

3. DN - Bayesova Statistika: Primer hierarhičnega modela z Gibbsovim vzorcevalnikom

Jan Črne

Hierarhični model iz 6. sklopa posplošimo tako, da dovolimo različne variance skupin σ_j^2 , ki so neodvisno enako porazdeljene z inverzno gama porazdelitvijo s parametri, za katere določimo neko hiperapriorno porazdelitev. Natančneje:

Variabilnost znotraj skupine (*within-group sampling variability*):

$$(X_{1,j}, \dots, X_{n_j,j}) \mid \mu_j, \sigma_j^2 \sim \text{n.e.p. } N(\mu_j, \sigma_j^2)$$

Variabilnost med skupinami (*between-group sampling variability*):

$$(\mu_1, \dots, \mu_m) \mid \mu, \eta^2 \sim \text{n.e.p. } N(\mu, \eta^2), \quad \text{tj. enako kot prej;}$$

$$(\sigma_1^2, \dots, \sigma_m^2) \mid \sigma_0^2, \nu_0 \sim \text{n.e.p. Inv-Gama}(\nu_0/2, \sigma_0^2 \nu_0/2).$$

Hiperapriorne porazdelitve $\mu, \eta^2, \sigma_0^2, \nu_0$ naj bodo neodvisne. Hiperapriorna porazdelitev μ in η^2 naj bo enaka kot prej. Hiperapriorna porazdelitev za σ_0^2 naj bo:

$$\sigma_0^2 \sim \text{Gama}(a, b), \quad \text{kjer vzamemo } a = 2, b = 1/10;$$

Hiperapriorna porazdelitev za ν_0 naj bo diskretna z vrednostmi $k \in \{1, 2, \dots\}$, za katero velja $P(\nu_0 = k) \propto e^{-\alpha k}$, kjer vzamemo $\alpha = 2$.

Za uporabo Gibbsovega vzorcevalnika potrebujemo pogojne porazdelitve (hiper)parametrov. Hiperparametra μ in η^2 imata enako pogojno porazdelitev kot prej. Pri pogojni porazdelitvi za μ_j moramo v prejšnji formuli nadomestiti σ^2 z σ_j^2 , tj.

$$\mu_j \mid \text{vse ostalo} \sim N \left(\frac{\bar{x}_{.j} n_j / \sigma_j^2 + \mu / \eta^2}{n_j / \sigma_j^2 + 1 / \eta^2}, [n_j / \sigma_j^2 + 1 / \eta^2]^{-1} \right).$$

Z uporabo izpeljav pri normalnem modelu lahko izpeljemo, da za vsak j velja

$$\sigma_j^2 \mid \text{vse ostalo} \sim \text{Inv-Gama} \left(\frac{\nu_0 + n_j}{2}, \frac{\nu_0 \sigma_0^2 + \sum_{i=1}^{n_j} (x_{i,j} - \mu_j)^2}{2} \right).$$

Izpeljemo lahko

$$\sigma_0^2 \mid \text{vse ostalo} \sim \text{Gama} \left(a + \frac{m\nu_0}{2}, b + \frac{\nu_0}{2} \sum_{j=1}^m (1/\sigma_j^2) \right).$$

Za pogojno porazdelitev ν_0 lahko pokazemo, da je za vsak $k \in \{1, 2, \dots\}$

$$P(\nu_0 = k \mid \text{vse ostalo}) \propto \left(\frac{(k\sigma_0^2/2)^{k/2}}{\Gamma(k/2)} \right)^m \left(\prod_{j=1}^m (1/\sigma_j^2) \right)^{k/2-1} \exp \left(-k \left(\alpha + \frac{1}{2} \sigma_0^2 \sum_{j=1}^m (1/\sigma_j^2) \right) \right). \quad (1)$$

Iz te porazdelitve lahko vzorcimo, ce se omejimo na velik izbor $k \in \{1, 2, \dots, k_{\max}\}$, za te k izracunamo zgornji izraz in nato vzorcimo ν_0 iz množice $\{1, 2, \dots, k_{\max}\}$ z utezmi (1). To je bolje narediti na log skali in na koncu uteži “preskalirati”. V pomoč pri vzorcenju iz te porazdelitve vam je lahko naslednja koda v R:

Vasa naloga je, da za opisani hierarhični model z različnimi variancami po skupinah vzorcite aposteriorno porazdelitev parametrov s pomočjo Gibbsosovega vzorcevalnika. To naredite tako, da ustrezno predrugacite prejšno kodo Gibbsosovega vzorcevalnika za hierarhični model z enakimi variancami.

1 Podatki

V raziskavi *Educational Longitudinal Study (ELS)* iz leta 2002 so preucevali rezultate testov ucencev ameriskih srednjih sol. Podane imamo rezultate matematičnih testov ucencev 10. razreda iz 100 javnih srednjih sol (velike sole z vsaj 400 ucenti 10. razreda, urbano okolje).

Za vsakega ucenta imamo podano solo in rezultat matematičnega testa – nasi podatki so torej vecnivojski/hierarhični.

Rezultati matematičnega testa so del nacionalnega preverjanja znanja, ki naj bi bil konstruiran tako, da je pričakovana vrednost enaka 50 in standardni odklon 10.

Oglejmo si podatke.

```
source("podatki_sole.R")
str(pod)
```

```
## 'data.frame':    1993 obs. of  2 variables:
## $ school      : int  1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ mathscore: num  52.1 57.6 66.4 44.7 40.6 ...
```

```
library(dplyr)
# Preureditev podatkov:
pod.sole <- pod %>%
```

```
group_by(school) %>%
  summarise(povprecje = mean(mathscore),
            n=length(mathscore),
            varianca = var(mathscore))
```

2 Preurejen Gibbsov vzorčevalnik

```
### Parametri (hiper)apriornih porazdelitev (enako kot prej)
sigma20 = 100
nu0 = 1
eta20 = 100
kappa0 = 1
mu0 = 50
tau20 = 25

### Pripravimo si kolicine, ki jih bomo potrebovali iz podatkov
x = pod
m = length(pod.sole$school)
n = pod.sole$n
x.povpr = pod.sole$povprecje
# NA NOVO
x.var <- pod.sole$varianca # variance posameznih šol, sedaj te podatke rabimo

# NA NOVO
# za variance posameznih šol
a <- 2 # parameter za gama porazdeljeno sigma2
b <- 1/10 # parameter za gama porazdeljeno sigma2
alpha <- 2 # parameter za diskretno porazdeljeni nu0
k.max <- 1000 # izberemo si neko dovolj veliko vrednost za verjetnost
               # iz katere se bomo vzorčili nu0

### Dolocimo si zacetne vrednosti
muGroups = x.povpr
sigma2Groups = x.var #sedaj za vsako šolo rabimo svojo začetno vrednost variance
mu = mean(muGroups)
eta2 = var(muGroups)

### Pripravimo si prostor za shranjevanje
n.iter = 5000

muGroups.all = matrix(nrow = n.iter, ncol = m)
sigma2Groups.all = matrix(nrow = n.iter, ncol = m) #za shranjevanje varianc
```

```

sigma20.all = rep(NA, n.iter)
mu.all = rep(NA, n.iter)
eta2.all = rep(NA, n.iter)
nu0.all = rep(NA, n.iter) # za shranjevanje nu0

### Na prvo mesto si shranimo zacetne vrednosti (nepotrebno)
muGroups.all[1, ] = muGroups
sigma2Groups.all[1] = sigma2Groups
mu.all[1] = mu
eta2.all[1] = eta2

sigma20.all[1] = sigma20 #zac. vr za sigma0
sigma2Groups.all[1,] = sigma2Groups #zac. vrednosti za sigme
nu0.all[1] = nu0 #zac. vr. za nu0

### Pozenemo Gibbsov vzorcevalnik
set.seed(1)
for (s in 1:n.iter) {
  ### Vzorcimo muGroups (sigma2 smo zamenjali s sigma2Groups[j])
  for (j in 1:m) {
    muGroups[j] = rnorm(1,
                        mean = (x.povpr[j] * n[j] / sigma2Groups[j] + mu / eta2) /
                        (n[j] / sigma2Groups[j] + 1 / eta2),
                        sd = sqrt(1 / (n[j] / sigma2Groups[j] + 1 / eta2)))
  }

  # Vzorcimo sigma2_j (NOVO)
  for (j in 1:m) {
    sigma2Groups[j] <- 1 / rgamma(1, (nu0 + n[j]) / 2,
                                (nu0*sigma20 +
                                 sum((x[x[, 1] == j, 2] - muGroups[j])^2))/2)
  }

  # Vzorcimo sigma20 (hiperparameter) (gamma porazdeljen)
  sigma20 <- rgamma(1, a + m*nu0/2, b + nu0/2*sum(1/sigma2Groups))

  ### Vzorcimo mu
  mu = rnorm(1, mean = (mean(muGroups) * m / eta2
                        + nu0 / tau20) / (m / eta2 + 1 / tau20), sd = sqrt(1 / (m / eta2
  + 1 / tau20)))

  ### Vzorcimo eta2
  ss = kappa0 * eta20 + sum((muGroups - mu)^2)
  eta2 = 1 / rgamma(1, (kappa0 + m) / 2, ss / 2)

