Ejercicios tema 2

Juan Andrés Peraira Pérez 13 de abril de 2018

Ejercicio 1: Utiliza los datos "iris" que corresponden a mediciones (en centímetros) de 4 variables: largo y ancho de los pétalos y sépalos; para 50 flores de 3 especies distintas de plantas Iris setosa, versicolor, y virginica.

Queremos responder a las siguientes preguntas:

¿Cuántos datos (o casos) tenemos para cada especie? y ¿qué porcentaje representan del total de casos? Realice los gráficos pertinentes para cada tipo de variable (cualitativa vs. cuantitativa).

```
datos<-iris #-- cargamos los datos
head(datos)
##
     Sepal.Length Sepal.Width Petal.Length Petal.Width Species
## 1
              5.1
                          3.5
                                        1.4
                                                    0.2 setosa
## 2
              4.9
                          3.0
                                        1.4
                                                    0.2 setosa
## 3
              4.7
                          3.2
                                                    0.2 setosa
                                        1.3
## 4
              4.6
                          3.1
                                        1.5
                                                    0.2 setosa
## 5
              5.0
                          3.6
                                        1.4
                                                    0.2 setosa
## 6
              5.4
                          3.9
                                        1.7
                                                    0.4 setosa
attach(datos) #-- activamos las variables
```

¿Cuál es la media clásica y robusta del ancho del sépalo para cada especie?. Realice diagrama de cajas.

```
#-- Media clásica del ancho del sépalo para cada especie.
media_ancho_sepalo<-aggregate(Sepal.Width~Species, datos, mean)
media_ancho_sepalo
```

```
## Species Sepal.Width
## 1 setosa 3.428
## 2 versicolor 2.770
## 3 virginica 2.974
#-- Media robusta del ancho del sépalo para cad especie.
library(WRS2)
```

```
## Warning: package 'WRS2' was built under R version 3.4.4

media_robusta_ancho_sepalo<-aggregate(Sepal.Width~Species, datos, mest)
media_robusta_ancho_sepalo</pre>
```

```
## Species Sepal.Width
## 1 setosa 3.418994
## 2 versicolor 2.782828
## 3 virginica 2.962500
```

¿Qué correlaciones existen entre las distintas medidas tomadas a cada planta? Realice un gráfico bidimensional para observarlo.

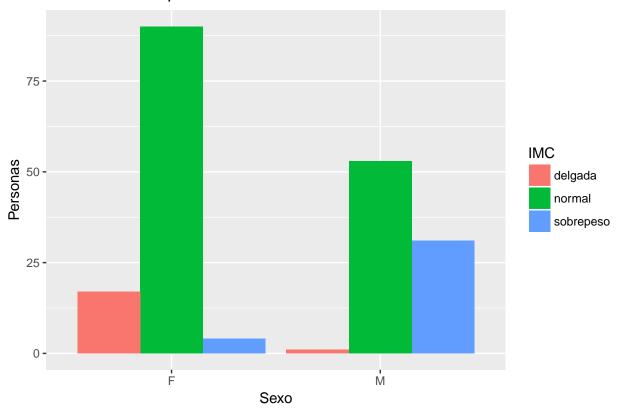
Ejercicio 2: Utiliza los datos "Davis" (paquete "car") para calcular el IMC como se indicó en el tema 2 (IMC=Peso/Estatura^2). Realia:

Gráfico de barras y de sectores para las categorías del IMC por sexo.

```
#-- cargamos los datos
library(car)
## Warning: package 'car' was built under R version 3.4.4
## Loading required package: carData
## Warning: package 'carData' was built under R version 3.4.4
datos<-Davis
head(datos)
##
     sex weight height repwt repht
## 1
       Μ
             77
                   182
                           77
                                180
## 2
       F
             58
                   161
                           51
                                159
      F
## 3
             53
                   161
                           54
                                158
## 4
      Μ
             68
                   177
                           70
                                175
## 5
       F
             59
                   157
                           59
                                155
## 6
             76
                           76
                                165
       М
                   170
attach(datos) #-- Activamos las variables
#-- Creamos la función
imc=function(w,h){w/(h/100)^2}
#-- Calculamos el imc para los datos
datos_imc<-imc(datos$weight,datos$height)</pre>
# creamos las categorías de IMC
imcc_datos=cut(datos_imc, breaks=c(0, 15, 18.5, 25, 30))
#-- Creamos la tabla
imcfrec=table(imcc_datos)
cbind(imcfrec)
##
             imcfrec
                   0
## (0,15]
## (15,18.5]
                  18
## (18.5,25]
                 143
## (25,30]
                  35
#-- agregamos las etiquetas
levels(imcc_datos)=c("infrapeso","delgada","normal","sobrepeso","obesidad")
#-- Creamos el data frame
datos_davis<-data.frame(datos, IMC=datos_imc, IMCc=imcc_datos)</pre>
# eliminamos los errores
datos_davis<-datos_davis[!is.na(datos_davis$IMCc),]</pre>
head(datos_davis)
                                                   {\tt IMCc}
     sex weight height repwt repht
##
                                          IMC
             77
                           77
                                180 23.24598
## 1
       Μ
                   182
                                                normal
                                159 22.37568
## 2
      F
             58
                   161
                           51
                                                normal
      F
             53
                              158 20.44674
## 3
                   161
                           54
                                                normal
## 4
      Μ
             68
                   177
                           70
                               175 21.70513
                                                normal
## 5
      F
             59
                   157
                           59
                                155 23.93606
                                                normal
## 6
             76
      Μ
                   170
                          76
                                165 26.29758 sobrepeso
```

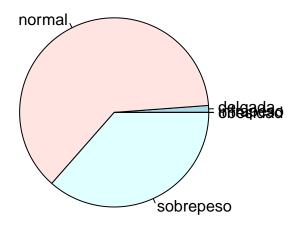
```
library(ggplot2)
library(gridExtra)
ggplot(datos_davis,aes(x=factor(sex),fill=factor(IMCc))) +
  geom_bar(stat = "count", position="dodge")+
  labs(title = "Gráfico de IMC por Sexo") +
  labs(fill = "IMC") +
  labs(aes(x="Sexo",y="Personas"))
```

Gráfico de IMC por Sexo



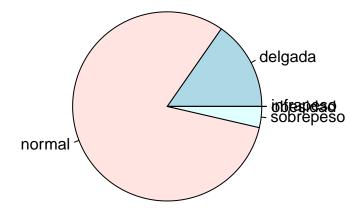
```
#-- Gráfico de sectores
#-- Realizaremos dos gráficos separando los hombres ylas mujeres

#-- Gráfrico para los hombres
datos_hombres<-subset(datos_davis,datos_davis$sex=="M")
grafico_tarta<-pie(table(datos_hombres$IMCc))</pre>
```



```
#-- Gráfico para las mujeres

datos_mujeres<-subset(datos_davis,datos_davis$sex=="F")
grafico_tarta<-pie(table(datos_mujeres$IMCc))</pre>
```



Gráficos de cajas e histogramas para la variable IMC numérica, también por sexo. ¿Existe algún outlier?, ¿cuáles?.

Interpreta los resultados.

Ejercicio 2: Utiliza los datos "Arthritis" (paquete "vcd") sobre un ensayo clínico de doble ciego que investiga un nuevo tratamiento para la artritis reumatoide. Tenemos información de 84 observaciones de 5 variables: la identificación del paciente (ID), el tratamiento (Treatment: Placebo, Treated), el sexo (Sex: Female, Male), la edad (Age) y la mejoría (Improved: None, Some, Marked). Obtener las tablas de frecuencias y medidas de asociación entre estas variables. Interpreta los resultados.

```
#-- Cargamos el paquete
library(vcd)

## Warning: package 'vcd' was built under R version 3.4.4

## Loading required package: grid
datos<-Arthritis
attach(datos) #-- Activamos las variables

#-- Las tablas de frecuencia se realizarán por variable.

#-- Tabla de frecuencias de la variable Tratamiento
table(Treatment)
```

```
## Treatment
## Placebo Treated
      43
#-- Tabla de frecuencias de la variable Sexo
table(Sex)
## Sex
## Female
         Male
     59
         25
\#-- Tabla de frecuencias de la variable Edad
table(Age)
## Age
## 23 27 29 30 31 32 33 37 41 44 45 46 48 49 50 51 52 53 54 55 56 57 58 59 60
## 2 1 1 3 1 3 1 3 2 2 1 2 3 1 1 2 1 2 3 3 1 5 3 8 1
## 61 62 63 64 65 66 67 68 69 70 74
## 2 4 4 3 1 4 1 3 3 2 1
#-- Tabla de frecuencias de la variable Improved
table(Improved)
## Improved
## None Some Marked
##
     42 14
                  28
```