

# Análisis descriptivo de los datos

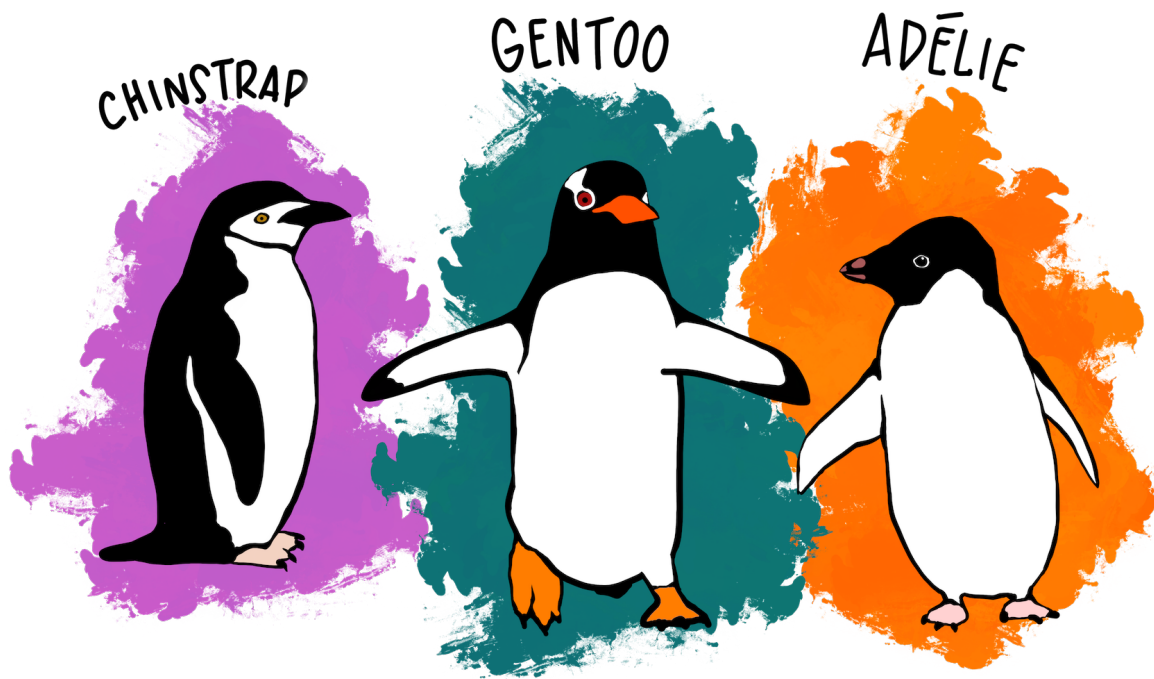
## Contents

|   |                                     |   |
|---|-------------------------------------|---|
| 1 | Introducción                        | 1 |
| 2 | Análisis de variables cualitativas  | 2 |
| 3 | Análisis de variables cuantitativas | 3 |

## 1 Introducción

El archivo **pinguinos.csv** contiene los datos de 333 pingüinos del archipiélago Palmer, en la Antártida. En concreto, el archivo consta de 7 columnas:

- especie: especie del pingüino (Chinstrap, Adelie, Gentoo)
- long\_pico: longitud del pico (mm)
- prof\_pico: medida de la parte más ancha del pico (mm)
- long\_ala: longitud del ala (mm)
- peso: peso del pinguino (g)
- isla: nombre de la isla donde se recogió al pingüino (Dream, Torgersen, Biscoe)
- genero: genero del pingüino (hembra, macho)



Cada columna del archivo corresponde a una **variable**, y cada fila corresponde a una **observación** de dichas variables. Por tanto, tenemos 7 variables y 333 observaciones.

Las variables son de dos tipos:

- cualitativas: especie, isla y género.
- cuantitativas: long\_pico, prof\_pico, long\_aleta y peso.

## 2 Análisis de variables cualitativas

Las variables cualitativas se denominan **factores** en R. Y los posibles valores que puede tomar cada variable cualitativa se llaman **niveles del factor**. Por ejemplo, los niveles de especie son: Chinstrap, Adelie, Gentoo.