```

```

# Vzorčimo nu0 (NOVO)
k <- 1:k.max
logp.nu0 <- m * (0.5 * k * log(k*sigma20/2) - lgamma(k/2)) +
  (k/2-1) * sum(log(1/sigma2Groups)) +
  - k * (alpha + 0.5 * sigma20 * sum(1/sigma2Groups))
nu0 <- sample(k, 1, prob = exp(logp.nu0 - max(logp.nu0)))

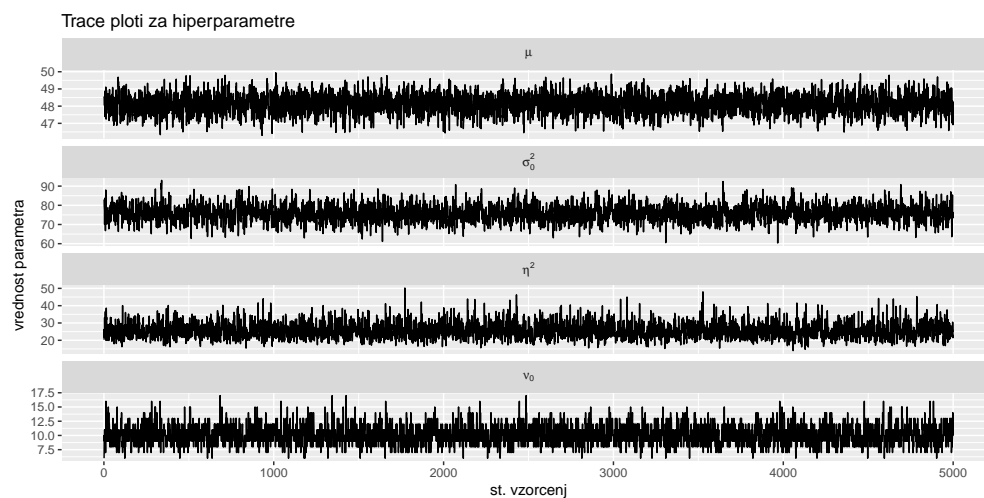
### Shranimo nove parametre
muGroups.all[s, ] = muGroups
sigma2Groups.all[s, ] = sigma2Groups # za shranjevanje sigma_j
mu.all[s] = mu
eta2.all[s] = eta2
sigma20.all[s] = sigma20 # za shranjevanje sigma0 (hiperparameter)
nu0.all[s] = nu0 # za shranjevanje nu0
}

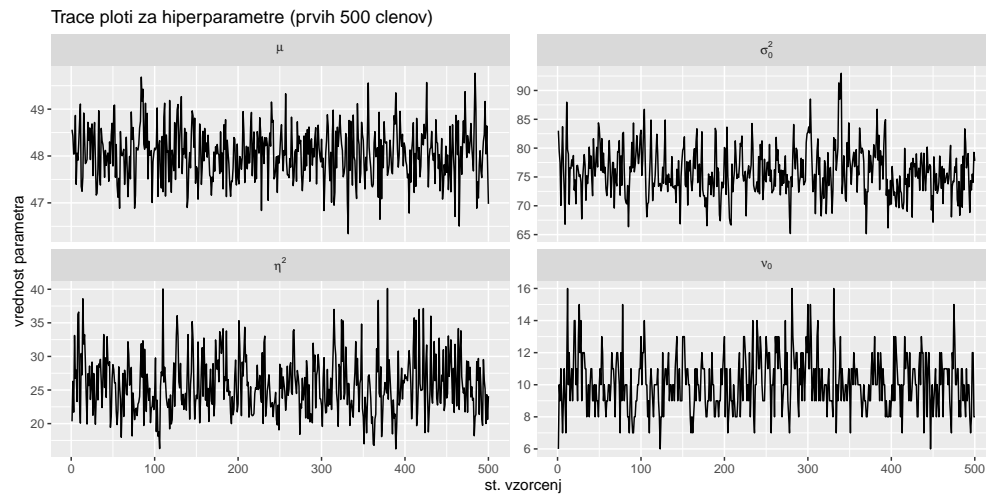
```

3 Preucevanje konvergence

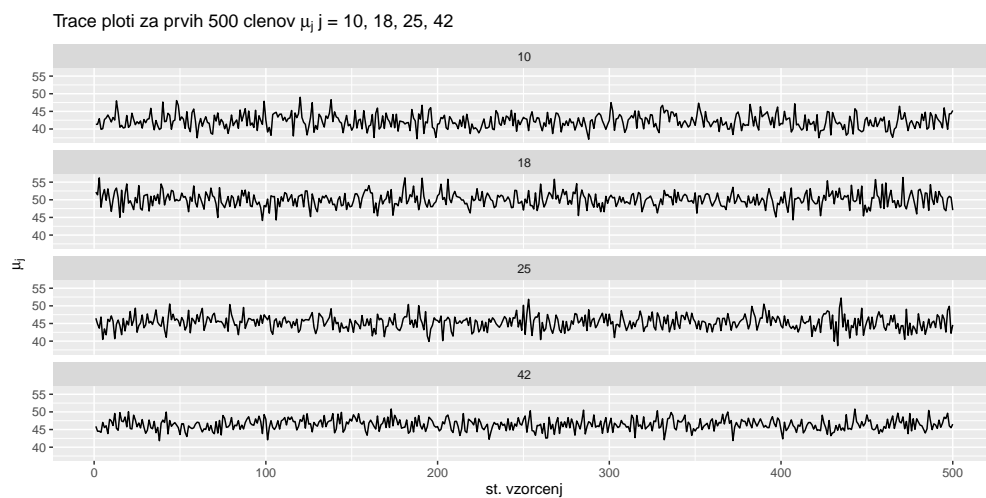
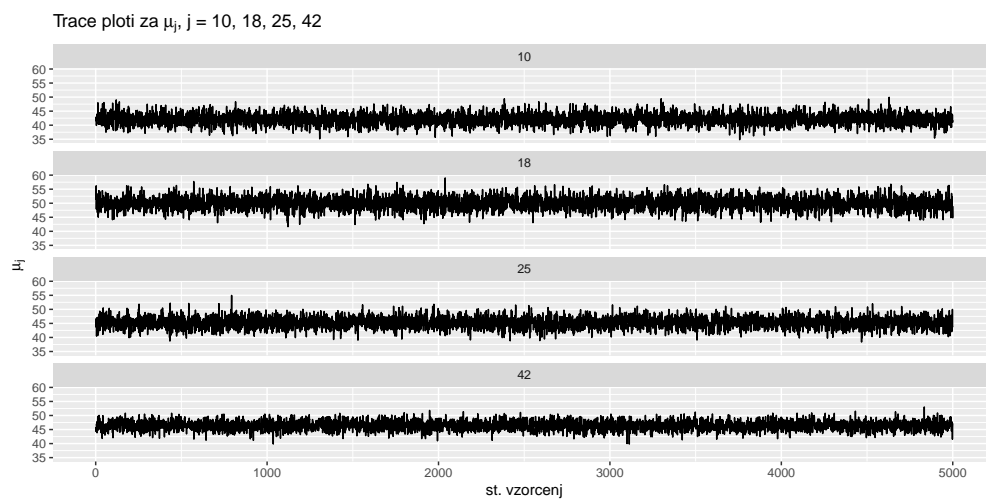
Uporabite zadostno stevilo iteracij in ustrezen *burn-in*. Za dobljeni vzorec preucite konvergenco, tako da sledite korakom v sklopu 6. (*trace plots*, porezdelitve podvzorcev, avtokorelacije, *effective sample size*.) Slednje naredite za vse hiperparametre in nekaj “ne-hiperparametrov”. Pri tem tudi komentirajte konvergenco.

