili nije. U tu svrhu, u ovom radu će se na osnovu dostupnog seta podataka ispitivati određeni simptomi, porediti ih na odgovarajući način i pokušati da pojednostavimo podatke i vezu između njih, samim tim i posmatrani problem, tako da možemo finalno izvršiti odgovarajuću klasifikaciju i izvesti generalizovani zaključak po kom će se donositi odluka da li je osoba zaražena ili ne.



Slika 1: Mikroskopski prikaz virusa SARS-CoV-2

### 2 Analiza skupa podataka

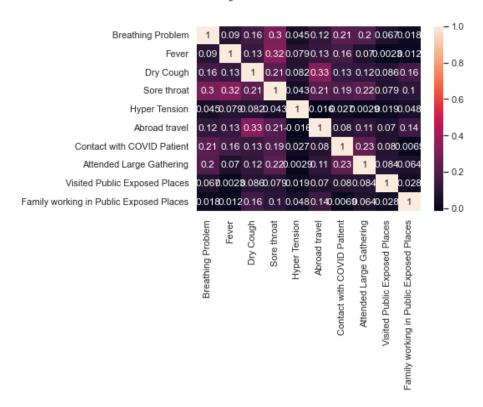
U posmatranom skupu podataka postoji 20 obeležja koji su razvrstani po kolonama, i poslednja kolona koja predstavlja izlazne podatke o tome da li je osoba sa prethodnim vrednostima atributa zaražena ili ne. Svi podaci su DA/NE tipa, stoga je izvršena konverzija stringova DA (u podacima označenih sa 'Yes') u celobrojnu vrednost 1, a stringovi NE (u podacima označeni sa 'No') u celobrojnu vrednost 0. Naknadnom proverom uočavamo da ne postoji nijedna nedostajuća vrednost, stoga nije potrebno dalje modifikovati podatke u smislu zamenjivanjem očekivanom vrednošću ili izbacivanjem odbirka. Na slici 2 primećujemo da imamo dva neinformativna obeležja - 'Wearing masks' i 'Sanitization from Market', pošto za svaki podatak oni imaju uvek istu vrednost, stoga u startu odmah odbacujemo ova dva obeležja.



Slika 2: Histogram obeležja i izlaza nakon adekvatnog kodovanja vrednosti

### 3 Korelacija između obeležja i Information Gain

Prvo ćemo posmatrati korelaciju sa klasom preostalih 18 obeležja uz pomoć ugrađene funkcije corr (Pearson-ov metod), zatim da te vrednosti sortiramo, a onda da 10 obeležja sa najvećom (apsolutnom) vrednošću koeficijenta korelacije tog obeležja sa klasom sačuvamo, a ostale odbacimo. U nastavku je na slici 3 priložen grafički prikaz korelacione matrice izdvojenih 10 obeležja Pearson-ovim metodom, dok Spearman-ovim metodom je u programsku kodu izvršena, uslovno rečeno verifikacija Pearson-ovog metoda, radi ispitivanja postojanja eventualne razlike u pozivanju funkcije corr za svaki metod. Oba metoda daju slične rezultate.



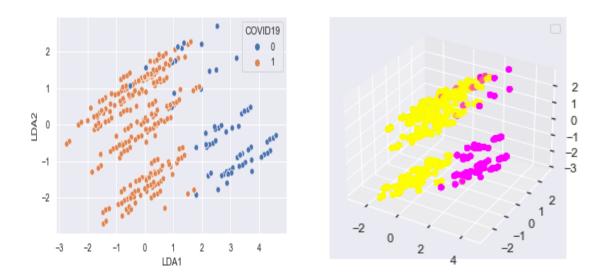
Slika 3: Ispitivanje korelacije između obeležja Pearson-ovim metodom

Analizom dobijene korelacione matrice primećujemo da je najveći koeficijent korelacije između dva atributa iznosi 0.33, pa s obzirom na to da ova vrednost nije velika, atributi su dobro odabrani. U nastavku je prikaz tabele koja sadrži koeficijente korelacije između datog obeležja i klase, kao i vrednost IG (Information Gain) parametra tog obeležja.

	Koeficijent korelacije sa klasom	IG parametar
Sore throat	0.502848	0.16509021190420425
Dry Cough	0.464292	0.13203769535628973
Abroad travel	0.443875	0.19466403318778536
Breathing Problem	0.443764	0.1359714631581188
Attended Large Gathering	0.390145	0.1299523075927551
Contact with COVID Patient	0.357122	0.10050174342266127
Fever	0.352891	0.07787631667975581
Family working in Public Exposed Places	0.160208	0.01939488782649168
Visited Public Exposed Places	0.119755	0.01038130864329434
Hyper Tension	0.102575	0.007652495823298078

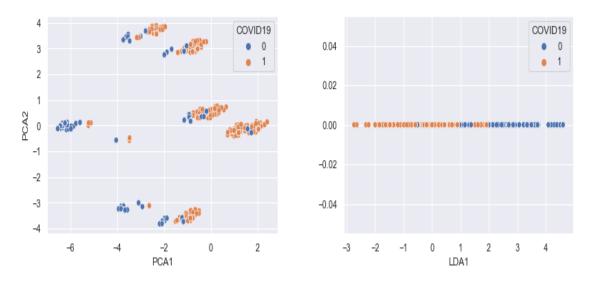
Tabela 1: Koeficijenti korelacije sa klasom i vrednosti IG parametara

### 4 Redukcija dimenzionalnosti - LDA i PCA metodi



Slika 4: Grafik raspodele odbiraka po klasama nakon redukcije  $\mathbf{LDA}$  metodom na 2 i 3 dimenzije respektivno

Na slici 4 prikazani su grafici raspodele odbiraka po klasama nakon redukcije na 2 i 3 dimenzije **LDA** (engl. *Linear Discriminant Analysis*) metodom i primećujemo da nijedan od prethodnih načina ne separatiše odbirke stoprocentno dobro, ali stiče se utisak da **LDA** redukcija na 2 dimenzije pruža bolju separabilnost od **LDA** redukcije na 3 dimenzije, stoga ćemo u nastavku projekta smatrati da **LDA** redukcija na 2 dimenzije pruža dovoljno zadovoljavajuću separabilnost podataka.



