

# JULIETTE AUDEMARD

FR

juliette.aud@live.fr | juliette.audemard@inria.fr ◊ 07 78 34 54 46 ◊ GitHub Page ◊ ORCID & Publications

Je suis actuellement en Master Bioinformatique et alternante pour le projet COMIC, centré sur la métabolomique et la modélisation du métabolisme. Je souhaite poursuivre par une thèse aussi orientée vers la biologie des systèmes, à partir d’octobre 2025. Après avoir travaillé sur des réseaux métaboliques bactériens et des modèles booléens de métabolisme, je m’intéresse particulièrement aux approches méthodologiques de modélisation de processus biologiques.

## EXPERIENCES

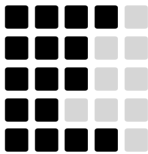
<b>Alternance - Modélisation du métabolisme de communautés bactériennes</b> Pléiade, Inria, Institut National des Sciences et Technologies du Numérique	Bordeaux, France 09/2024 - Present
<ul style="list-style-type: none"><li>Étude des interactions bactériennes dans des communautés cyanobactéries-centrées</li><li>Réseaux métaboliques, modèles booléens, métagénomique et métabolomique</li><li>Valorisation</li></ul> <i>Poster   Journées Ouvertes de Biologie, Mathématiques et Informatique 2024, Toulouse</i> <i>Article   en rédaction</i>	
<b>Stagiaire - Modélisation du métabolisme de communautés bactériennes</b>	Bordeaux, France 04/2024 - 09/2024
<b>Stagiaire - Identification de population cible d’un médicament</b> Market Access, Abbvie, Laboratoire Pharmaceutique	Paris, France 05/2023 - 08/2023
<ul style="list-style-type: none"><li>Identification d’une population cible d’un traitement de seconde intention de l’hyperactivité vésicale</li><li>Etude de la littérature, analyse de données internes et publiques (Sécurité Sociale)</li></ul>	

## FORMATION

<b>Université Paris Cité</b> Master, BioInformatique	Paris, France 09/2023 - Present
<ul style="list-style-type: none"><li>Projet d’intérêts <i>Interface en ligne de commande pour le calcul de surface protéique accessible à un solvant, python, orienté objet</i> <i>Protein language model, alignement de séquences multiple phylogénétiquement informée par transformers, en cours</i></li><li>Mémoire <i>Metagenome-scale modelling of freshwater cyanobacteria-centered community in the context of harmful blooms</i></li><li>[M1] Note, 15.1/20   Rang, 8/32</li><li>[M2.S3] Note, 16.7/20   Rang, 6/27</li></ul>	
<b>Université Paris Cité</b> Licence, Sciences Biomédicales	Paris, France 09/2020 - 09/2023
<ul style="list-style-type: none"><li>Mémoire <i>Partenariat entre la barrière muqueuse, le mucus, les mucins et le microbiote intestinal</i></li><li>Note, 12.87/20   Rang, 37/108</li></ul>	

## COMPÉTENCES TECHNIQUES

Analyse de données et visualisation, *pythom, R*  
Programme ligne de commande, *python (OOP), shell*  
Machine learning, *python*  
Web design, *HTML, CSS*  
Versionnage, *Git*



## INFORMATIONS COMPLÉMENTAIRES

- Langues  
*Français, C2*  
*Anglais, C1*  
*Mandarin, B1*

# JULIETTE AUDEMARD

EN

juliette.aud@live.fr | juliette.audemard@inria.fr ◊ 07 78 34 54 46 ◊ GitHub Page ◊ ORCID & Works

I am currently a Master’s student in Bioinformatics and a trainee for the COMIC project, focusing on metabolomics and metabolism modelling. I aim to pursue a thesis on systems biology’s thematics, starting by October 2025. Following my works on metabolic discrete models of bacterial communities, I’m highly interested in the methodological aspects of biological process modelling.

## PROFESSIONAL EXPERIENCES

<b>Trainee - Metabolic modelling of bacterial community</b> Pléiade, Inria, Institut National des Sciences et Technologies du Numérique	Bordeaux, France 09/2024 - Present
<ul style="list-style-type: none"><li>• Study of bacterial interactions study in cyanobacterial community</li><li>• Metabolic networks, booleans abstraction models, metagenomic and metabolomic</li><li>• Dissemination <i>Poster   Journées Ouvertes de Biologie, Mathématiques et Informatique 2024, Toulouse</i> <i>Publication   writing in progress</i></li></ul>	
<b>Intern - Metabolic modelling of bacterial community</b>	Bordeaux, France 04/2024 - 09/2024
<b>Intern - Identifying the target population for a treatment</b> Market Access, Abbvie, Pharmaceutical Laboratory	Paris, France 05/2023 - 08/2023
<ul style="list-style-type: none"><li>• Identification of a target population for second-line treatment of overactive bladder</li><li>• Literature review, analysis of internal data and public health insurance data</li></ul>	

## EDUCATION

<b>Université Paris Cité</b> MSc, Bioinformatics	Paris, France 09/2023 - Present
<ul style="list-style-type: none"><li>• Relevant Projects <i>Command line interface to compute protein’s solvent accessible surface, python, object oriented</i> <i>Protein language model, phylogenetically informed multiple sequence alignment using transformers, en cours</i></li><li>• Thesis <i>Metagenome-scale modelling of freshwater cyanobacteria-centered community in the context of harmful blooms</i></li><li>• [M1] Grade, 15.1/20   Rank, 8/32</li><li>• [M2.S3] Grade, 16.7/20   Rank, 6/27</li></ul>	
<b>Université Paris Cité</b> Bachelor, Sciences Biomédicales	Paris, France 09/2020 - 09/2023
<ul style="list-style-type: none"><li>• Thesis <i>Partnership between the mucosal barrier, mucus, mucins, and the intestinal microbiota</i></li><li>• Grade, 12.87/20   Rank, 37/108</li></ul>	

## TECHNICAL SKILLS

<b>Data analysis and visualization</b> , <i>pythom, R</i>	
<b>Command line interface program</b> , <i>python (OOP), shell</i>	
<b>Machine Learning</b> , <i>python</i>	
<b>Web design</b> , <i>HTML, CSS</i>	
<b>Versioning</b> , <i>Git</i>	

## MISCELLANEOUS

- Languages  
*French, C2*  
*English, C1*  
*Mandarin, B1*