3.1 Trace plots

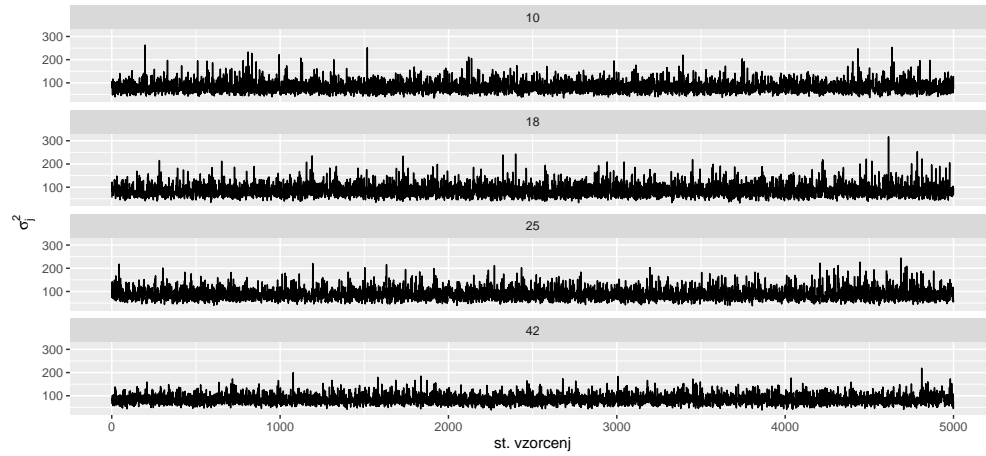




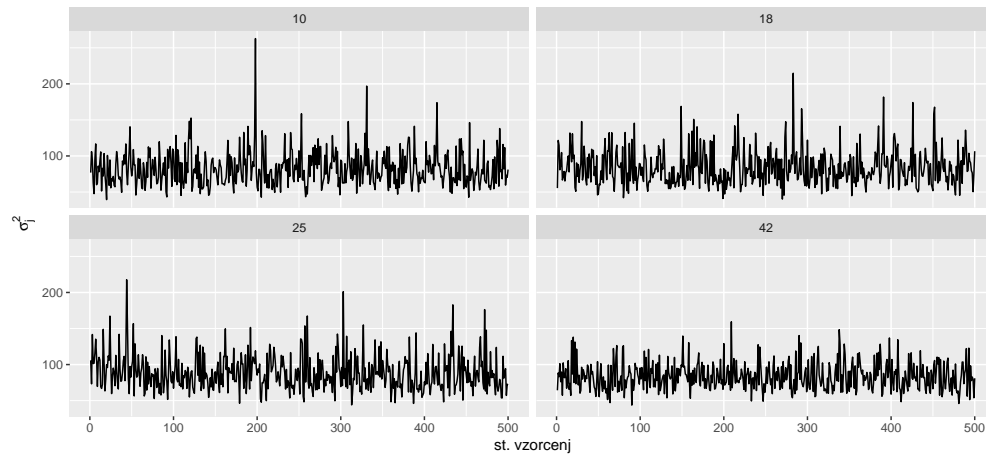
Konvergenca izgledajo dobro, burn-in del ni viden.



Trace ploti za σ_j^2 j = 10, 18, 25, 42

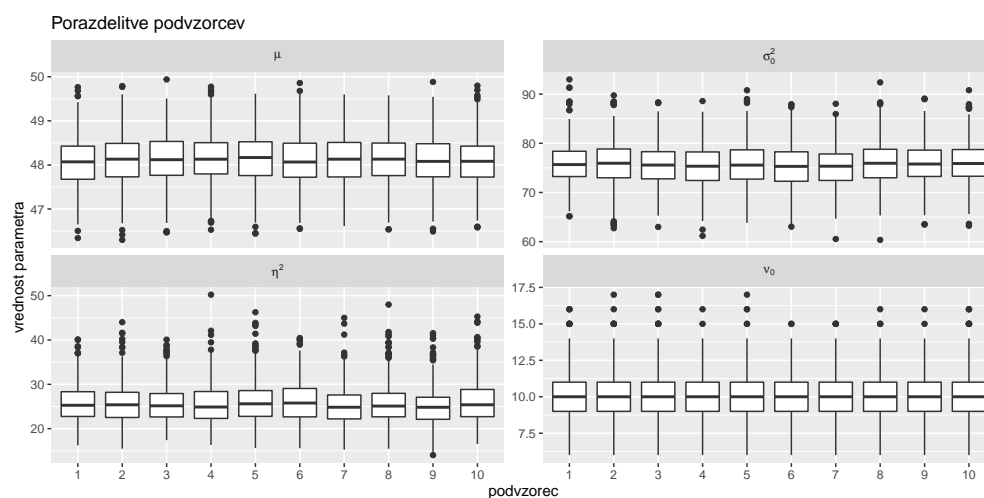
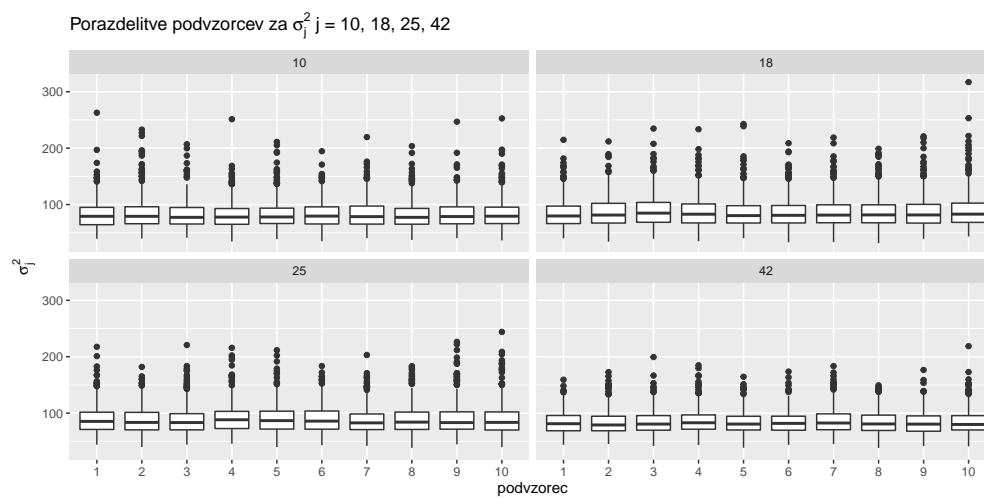
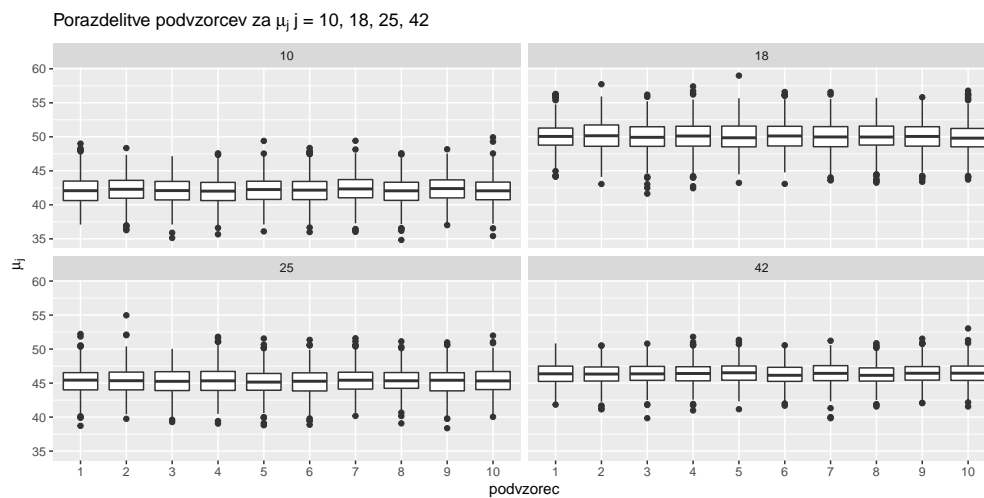