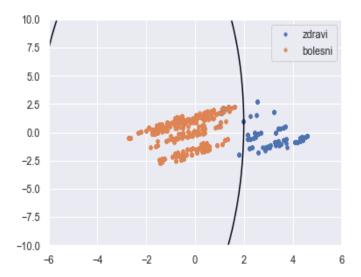
Slika 5: Grafik raspodele odbiraka po klasama nakon redukcije **LDA** metodom na jednu dimenziju i **PCA** metodom na 2 dimenzije respektivno

Imajući u vidu da je skup podataka podeljen na dve klase, potrebno je uraditi još dva načina redukcije dimenzionalnosti- **LDA** redukcija na jednu dimenziju i **PCA** (engl. *Principal Component Analysis*) redukcija na 2 dimenzije. Sa slika 6 i 7 primećujemo da nijedan od ovih načina ne pruža zadovoljavajuću separabilnost, stoga zaključujemo da najbolju separabilnost sadrži **LDA** redukcija na 2 dimenzije.

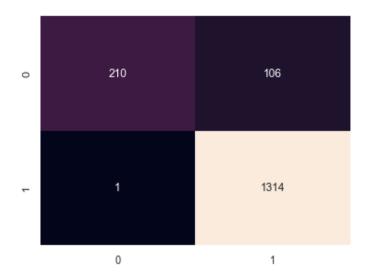
Bitno je napomenuti da na prethodnim graficima u legendama plave tačke (vrednost 0) označavaju negativne (zdrave) pojedince, a narandžaste tačke (vrednost 1) označavaju pozitivne (bolesne) pojedince.

#### 5 Parametarski klasifikator

U prethodnoj tački diskutovali smo o separabilnosti koja se dobija raznim načinima i zaključili smo da najbolju separabilnost pruža **LDA** metod redukcije na 2 dimenzije, pa je sledeći korak projektovanje odgovarajućeg parametarskog klasifikatora po slobodnom izboru. U ovoj tački biće projektovan kvadratni klasifikator na bazi željenog izlaza, sa podelom na trenirajući i testirajući skup u razmeri **70:30**.



Slika 6: Grafički prikaz raspodele odbiraka trenirajućeg skupa i diskriminacione krive u ravni



Slika 7: Grafički prikaz konfuzione matrice izvedene iz testirajućeg skupa

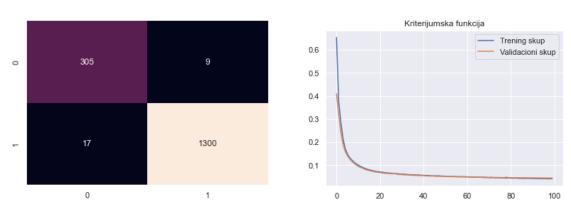
Projektovani klasifikator ima ve<br/>oma veliku tačnost (93.44%) i ima gotovo zanemarljiv procenat<br/> lažnih~alarma, međutim, jedina mana ovog klasifikatora jeste procena<br/>tpropuštenih~detekcijakoji iznosi 6.5%.

#### 6 Neuralna mreža

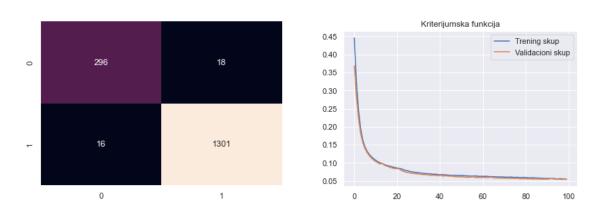
#### 6.1 Različite strukture neuralne mreže

Poslednji deo projekta podrazumeva treniranje i testiranje različitih struktura feedforward neuralne mreže sa jednim ili više skrivenih slojeva, kao i sa različitim brojem neurona u slojevima. U nastavku će kao rezultati testiranja biti prikazane konfuzione matrice za svaku strukturu neuralne mreže. Takođe, treba napomenuti da je svaka neuralna mreža pokrenuta u 100 epoha, kao i da je zadržana razmera 70:30 trenirajućeg i testirajućeg skupa.

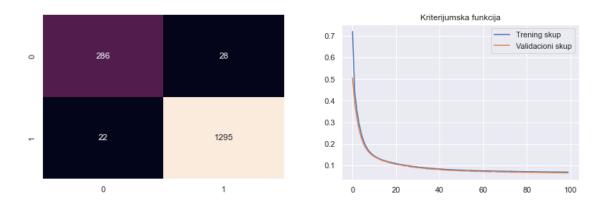
Primetićemo da svaka od struktura daje veoma zadovoljavajuće tačnosti, međutim, što je struktura kompleksnija, to je vreme izvršavanja programa duže, a takođe je dinamika kriterijumskih funkcija veća. Kod struktura sa jednim skrivenim slojem primećujemo da je sa smanjenjem broja neurona u skrivenom sloju manja i tačnost, što znači da nisu adekvatne ni suviše jednostavne strukture neuralne mreže. Najbolje rezultate dale su neuralne mreže sa **jednim** skrivenim slojem od **20** neurona (tačnost **98.406%**), kao i neuralna mreža sa **dva** skrivena sloja od **20** i **5** neurona respektivno (tačnost **98.283%**).