En general R no declara automáticamente los factores, por lo que el primer paso es definirlos:

```
# se leen los datos
d = read.csv("datos/pinguinos.csv", sep = ";")
# se muestra la estructura de la variable d: tipo de dato, tamaño, contenido,...
str(d)
```

```
## 'data.frame': 333 obs. of 7 variables:
## $ especie : chr "Adelie" "Adelie" "Adelie" "Adelie" ...
## $ isla : chr "Torgersen" "Torgersen" "Torgersen" "Torgersen" ...
## $ long_pico : num 39.1 39.5 40.3 36.7 39.3 38.9 39.2 41.1 38.6 34.6 ...
## $ prof_pico : num 18.7 17.4 18 19.3 20.6 17.8 19.6 17.6 21.2 21.1 ...
## $ long_aleta: int 181 186 195 193 190 181 195 182 191 198 ...
## $ peso : int 3750 3800 3250 3450 3650 3625 4675 3200 3800 4400 ...
## $ genero : chr "macho" "hembra" "hembra" "hembra" ...
```

Como se observa, especie, isla y genero son de tipo carácter (chr) y no son factores. Por tanto se convierten a factor:

```
# se define como factor y lo se guarda en genero1
d$genero1 = factor(d$genero)
head(d)
```

```
## especie isla long_pico prof_pico long_aleta peso genero genero1
## 1 Adelie Torgersen 39.1 18.7 181 3750 macho macho
## 2 Adelie Torgersen 39.5 17.4 186 3800 hembra hembra
## 3 Adelie Torgersen 40.3 18.0 195 3250 hembra hembra
## 4 Adelie Torgersen 36.7 19.3 193 3450 hembra hembra
## 5 Adelie Torgersen 39.3 20.6 190 3650 macho macho
## 6 Adelie Torgersen 38.9 17.8 181 3625 hembra hembra
```

La variable no ha cambiado, solo la manera en que se define. Lo habitual es guardarlas en la variable de origen para no duplicar información:

```
d$especie = factor(d$especie)
d$isla = factor(d$isla)
```

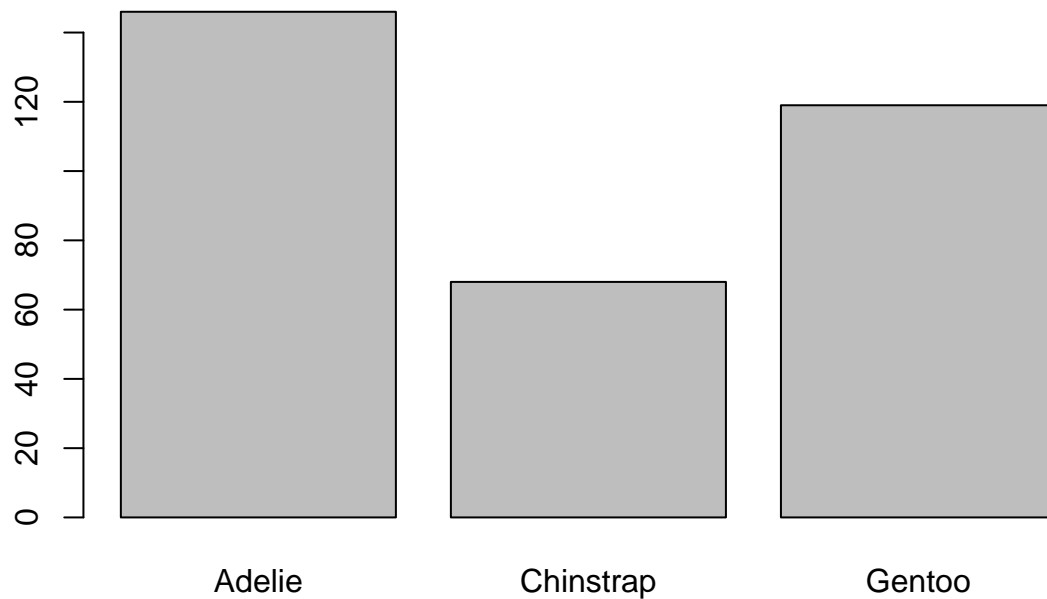
Ya se puede realizar un análisis descriptivo de las variables. En primer lugar se van a contar cuantos pingüinos hay de cada especie:

```
(t = table(d$especie))
```

```
##
## Adelie Chinstrap Gentoo
## 146 68 119
```