Trace ploti za prvih 500 členov σ_j^2 j = 10, 18, 25, 42



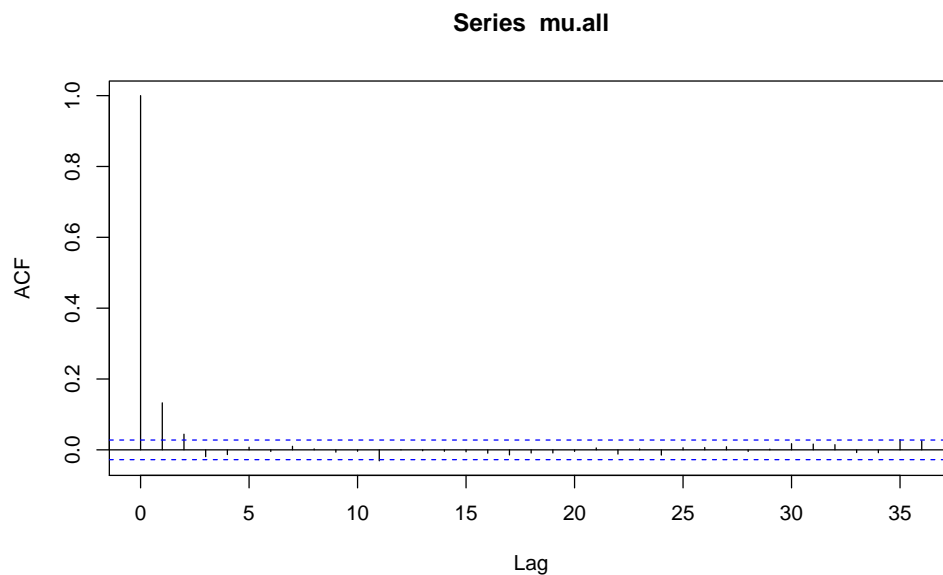
Konvergence izgledajo vredno, prav tako ni vidne potrebe po kakršnemkoli burn-in parametru. Med šolami se podatki pričakovano nekoliko razlikujejo tako v povprečjih kot v variancah.

3.2 Porazdelitev podvzorcev

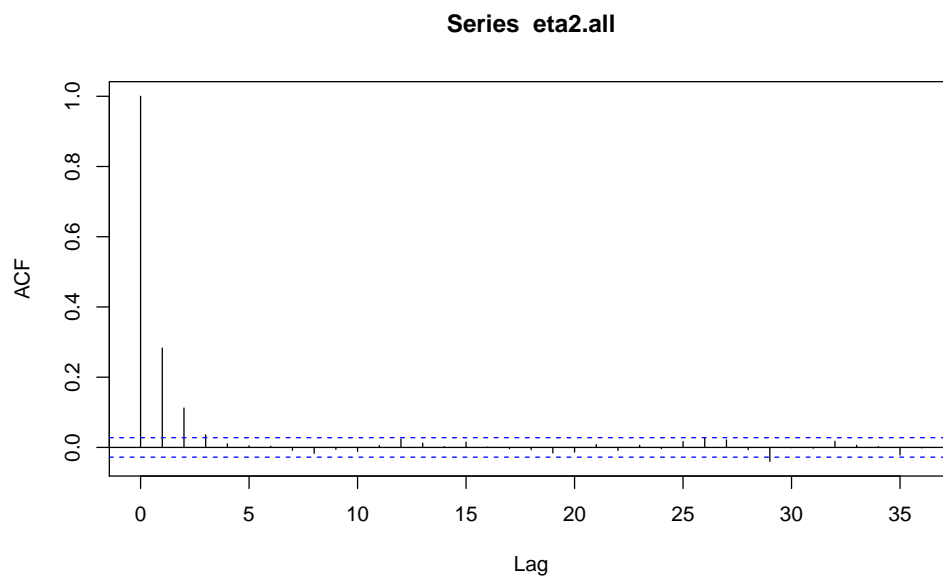


3.3 Avtokorelacije

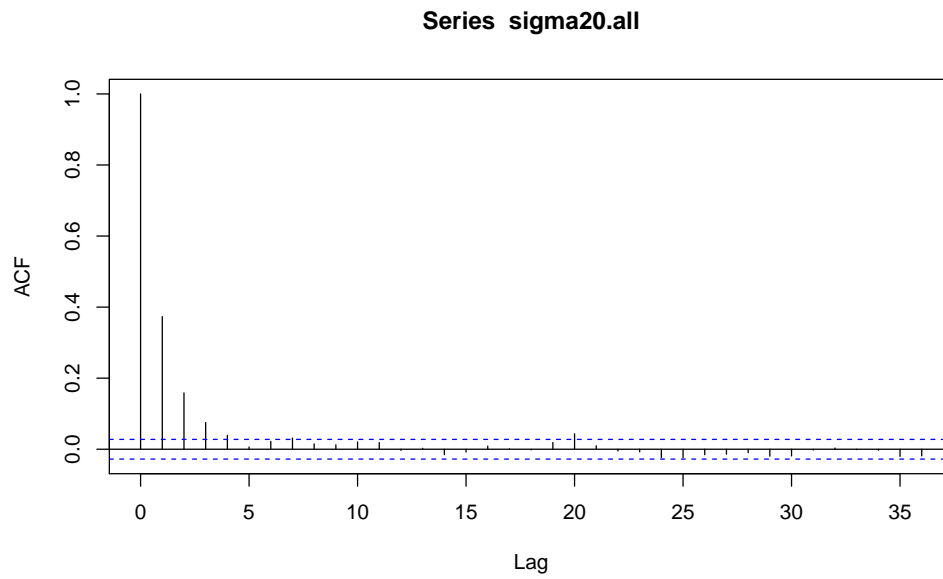
Po domače je avtokorelacija meritev povezave med trenutno vrednostjo slučajne spremenljivke in preteklimi vrednostmi. V naši nalogi si za njeno računanje pomagamo kar z vgrajeno funkcijo `acf`.