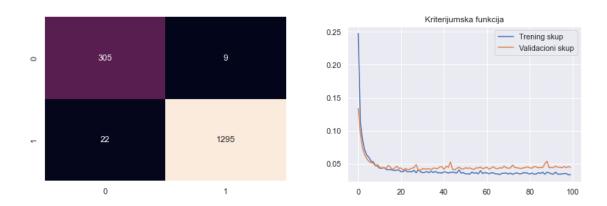
Slika 8: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **jednim** skrivenim slojem sa **20** neurona (tačnost **98.406**%)



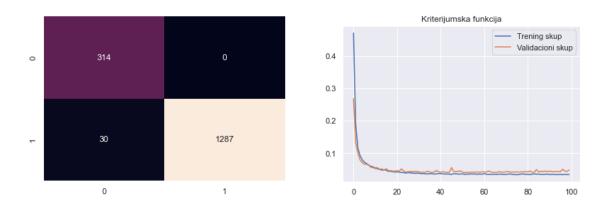
Slika 9: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **jednim** skrivenim slojem sa **10** neurona (tačnost **97.915**%)



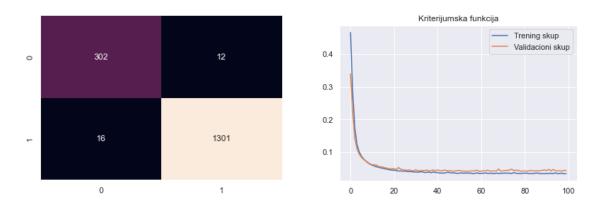
Slika 10: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **jednim** skrivenim slojem sa **3** neurona (tačnost **96.934**%)



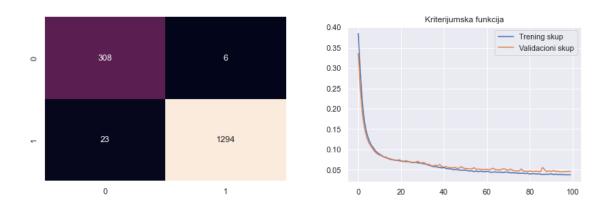
Slika 11: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **jednim** skrivenim slojem sa **500** neurona (tačnost **98.099**%)



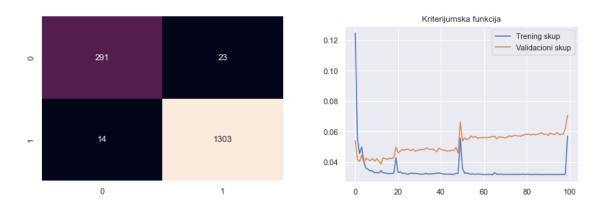
Slika 12: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa  ${\bf dva}$  skrivena sloja sa  ${\bf 20}$  i  ${\bf 15}$  neurona (tačnost  ${\bf 98.161\%}$ )



Slika 13: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **dva** skrivena sloja sa **20** i **5** neurona (tačnost **98.283**%)



Slika 14: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **dva** skrivena sloja sa **10** i **3** neurona (tačnost **98.222**%)

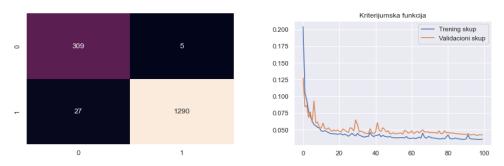


Slika 15: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa dva skrivena sloja sa 1000 i 1000 neurona (tačnost 97.731%)

#### 6.2 Zaštita od preobučavanja - regularizacija

Do preobučavanja neuralne mreže dolazi zbog prevelike kompleksnosti neuralne mreže i tada neuralna mreža prilikom treniranja, uslovno govoreći "uči napamet" na osnovu trenirajućeg seta podataka. Posledica toga su loši rezultati na novim podacima, to jest, na testirajućem skupu podataka. Za potrebe prikazivanja efekta preobučavanja, koristićemo neuralnu mrežu sa dva skrivena sloja od po 1000 neurona u svakom (o kojoj je bilo reči u prethodnoj tački), jer je ona dovoljno kompleksna. U prethodnom primeru su se dobili veoma dobri rezultati ove mreže, ali probaćemo da dobijemo još bolje uvođenjem tehnike **regularizacije** i **ranog zaustavljanja**.

Regularizacija predstavlja tehniku kojom se sprečava preobučavanje tako što se standardna kriterijumska funkcija (obično srednje-kvadratna greška) proširuje dodatnim težinskim članom (engl. weight decay) kako bi se sprečilo da velike težine dovedu do predela prezasićenja.