De manera gráfica:

```
barplot(t)
```



También se pueden calcular proporciones:

```
prop.table(t)
```

```
##
##      Adelie Chinstrap   Gentoo
## 0.4384384 0.2042042 0.3573574
```

También es posible trabajar con dos variables:

```
(t1 = table(d$especie, d$isla))
```

```
##
##           Biscoe Dream Torgersen
## Adelie      44     55         47
## Chinstrap    0     68          0
## Gentoo     119     0          0
```

### 3 Análisis de variables cuantitativas

El resto de variables son cuantitativas. Por ejemplo, si se analiza la variable peso.

```
# minimo
min(d$peso)
```

```
## [1] 2700
```

```
# maximo
max(d$peso)
```

```
## [1] 6300
```

```
# media
mean(d$peso)
```

```
## [1] 4207.057
```

```
# mediana
median(d$peso)
```

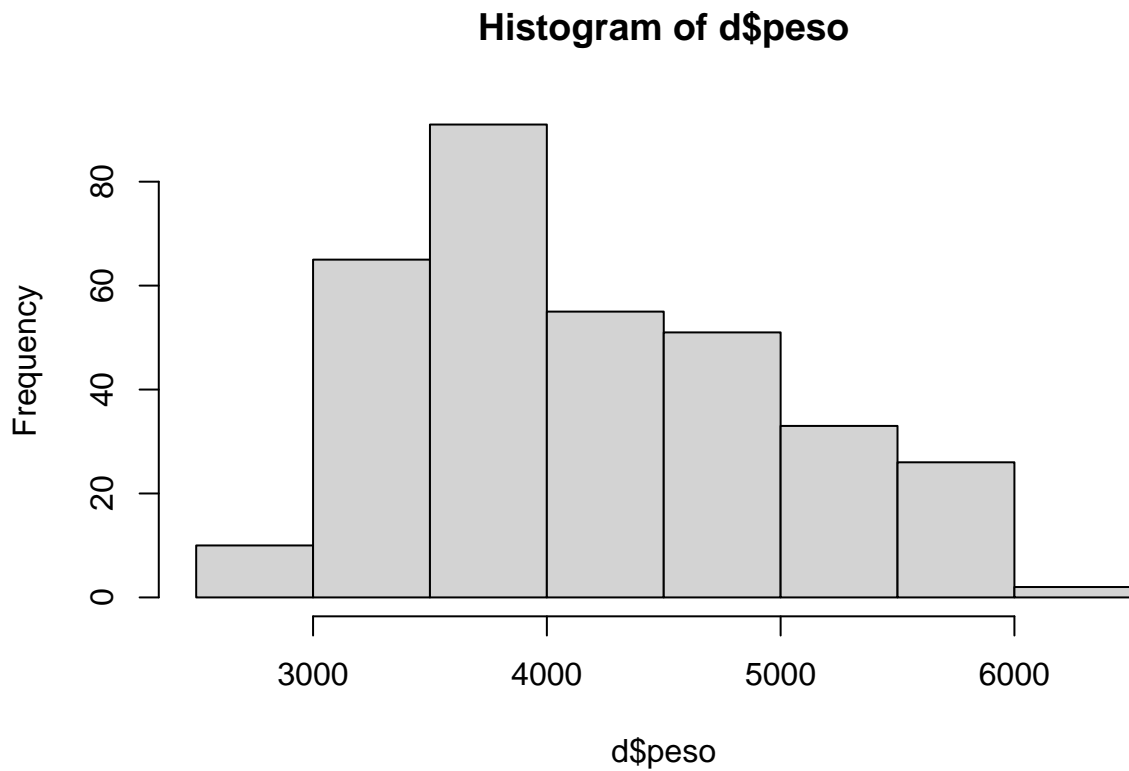
```
## [1] 4050
```

```
# desviacion típica  
sd(d$peso)
```

```
## [1] 805.2158
```