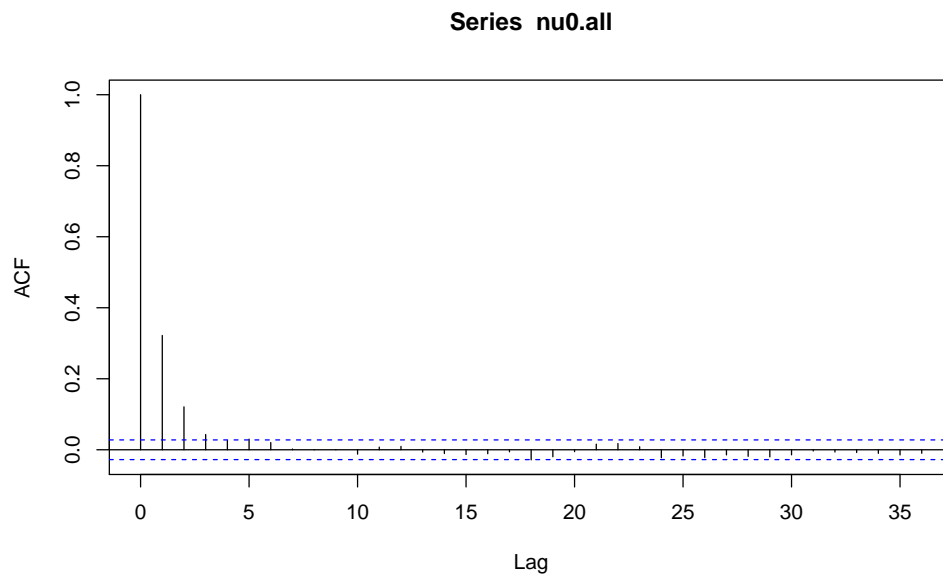
```
## [1] 1.000000000 0.132659758 0.044169347 -0.019126059 -0.013330591  
## [6] 0.007427838
```



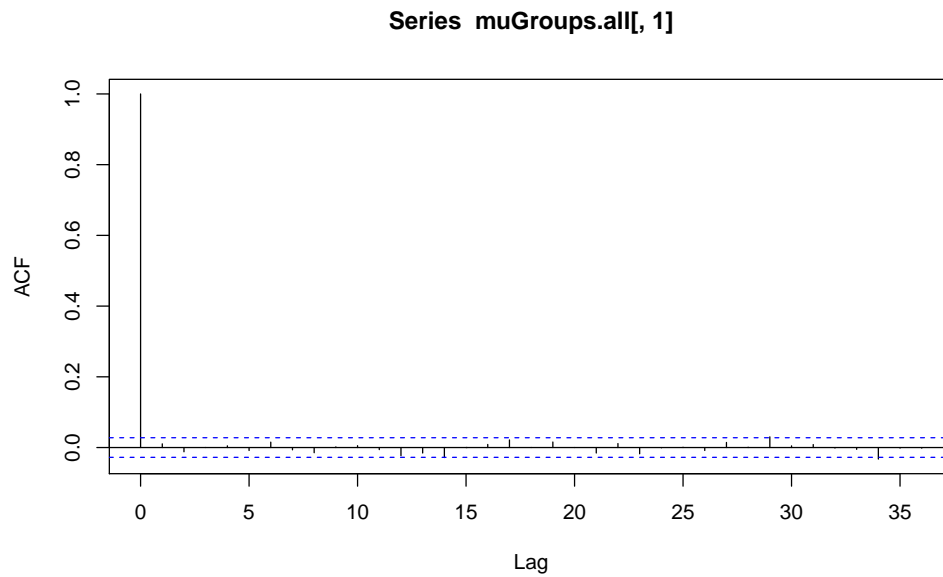
```
## [1] 1.000000000 0.282943265 0.112188187 0.035653575 0.010443963 0.004737707
```



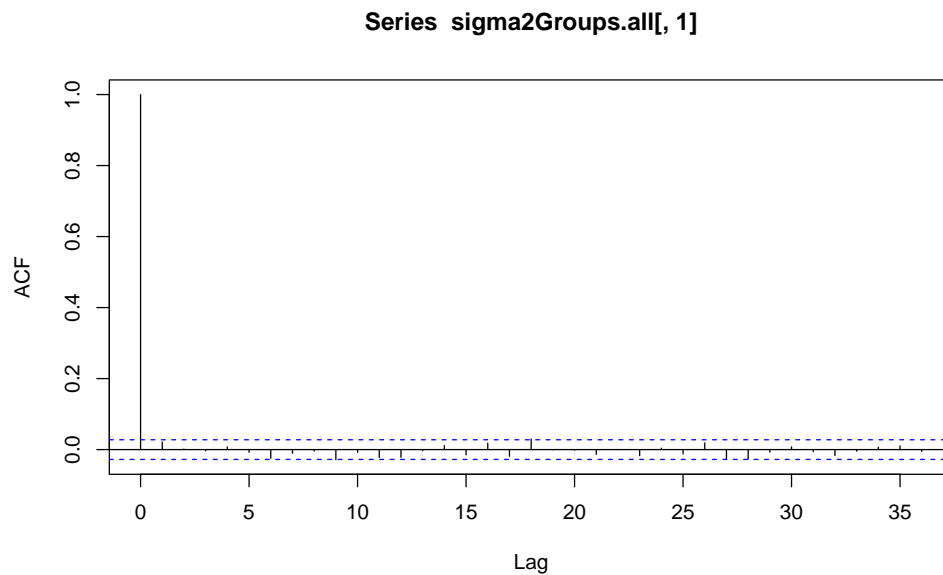
```
## [1] 1.000000000 0.373281669 0.158566687 0.075177602 0.038909983 0.006385229
```



```
## [1] 1.000000000 0.32203534 0.12089819 0.04291857 0.02625595 0.02995445
```



```
## [1] 1.0000000000 0.0104428696 -0.0120241511 0.0001737185 0.0048183359
## [6] -0.0084219244
```



```
## [1] 1.0000000000 0.021465531 0.001609685 -0.003247028 0.007603028
## [6] -0.007534900
```

Pri zamiku (*lag*) 1 dobimo po definiciji avtokorelacijo 1, za kasnejše pa si želimo, da so čim bližje 0 (kar pričakujemo pri n.e.p. vzorcu). Pri vzorcu dobljenim z MCMC metodami bo prisotna avtokorelacija, ki pa se z zamikom (*lag*) zmanjšuje (odvisnost neke vrednosti od vrednosti iz enega koraka nazaj je največja, iz dveh korakov nazaj malo manjša, itd.).

Kako lahko približno izračunamo avtokorelacijo z zamikom 1? Ta izračun, analogen 6. nalogi, je ustrezen za parameter μ . S spodnjim izračunom preverimo, da sta dejanska in približno izračunana vrednost (relativno) blizu.

```
## [1] 0.1326694
```

```
## [1] 0.1326598
```

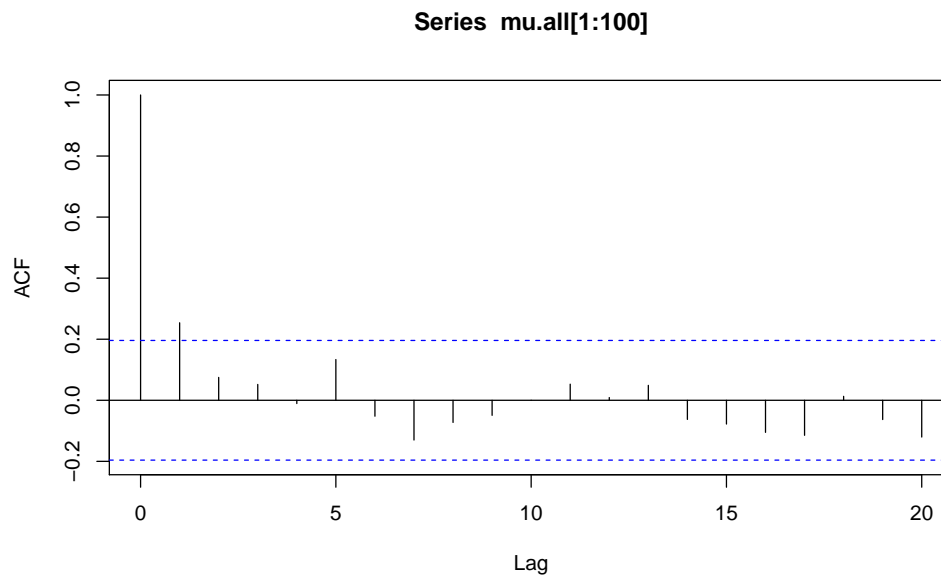
Podobne obravnave bo deležen le še hiperparameter ν_0 zaradi podobnosti računanj avtokorelacij z različnimi zamiki. Oglejmo si še zamik za 3.

```
## [1] 0.04297548
```

```
## [1] 0.04291857
```