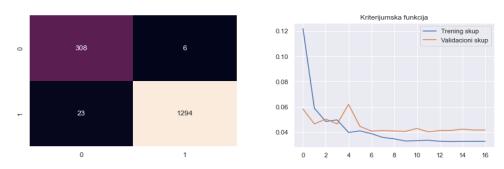


Slika 16: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **dva** skrivena sloja sa **1000** i **1000** neurona nakon uvođenja **regularizacije** (tačnost **98.038**%)

Uvođenjem regularizacije smo postigli još bolju tačnost naše kompleksne neuralne mreže (poboljšanje od oko **0.30%**), međutim, kao što možemo primetiti na slici 16, kriterijumska funkcija ima značajno manju dinamiku ukoliko se uvede **regularizacija** u odnosu na dinamiku kriterijumske funkcije sa slike 15. Takođe, broj *propuštenih detekcija* je u ovom slučaju smanjen.

#### 6.3 Zaštita od preobučavanja - rano zaustavljanje

Tokom treniranja neuralne mreže, greška na trening setu bi trebala da opada iz epohe u epohu, dok greška na validacionom skupu će opadati sve do nekog trenutka kada počinje da raste i u tom trenutku se čuvaju trenutne težine i dolazi do preobučavanja. Imajući ovo u vidu, kao i činjenicu da simulacija traje duže ukoliko je neuralna mreža kompleksnija, koristimo tehniku **ranog zaustavljanja**, čije rezultate prilažemo u nastavku. Nakon **16** epoha, program se zaustavio na početku 17. epohe, a u tom trenutku tačnost dostiže najveću vrednost od **98.222**%, ali i veći broj propuštenih detekcija u odnosu na tehniku **regularizacije**.



Slika 17: Grafički prikaz konfuzione matrice i kriterijumske funkcije na trening i validacionom skupu za neuralnu mrežu sa **dva** skrivena sloja sa **1000** i **1000** neurona nakon uvođenja **ranog zaustavljanja** (tačnost **98.222**%)