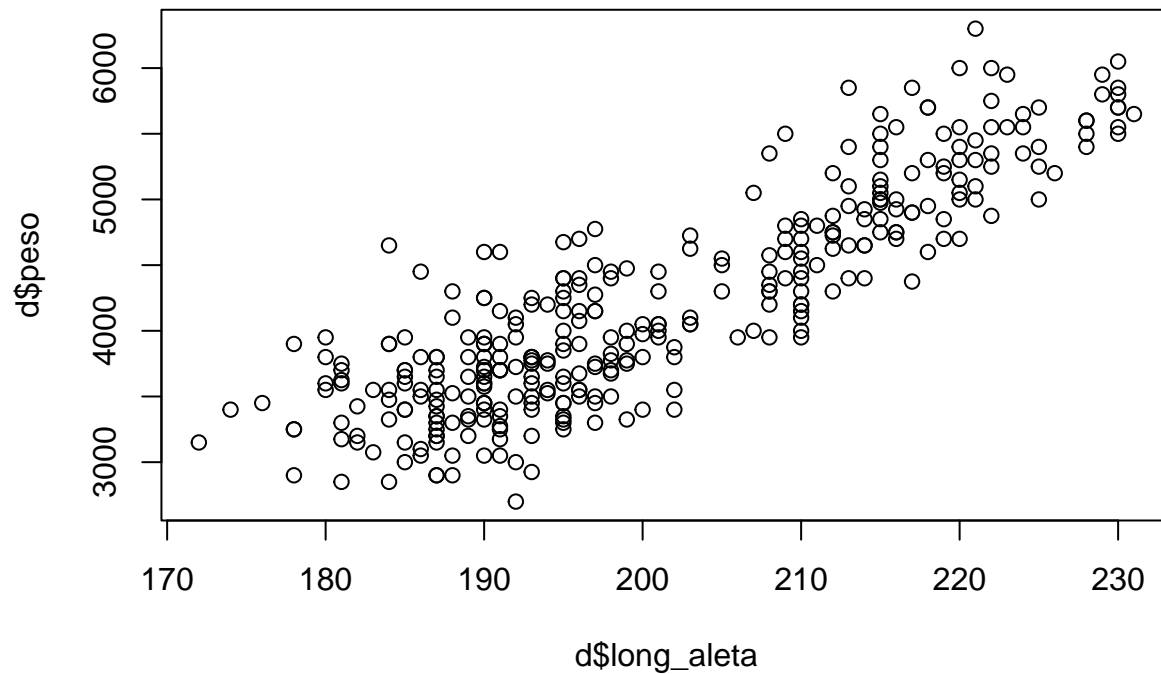
El gráfico más importante es el histograma ya que indica el rango de la variable y como se distribuyen sus valores:

```
hist(d$peso)
```



Cuando se tienen dos variables cuantitativas se puede dibujar el gráfico de dispersión para ver la relación entre ambas:

```
plot(d$long_aleta, d$peso)
```



De manera analítica se puede calcular la covarianza o el coeficiente de correlación lineal:

```
# covarianza
cov(d$long_aleta, d$peso)
```

```
## [1] 9852.192
```

```
# coef. correlación
cor(d$long_aleta, d$peso)
```

```
## [1] 0.8729789
```

El valor de la covarianza depende de las unidades de las variables: un valor alto o bajo es difícil de interpretar. Sin embargo, el coeficiente de correlación lineal toma valores entre -1 y 1. En este caso, 0.873 indica una correlación positiva (a mayor longitud de aleta, mayor peso) y alta (la longitud de la aleta es un buen indicador del peso).