Velja omeniti še obravnavo prvih nekaj členov markovske verige, ki smo jo simulirali s splošnim Gibbsovim vzorčevalnikom. Zamakne se meja na grafih avtokorelacije glede na prejšnji primer.

```
acf(mu.all[1:100]) #za prvih 100 iteracij
```



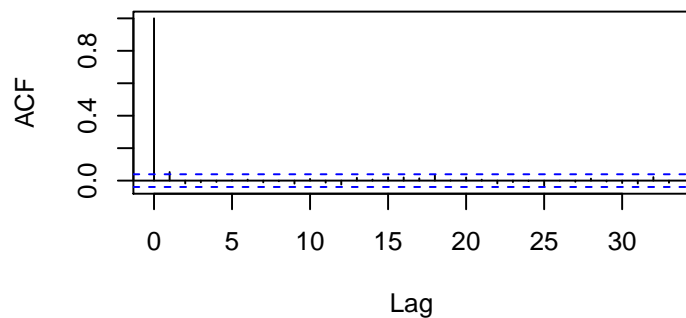
Kaj predstavljata crti?

$\pm 1.96/\sqrt{N}$, N stevilo iteracij – avtokorelacije izven območja so statistično znailno različne od 0 (oz. le 5% jih lahko pričakujemo *nekoliko* izven pri n.e.p. vzorcu).

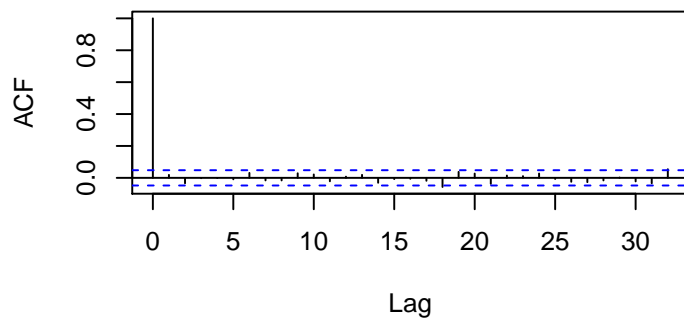
Kaj se v našem primeru zgodi z avtokorelacijami, ce v zaporedju izbrisemo vsakega drugega (uporabimo *thinning*)?

Specificiramo dva primera za oba parametra, ki smo ju podrobneje obravnavali že zgoraj: ν_0 in μ .

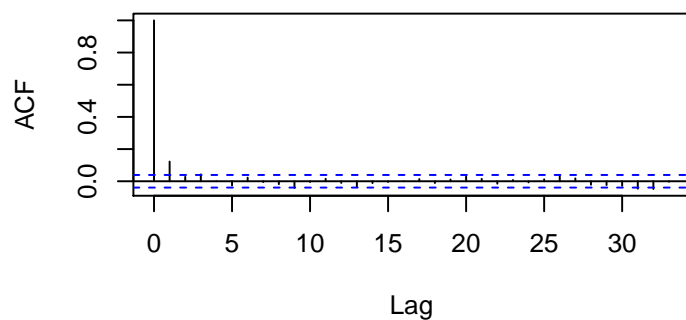
Thinning (vsak drugi) za μ



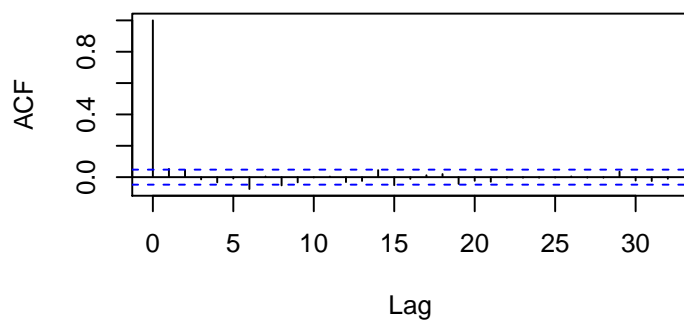
Thinning (vsak tretji) za μ



Thinning (vsak drugi) za ν_0

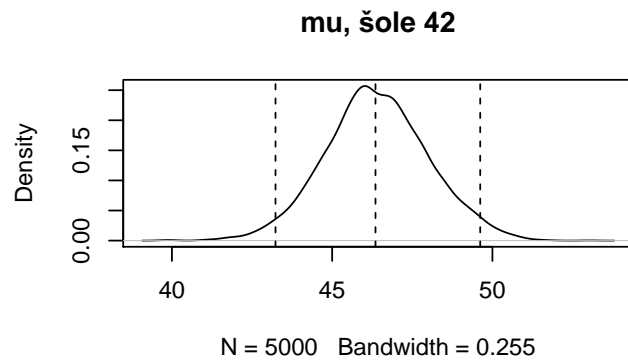
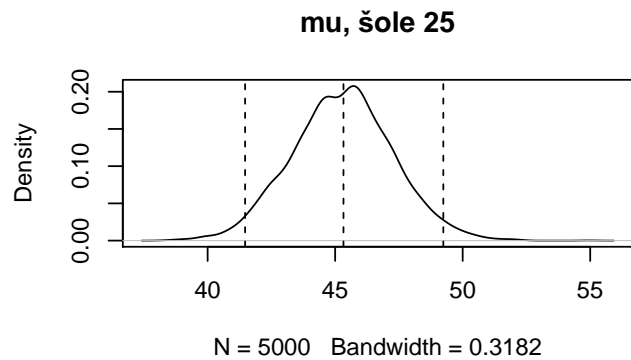
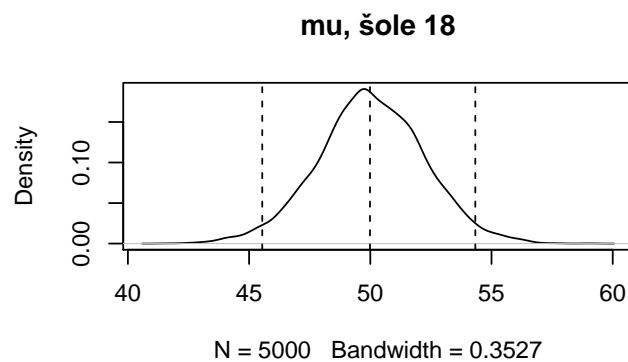
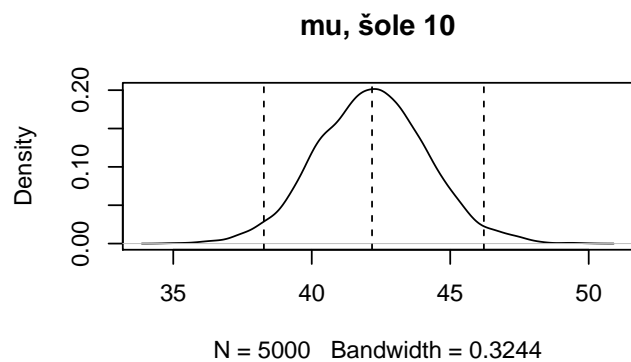
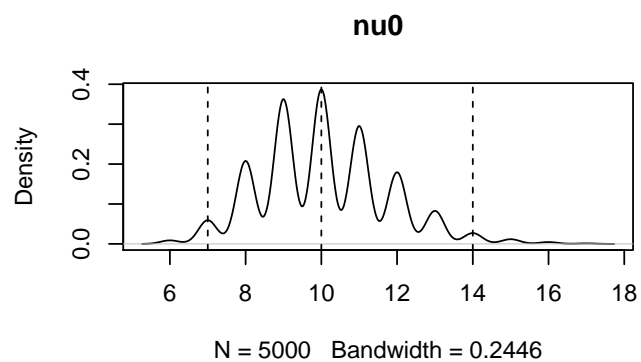
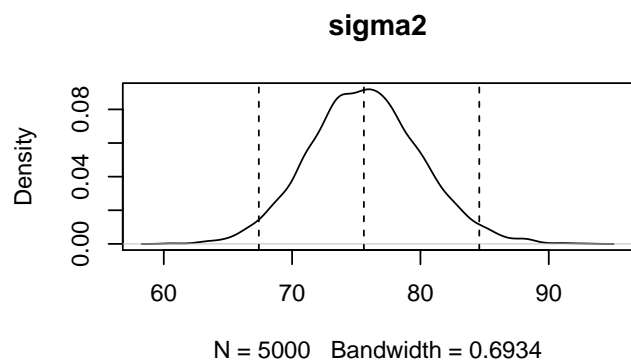
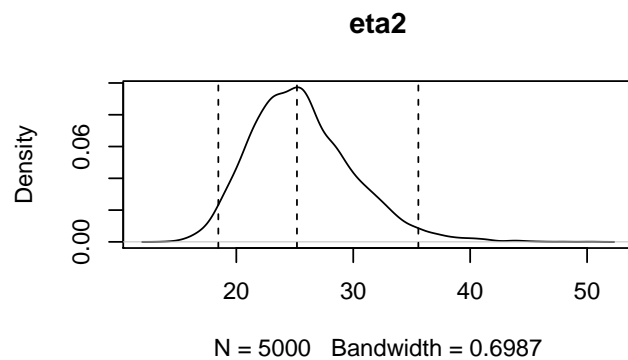
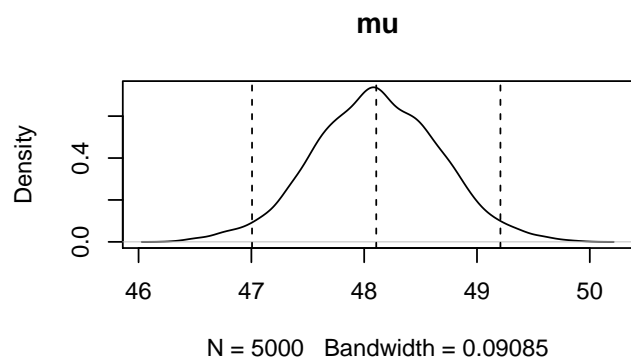