### 7 Programski kod u programskom jeziku Python

```
1 import numpy as np
 2 import pandas as pd
 3 import seaborn as sb
 4 import matplotlib.pyplot as plt
 5 from sklearn.model selection import GridSearchCV
 6 from keras.models import Sequential
 7 from keras.layers import Dense
 8 from keras.callbacks import EarlyStopping
 9 from keras.wrappers.scikit learn import KerasClassifier
10 from sklearn.model selection import train test split
      from keras.regularizers import 12
12
13 np. set printoptions (precision = 4, suppress=True)
14
15
     data = pd.read\_csv(r"C: \Users \land aleks \land OneDrive \land Documents \land ETF \land 03 - treea godina \land sesti sense for the se
16
17 data.info(verbose = True)
18 #c data.head()
19
20~\#\mathrm{kodovanje}'Yes' u 1 i 'No' u 0
      data = data.replace(to replace = 'Yes', value = 1)
      data = data.replace(to replace = 'No', value = 0)
23
24 data.info(verbose = True)
25 #c data.describe()
26 #c data.isnull().any() - provera da li je ostala neka null vrednost
27
28 data. hist (figsize = (20,15))
29 plt.show()
30
31 #vidimo da su dva atributa skroz neinformativna (Wearing Masks)
32 #i (Sanitization from Market) posto imaju uvek istu vrednost, pa cemo ih odmah
33 #izbaciti
34
35 covid = data.copy(deep = True)
36
37 covid.pop('Wearing Masks')
38
     covid.pop('Sanitization from Market')
40 #ostala neinformativna obelezja cemo izbaciti tako sto cemo posmatrati
41 #korelaciju (Pearson-ov metod) svakog obelezja sa poslednjom kolonom iz dataseta
42 #koja nam oznacava da li je osoba pozitivna ili negativna i zadrzacemo onih 10
43 #obelezja sa najvecim koeficijentom korelacije
44
45 #% korelacija svih obelezja
46 pearson_R = covid.corr(method='pearson') #neophodno da prvo odredimo korelaciju
47 #preostalih obelezja, zatim da te vrednosti sortiramo, a onda da 10 obelezja sa
48 #najvecom korelacijom sacuvamo, a ostale odbacimo
49
50 correlation = pd. Series (pearson R. iloc [:, -1])
      correlation = correlation.sort values(ascending=True)
       print(correlation)
53
54 #izbacivanje obelezja sa najmanjom korelacijom
55
56 for i in range (0,8):
```

```
covid.pop(correlation.index[i])
57
58
59
    covid copy = covid.copy(deep = True)
    {\tt covid\_copy.pop('COVID-19')}
60
61
    pearson R = covid copy.corr(method='pearson')
62
63
    plt.figure()
64
    sb.heatmap(pearson R, annot=True) #prikaz 10 obelezja
    plt.show()
66
67
    spearman_R = covid_copy.corr(method='spearman')
    plt.figure()
68
    sb.heatmap(spearman R, annot=True) #prikaz 10 obelezja
70
    plt.show()
71
72 #% Information Gain
73
74
    def calculateInfoD(col):
75
        un = np.unique(col)
        infoD = 0
 76
 77
        for u in un:
 78
             p = sum(col = u)/len(col)
 79
             infoD = p*np.log2(p)
80
        return infoD
81
82
    klasa = covid.iloc[:, -1]
83
84
    infoD = calculateInfoD (klasa)
85
    print('Info(D) = ' + str(infoD))
86
87
    feature\_names = covid.columns
88
89 IG = np.zeros ((covid.shape [1]-1, 2))
    for ob in range (covid.shape [1]-1):
90
91
        f = np.unique(covid.iloc[:, ob])
92
        infoDA = 0
93
94
         for i in f:
             temp = klasa [covid.iloc[:, ob] == i]
95
96
             infoDi = calculateInfoD(temp)
97
             Di = sum(covid.iloc[:, ob] == i)
98
99
            D = len(covid.iloc[:, ob])
100
             infoDA += Di*infoDi/D
101
102
        IG[ob, 0] = ob+1
103
104
        IG[ob, 1] = infoD - infoDA
105
        print(str(feature_names[ob]) + 'IG = ' + str(IG[ob,1]))
106
107
        print('----')
108
    print('IG = \n' + str(IG))
109
110
    IGsorted = IG[IG[:, 1].argsort()]
111
    print ('Sortirano IG = \n' + str (IGsorted))
112
113 #%% LDA
114
```

```
115 sb.set(style = "darkgrid")
116
117 X pom = covid.iloc[:,:-1]
118 X = X \text{ pom} - \text{np.mean}(X \text{ pom}, axis = 0)
119 X /= np.max(X, axis = 0)
120
121 y = covid.iloc[:, -1]
122
123 X0 = X. loc [y==0,:]
124 X1 = X. loc [y==1,:]
125 M0 = X0.mean().values.reshape(X0.shape[1],1)
126 M1 = X1.mean().values.reshape(X1.shape[1],1)
127
    Sx0 = X0.cov()
128 \text{ Sx1} = \text{X1.cov}()
129 \ p0 = X0.shape[0]/X.shape[0]
130 p1 = X1.shape[0]/X.shape[0]
132 \text{ Sw} = p0*Sx0 + p1*Sx1
133 M = p0*M0 + p1*M1
    Sb = p0*(M0-M)@(M0-M).T + p1*(M1-M)@(M1-M).T
134
135
   Sm = Sw + Sb
136
137
   S1 = Sw
138 	ext{ S2} = 	ext{Sb}
139
140 S = np.linalg.inv(S1)@S2
    [eigval, eigvec] = np.linalg.eig(S)
141
142
143 ind = np.argsort(eigval)[::-1]
144
    eigval_sort = eigval[ind]
145
    eigvec_sort = eigvec[:,ind]
146
147 \#\% LDA - 2 dimenzije
148
149
    A = eigvec sort[:,:2]
150
    Y = A.T@X.T
151
    data LDA 2 = pd.DataFrame(data = Y.T)
152
    data LDA 2 = pd.concat([data LDA 2,y], axis = 1)
153
154
    data_LDA_2.columns = ['LDA1', 'LDA2', 'COVID19']
155
156
157
    plt.figure()
    sb.scatterplot(data = data LDA_2, x = 'LDA1', y = 'LDA2', hue = 'COVID19')
158
159
    plt.show()
160
161
    \#\% LDA -3 dimensije
162
163 A = eigvec_sort[:,:3]
164 Y = A.T@X.T
165
    data LDA 3 = pd. DataFrame(data = Y.T)
166
167
    data\_LDA\_3 = pd.concat([data\_LDA\_3, y], axis = 1)
168
    data_LDA_3.columns = ['LDA1', 'LDA2', 'LDA3', 'COVID19']
169
170
171
    fig = plt.figure()
    ax = fig.add subplot(111, projection='3d')
172
```

```
color map = plt.get cmap('spring')
    ax.scatter3D (data LDA 3.LDA1, data LDA 3.LDA2, data LDA 3.LDA3,
174
175
                    c=data LDA 3.COVID19, cmap = color map)
176
    ax.legend()
177
     plt.show()
178
179 \#\% LDA - 1 dimenzija
180
    A = eigvec sort[:,:1]
181
    Y = A.T@X.T
182
183
    data LDA 1 = pd.DataFrame(data = Y.T)
184
185
    data LDA 1 = pd.concat([data LDA 1,y], axis = 1)
186
187
    data LDA 1. columns = ['LDA1', 'COVID19']
188
     plt.figure()
189
    sb.scatterplot (data = data LDA 1, x = 'LDA1', y = 0, hue = 'COVID19')
190
191
     plt.show()
192
193 #%% PCA − 2 dimenzije
194
195 \text{ Sx} = \text{np.cov}(X.T)
196
    [eigval, eigvec] = np.linalg.eig(Sx)
197