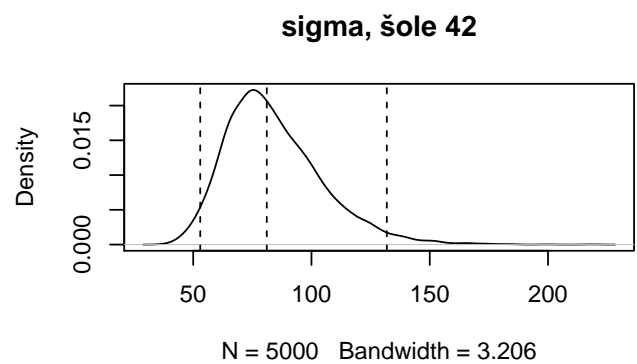
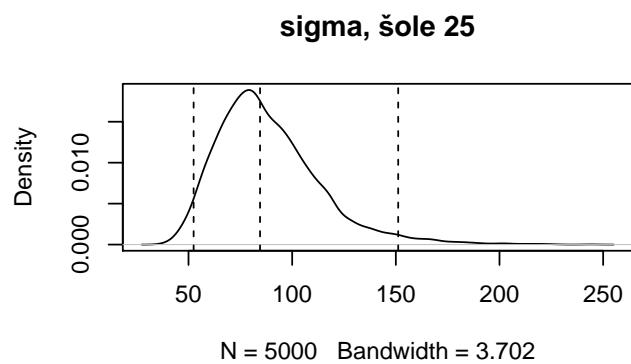
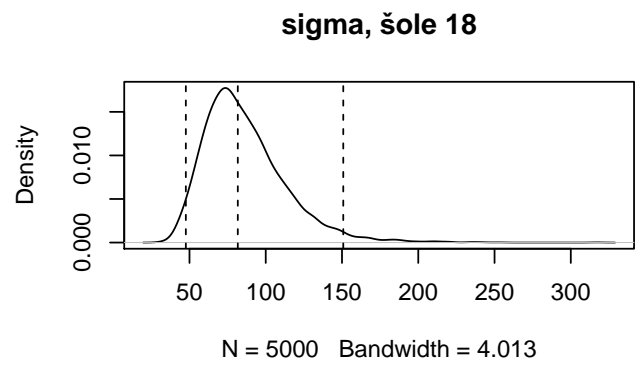
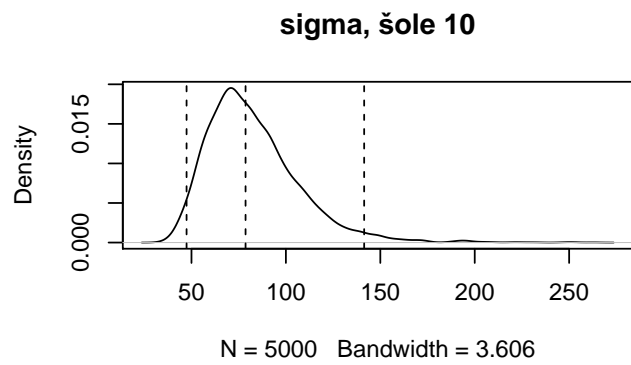
Thinning (vsak tretji) za ν_0



Pricakovano se zmanjsajo, vendar smo pri tem zmanjsali tudi velikost vzorca, za katerega smo ze porabili cas za izracun. Opazna je tudi razlika med tanjšanjem s faktorjem 2 in faktorjem 3.