    ind = np.argsort(eigval)[::-1]
198
199
    eigval = eigval[ind]
200
    eigvec = eigvec[:, ind]
201
202 A = eigvec[:, :2]
203 	ext{ Y} = A.T @ X.T
204 	ext{ Y} = 	ext{Y.T}
205\ PCA\_2 = pd.concat([Y\ ,\ y]\ ,\ axis = 1)
206 PCA_2. columns = ['PCA1', 'PCA2', 'COVID19']
207
208
     plt.figure()
    sb.scatterplot(data = PCA_2, x = 'PCA1', y = 'PCA2', hue = 'COVID19')
209
210
    plt.show()
211
212 #% Klasifikacija
213
214 data xy = data LDA 2.iloc[:,:-1]
    result = data\_LDA\_2.iloc[:,-1] \# COVID-19 DA/NE
216 K1 = data_xy.loc[result == 0, :] #prva klasa -> zdravi
217 K2 = data xy.loc[result == 1, :] #druga klasa -> bolesni
218 \text{ N1} = \text{len}(\text{K1})
219 \text{ N2} = \text{len}(\text{K2})
220
221 	ext{ x}11 = \text{np.array}(K1.LDA1)
222 	ext{ x}12 = 	ext{np.array}(	ext{K1.LDA2})
223 	ext{ } 	ext{x21} = 	ext{np.array} (	ext{K2.LDA1})
224 	ext{ x}22 = \text{np.array}(K2.LDA2)
225
226
   N1\_training = int(0.7*N1)
227 N2 training = int (0.7*N2)
    N1 \text{ test} = N1 - N1 \text{ training}
    N2 test = N2 - N2 training
229
230
```

```
231 #%% obucavanje/treniranje
232
233 x11 = np.zeros((N1 training, 1))
    x12 = np.zeros((N1 training, 1))
234
    x21 = np.zeros((N2 training, 1))
235
    x22 = np.zeros((N2\_training,1))
236
237
238
    for i in range (0, N1 \text{ training}):
239
         x11[i] = x11[i]. real
240
         x12[i] = x12_[i]. real
241
    for i in range (0, N2_training):
242
243
         x21[i] = x21_[i].real
244
         x22[i] = x22[i].real
245
246
    Z1 = \text{np.concatenate}((-x11**2, -x11*x12, -x12**2, -x11, -x12,
247
                            -\text{np.ones}((N1 \text{ training}, 1))), \text{ axis}=1)
248
    Z2 = np.concatenate((x21**2, x21*x22, x22**2, x21, x22,
249
                            np.ones((N2 training, 1))), axis=1)
250
    U = np.concatenate((Z1, Z2), axis=0).T
251
252
    \#Gama = np.ones(((N1\_training+N2\_training), 1))
253
    Gama = np.append(1*np.ones((N1\_training, 1)),
254
                        1*np.ones((N2 training, 1)), axis=0)
255
256 \text{ W} = \text{np.linalg.inv} (U@U.T)@U@Gama
257
258
    V0 = W[-1]
259
    V = np.array([W[3], W[4]])
    Q = np.array([[W[0], W[1]], [W[1], W[2]]])
260
261
262
    xrange = np. linspace (-6.0, 6.0, 100)
    yrange = np. linspace(-10.0, 10.0, 100)
264
    x, y = np. meshgrid (xrange, yrange)
265
266
    equation = V0 + V[0] * x + Q[0,0] * x * * 2 + 2 * Q[0,1] * x * y + Q[1,1] * y * * 2
267
268
    plt.figure()
    plt.plot(x11, x12, '.', label = 'zdravi')
269
    plt.plot(x21, x22, '.', label = 'bolesni')
271
    plt.legend()
    plt.contour(x,y,equation,[0])
272
273
    plt.show()
274
275 #% testiranje
276
277 	ext{ x11 } 	ext{t} = \text{np.zeros}((N1 	ext{ test}, 1))
278 x12 t = np.zeros((N1 test,1))
    x21 t = np.zeros((N2 test, 1))
    x22 t = np.zeros((N2 test, 1))
280
281
282
    for i in range (0, N1 \text{ test}):
283
         x11_t[i] = x11_N1_training + i].real
284
         x12_t[i] = x12_[N1_training + i].real
285
286
    for i in range (0, N2 test):
         x21 t[i] = x21 [N2 training + i].real
287
         x22 t[i] = x22 [N2 training + i]. real
288
```

```
289
290
    decision = np. zeros(((N1 test + N2 test), 1))
291
    conf mat = np.zeros((2,2))
292
    for i in range (N1 test):
293
        h = V0 + V[0]*x11 t[i] + Q[0,0]*x11 t[i]**2 + 2*Q[0,1]*x11 t[i]*x12 t[i]
294
295
        + Q[1,1]*x12 t[i]**2
296
         if h < 0:
297
             decision[i] = 0
298
         else:
299
             decision[i] = 1
300
301
    for i in range (N2 test):
302
        h = V0 + V[0] * x21 t[i] + Q[0,0] * x21 t[i] * *2 + 2 * Q[0,1] * x21 t[i] * x22 t[i]
303
        + Q[1,1]*x22 t[i]**2
304
        if h < 0:
             decision[N1\_test + i] = 0
305
306
         else:
307
             decision[N1 test + i] = 1
308
309 #% konfuziona matrica
310
311 \#Xtest = np.append(X1\_test, X2\_test, axis=0)
    \#Ytest = np.append(np.zeros((400, 1)), np.ones((400, 1)))
    Y test = np.append(np.zeros((N1 test,1)), np.ones((N2 test,1)), axis = 0)
313
314
    from sklearn.metrics import confusion_matrix
315
316
    conf mat = confusion matrix (Ytest, decision)
317
318
    plt.figure()
    sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
319
320
    plt.show()
321
322
    acc = np.trace(conf_mat)/np.sum(conf_mat)*100
    print ('Tacnost klasifikatora iznosi: ' + str(acc) + '%')
323
324
325 #%% Neuralne mreze
326
    X = data.drop('COVID-19', axis = 1)
327
328 Y = data.iloc[:,-1]
329
    X train, X test, Y train, Y test = train test split(X, Y,
330
331
                                                            train size = 0.7,
332
                                                            random state = 2)
333
334 #% jedan skriveni sloj sa 20 neurona
    model = Sequential()
    model.add(Dense(20, input dim = 20, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
337
338
339
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
340
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
341
342
    history = model.fit (X_train, Y_train, validation_data = (X_test, Y_test),
343
                         epochs = 100, verbose = 0
344
345
    , train acc = model.evaluate(X train, Y train, verbose = 0)
    print ('Train acc = ' + str(train acc*100) + '%')
346
```

```
347
348
     _{-}, test _{-}acc = model.evaluate(X_{-}test, Y_{-}test, verbose = 0)
    print('Test acc = ' + str(test_acc*100) + '%')
349
350
    Y_{pom} = model.predict(X_{test})
351
    Y_pred = 1*(Y_pom > 0.5)
352
    conf\_mat = confusion\_matrix(Y\_test, Y\_pred)
353
    sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
355
    plt.show()
356
357
    plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
358
    plt.plot(history.history['val_loss'])
360
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
361
362
    plt.show()
363
364 #% jedan skriveni sloj sa 10 neurona
    model = Sequential()
365
    model.add(Dense(10, input dim = 20, activation = 'relu'))
366
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