4 Robne aposteriorne porazdelitve

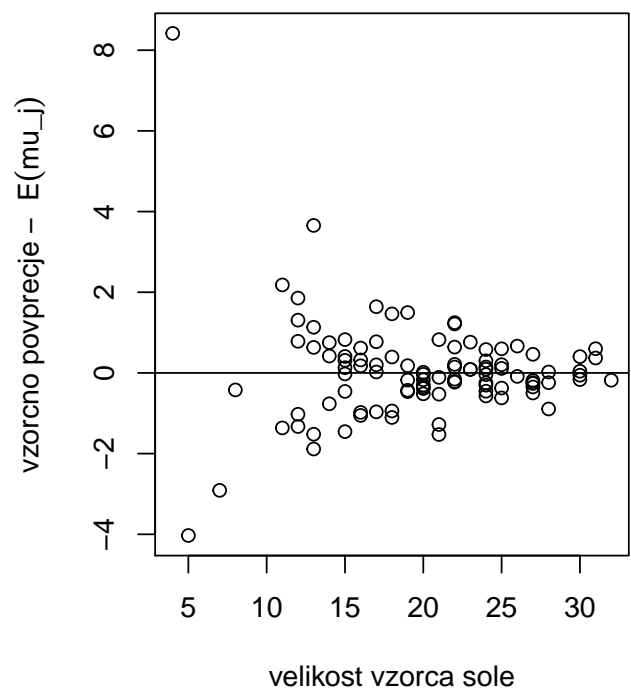
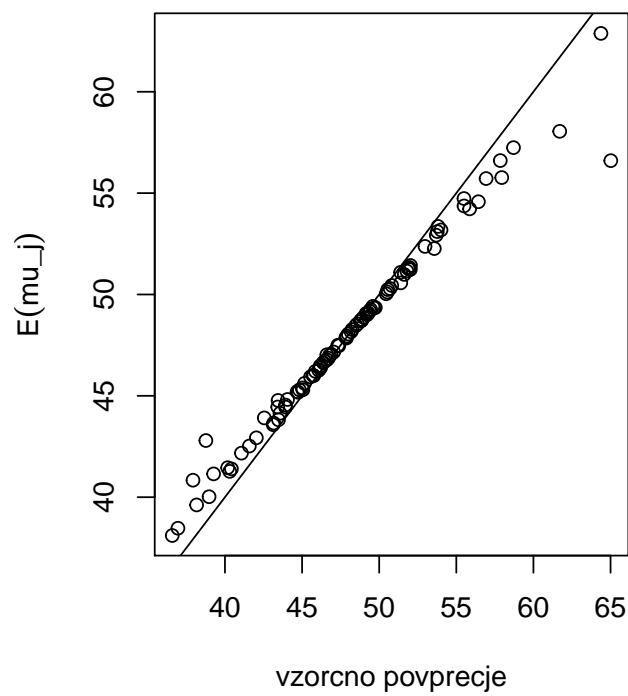
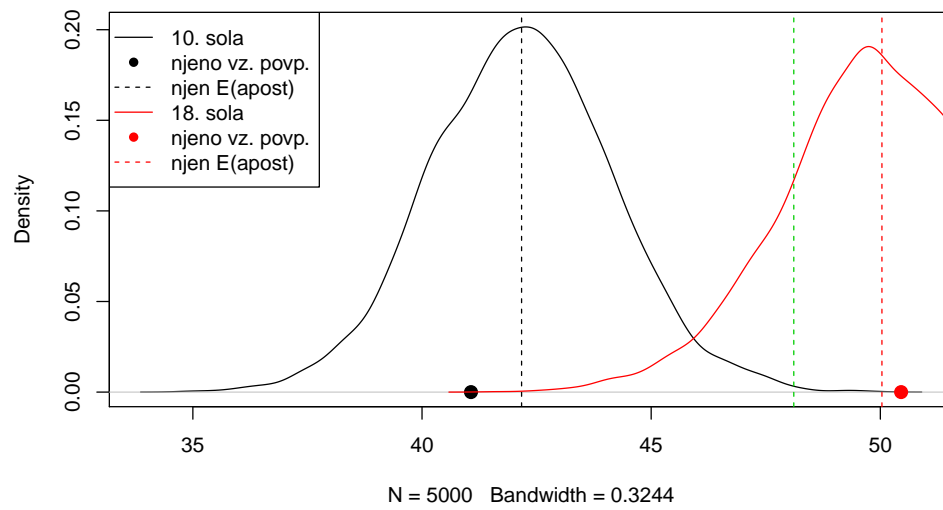




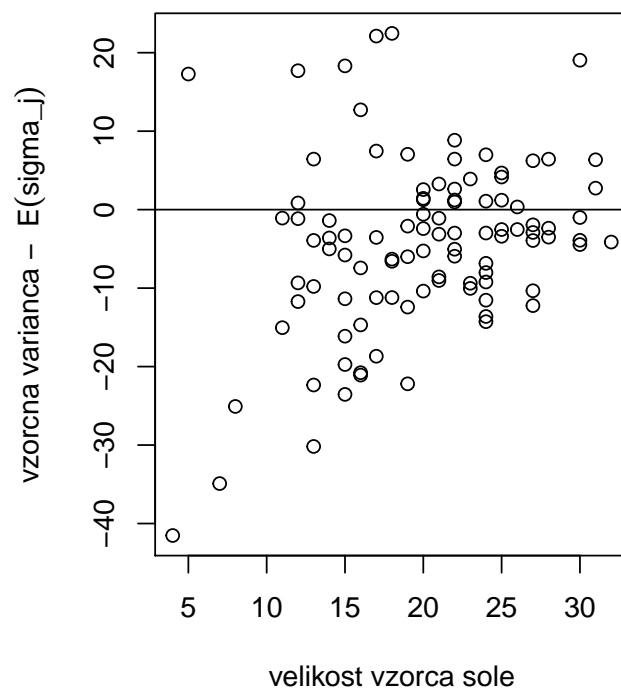
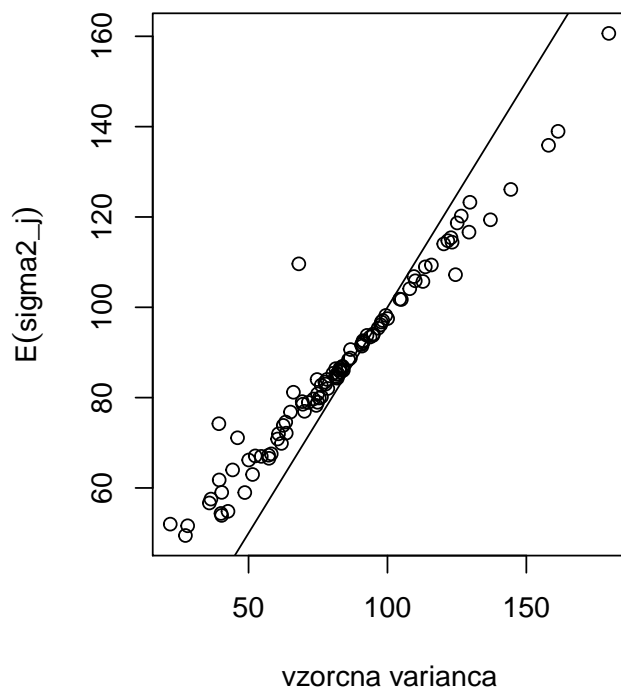
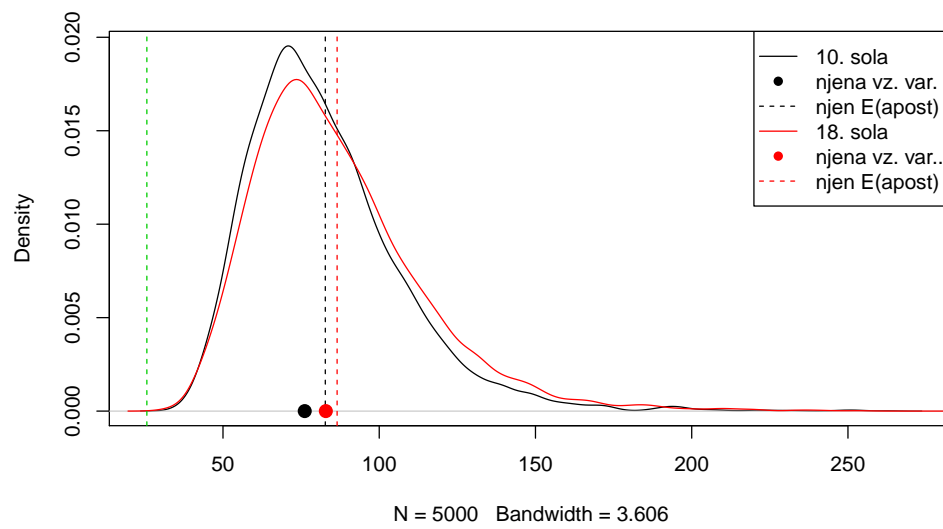
Oblike vseh gostot se ujemajo z oblikami porazdelitev iz katerih vzorčimo, prav tako vidimo da se porazdelitve upanj in varianc med različnimi šolami razlikujejo, kar nam pove nekaj o primerjavi šol.

5 *Shrinkage*

UPANJA:



VARIANCE:



6 Primerjava

Rezultati so podobni rezultatom 6. sklopa, je pa vzorčenje z posplošenimi sigmami računsko veliko zahtevnejše, zato se splača pretehtati, če je posploševanje smiselno.