367
368
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
369
370
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
371
    history = model.fit (X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
372
373
                          epochs = 100, verbose = 0
374
375
    _, train_acc = model.evaluate(X_train, Y_train, verbose = 0)
376
    print('Train acc = ' + str(train_acc*100) + '\%')
377
    \_, test\_acc = model.evaluate(X_{test}, Y_{test}, verbose = 0)
378
379
    print('Test acc = ' + str(test acc*100) + '\%')
380
381 Y pom = model.predict(X test)
382
    Y \text{ pred} = 1*(Y \text{ pom} > 0.5)
383
    conf_mat = confusion_matrix(Y_test, Y_pred)
    \verb|sb.heatmap|(conf_mat|, annot=True|, fmt='g'|, cbar=False|)
384
385
    plt.show()
386
387
    plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
388
    plt.plot(history.history['val loss'])
389
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
390
391
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
392
    plt.show()
393
394 #% jedan skriveni sloj sa 3 neurona
395
    model = Sequential()
    model.add(Dense(3, input dim = 20, activation = 'relu'))
396
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
397
398
399
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
400
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
401
402
    history = model.fit(X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
                          epochs = 100, verbose = 0
403
404
```

```
405 , train acc = model.evaluate(X train, Y train, verbose = 0)
406 print ('Train acc = ' + str (train acc *100) + '%')
407
    _{-}, test_acc = model.evaluate(X_test, Y test, verbose = 0)
408
    print ('Test acc = ' + str(test acc *100) + '%')
409
410
411 Y pom = model.predict(X test)
    Y \text{ pred} = 1*(Y \text{ pom} > 0.5)
    conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
    sb.heatmap(conf_mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
415
    plt.show()
416
417
    plt.figure()
418
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val loss'])
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
422
    plt.show()
423
   #% jedan skriveni sloj sa 500 neurona
424
    model = Sequential()
425
426
    model.add(Dense(500, input_dim = 20, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
427
428
    model.compile(loss = 'binary crossentropy',
429
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
430
431
    history = model.fit (X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
432
433
                          epochs = 100, verbose = 0
434
435
    _, train_acc = model.evaluate(X_train, Y_train, verbose = 0)
436
   print('Train acc = ' + str(train acc*100) + '\%')
437
438
    \_, test\_acc = model.evaluate(X\_test,Y\_test, verbose = 0)
    \overline{\text{print}(\text{'Test acc} = ' + \text{str}(\text{test acc}*100) + '\%')}
439
440
441 Y_pom = model.predict(X_test)
    Y_pred = 1*(Y_pom > 0.5)
    conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
    sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
445
    plt.show()
446
447
    plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
448
    plt.plot(history.history['val loss'])
449
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
    plt.show()
452
453
454
   #% dva skrivena sloja sa 20 i 15 neurona
455
    model = Sequential()
456
    model.add(Dense(20, input_dim = 20, activation = 'relu'))
457
    model.add(Dense(15, activation = 'relu'))
458
459
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
460
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
461
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
462
```

```
463
    history = model.fit (X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
464
465
                         epochs = 100, verbose = 0
466
    _, train_acc = model.evaluate(X_train, Y train, verbose = 0)
467
    print ('Train acc = ' + str(train acc *100) + '%')
468
469
470
    , test acc = model.evaluate(X test, Y test, verbose = 0)
   print('Test acc = ' + str(test acc*100) + '%')
472
    Y_{pom} = model.predict(X_{test})
473
    Y_{pred} = 1*(Y_{pom} > 0.5)
474
    conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
    sb.heatmap(conf_mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
477
    plt.show()
478
479
    plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val_loss'])
481
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
482
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
483
484
    plt.show()
485
486 #% dva skrivena sloja sa 20 i 10 neurona
487
    model = Sequential()
488
    model.add(Dense(20, input dim = 20, activation = 'relu'))
489
    model.add(Dense(10, activation = 'relu'))
490
491
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
492
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
493
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
494
495
    history = model.fit(X_train, Y_train, validation_data = (X_test, Y_test),
496
497
                         epochs = 100, verbose = 0)
498
499
    _, train_acc = model.evaluate(X_train, Y_train, verbose = 0)
500
   print('Train acc = ' + str(train acc*100) + '\%')
501
    \_, test\_acc = model.evaluate(X\_test,Y test, verbose = 0)
502
   print('Test acc = ' + str(test acc*100) + '\%')
503
504
505
    Y pom = model.predict(X test)
    Y_{pred} = 1*(Y_{pom} > 0.5)
506
507
    conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
    sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
509
    plt.show()
510
511
    plt.figure()
512
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val_loss'])
513
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
514
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
515
516
    plt.show()
517
518 #% dva skrivena sloja sa 20 i 5 neurona
519
520 model = Sequential()
```

```
model.add(Dense(20, input dim = 20, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(5, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
523
524
    model.compile(loss = 'binary crossentropy',
525
526
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
527
528
    history = model.fit (X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
529
                         epochs = 100, verbose = 0
530
531
    _, train_acc = model.evaluate(X_train, Y_train, verbose = 0)
    print('Train acc = ' + str(train_acc*100) + '%')
532
533
534
     _{\text{.}}, test_acc = model.evaluate(X_test, Y_test, verbose = 0)
    print ('Test acc = ' + str(test acc *100) + '%')
535
536
537 Y pom = model.predict(X test)
    Y_pred = 1*(Y_pom > 0.5)
    conf_mat = confusion_matrix(Y_test, Y_pred)
539
    sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
    plt.show()
541
542
543
    plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val loss'])
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
547
548
    plt.show()
549
550 #% dva skrivena sloja sa 10 i 3 neurona
551
552 model = Sequential()
    model.add(Dense(10, input dim = 20, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(3, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
555
556
557
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
558
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
559
560
    history = model.fit (X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
561
                         epochs = 100, verbose = 0
562
    , train acc = model.evaluate(X train, Y train, verbose = 0)
563
    print('Train acc = ' + str(train_acc*100) + '\%')
564
565
    , test acc = model.evaluate(X test, Y test, verbose = 0)
566
567
   print('Test acc = ' + str(test acc*100) + '\%')
569 Y pom = model.predict(X test)
570 Y pred = 1*(Y pom > 0.5)
    conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
    sb.heatmap(conf_mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
572
573
    plt.show()
574
   plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val loss'])
577
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
578
```

```
plt.title('Kriterijumska funkcija')
579
    plt.show()
580
581
582
   #% dva skrivena sloja sa 1000 i 1000 neurona
583
    model = Sequential()
584
    model.add(Dense(1000, input dim = 20, activation = 'relu'))
585
    model.add(Dense(1000, activation = 'relu'))
586
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
587
588
    model.compile(loss = 'binary_crossentropy',
589
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
590
591
592
    history = model.fit(X_train, Y_train, validation_data = (X_test, Y_test),
                          epochs = 100, verbose = 0
593
594
     _{	ext{.}}, train _{	ext{acc}} = model.evaluate (X_{	ext{.}}train, Y_{	ext{.}}train, verbose = 0)
595
    print ('Train acc = ' + str(train acc*100) + '%')
596
597
    _{-}, test_acc = model.evaluate(X_test, Y_test, verbose = 0)
598
599
    print('Test acc = ' + str(test_acc*100) + '\%')
600
601 \quad Y_pom = model.predict(X_test)
602 \text{ Y pred} = 1*(\text{Y pom} > 0.5)
   conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
   sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
604
605
    plt.show()
606
607
    plt.figure()
608
    plt.plot(history.history['loss'])
    plt.plot(history.history['val_loss'])
609
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
612
    plt.show()
613
614 #% zastita od preobucavanja - regularizacija
615
616
    model = Sequential()
    model.add(Dense(1000, input dim = 20, activation = 'relu',
617
618
                      kernel regularizer=12 (0.0001)))
619
    model.add(Dense(1000, activation = 'relu',
                      kernel regularizer=12(0.0001)))
620
621
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
622
623
    model.compile(loss = 'binary crossentropy',
624
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
625
626
    history = model. fit (X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
                          epochs = 100, verbose = 0
627
628
629
    \_, train \_acc = model.evaluate (X\_train, Y\_train, verbose = 0)
    print ('Train acc = ' + str(train acc *100) + '%')
630
631
    _, test_acc = model.evaluate(X_test, Y_test, verbose = 0)
632
633
   print('Test acc = ' + str(test acc*100) + '\%')
634
635
    plt.figure()
636 Y pom = model.predict(X test)
```

```
637 Y pred = 1*(Y pom > 0.5)
638 conf mat = confusion matrix (Y test, Y pred)
    sb.heatmap(conf mat, annot=True, fmt='g', cbar=False)
640
    plt.show()
641
642
    plt.figure()
643
    plt.plot(history.history['loss'])
644
    plt.plot(history.history['val loss'])
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
646
    plt.show()
647
648
649 #% zastita od preobucavanja — rano zaustavljanje
650
651 model = Sequential()
    model.add(Dense(1000, input dim = 20, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(1000, activation = 'relu'))
    model.add(Dense(1, activation = 'sigmoid'))
654
655
    model.compile(loss = 'binary crossentropy',
656
                   optimizer = 'adam', metrics = ['accuracy'])
657
658
    es = EarlyStopping(monitor='val loss', mode='min', patience=5, verbose=1)
659
660
    history = model.fit(X train, Y train, validation data = (X test, Y test),
661
662
                          callbacks = [es], epochs = 200, verbose = 1)
663
    _{-}, train _{-}acc = model.evaluate(X_{-}train, Y_{-}train, verbose = 0)
664
665
    print('Train acc = ' + str(train_acc*100) + '\%')
666
667
    _, test_acc = model.evaluate(X_test, Y_test, verbose = 0)
668
   print('Test acc = ' + str(test acc*100) + '%')
669
670 plt.figure()
671 Y pom = model.predict(X test)
    Y \text{ pred} = 1*(Y \text{ pom} > 0.5)
673
    conf_mat = confusion_matrix(Y_test, Y_pred)
    \verb|sb.heatmap|(conf_mat|, annot=True|, fmt='g'|, cbar=False|)
674
    plt.show()
675
676
677 plt.figure()
    plt.plot(history.history['loss'])
678
    plt.plot(history.history['val loss'])
679
    plt.legend(["Trening skup", "Validacioni skup"])
681
    plt.title('Kriterijumska funkcija')
682
    plt.show()
```