Trabalho de Inferência

Estimação dos Parâmetros de um Modelo de Regressão Exponencial com Censura Intervalar

Jayme Gomes dos Santos Junior Luciana Helena Kowalski 30/11/2018

Introdução

A censura intervalar é utilizada principalmente em estudos longitudinais e em pesquisas clínicas. Para isso, são realizadas avaliações de medidas repetidas nos indivíduos alvo, o que geralmente ocorre com tempos pré-estabelecidos de avaliação. Nestes estudos espera-se que os indivíduos desenvolvam o evento em estudo entre os tempos de avaliação, estes tempos são divididos em dois pontos chamados de U e V. O tempo exato de ocorrência do evento (t) é desconhecido, portanto temos que $U < t \le V$, sendo assim chamado de censura intervalar PENG (2009).

Quando se trabalha com dados com censura intervalar geralmente o tempo exato em que ocorre o evento de interesse não é conhecido, mas sim o intervalo de tempo em que isso ocorreu. Já foram descritas várias abordagens a fim de modelar este tipo de dado, como técnicas semi-paramétricas para análise de regressão com censura intervalar, modelo de tempo de falha acelerado baseado na distribuição Weibull com censura intervalar, métodos Bayesianos, etc. HASHIMOTO (2008).

Existem 3 tipos de censura intervalar os quais foram bem estudados:

- 1. U=0: portanto há uma censura à esquerda dos dados de sobrevivência;
- 2. $V = \infty$: há censura à direita dos dados de sobrevivência;
- 3. Tanto U=0 quanto $V=\infty$, este tipo de dado é chamado de dados em painel.

Anteriormente, estes tipos de dados eram analisados com técnicas tradicionais de análise de sobrevivência, onde se assumia que o evento de interesse ocorreu no fim ou na metade do intervalo, o que gerava erros de estimação e viés nos resultados LINDSEY; RYAN (1998). Após investigações a distribuição exponencial se mostrou mais eficaz quando se sabe o momento das inspeções AL-TAWARAH; MACKENZIE (2002).

Para estimar os parâmetros da Regressão Exponencial com Censura Intervalar será utilizado o método da Máxima Verissimilhança (MV), assim como PENG (2009), porém será utilizado o software R R CORE TEAM (2015) para todas as simulações e análises.

Sendo assim, o objetivo do trabalho é: i) simular uma base de dados com censura intervalar e os resultados com parâmetros fixos; ii) estimar os parâmetros usando o método da MV; iii) comparar os resultados dos parâmetros estimados com os da simulação utilizando intervalo de confiança com $\alpha = 0.05$.

Modelo

Regressão Exponencial com Censura Intervalar consiste em um conjunto de intervalos independentes Y_i que seguem uma distribuição exponencial de parâmetros λ_i , com $\mathbf{i} = \{1, ..., n\}$, logo:

$$\underline{Y} \sim Exp(\underline{\lambda})$$

Onde cada Y_i é um intervalo que contêm o evento de interesse $Y_i = (Y_{iu}; Y_{iv})$, sendo u o limite inferior e v o limite superior do intervalo, u e v > 0, pois se trata de intervalos de tempo, logo \underline{Y} é um vetor positivo.

O parâmetro $\lambda_i = \beta_0 + \beta_1 x_i$ com $\underline{X} = \{x_i = [0; p] | i = \{1, ..., n\}, p \in \mathbb{R}\}$ sendo um vetor de coeficientes de regressão.

Logo:

$$f(y; \underline{\lambda}) = (\beta_0 + \beta_1 x_i) e^{-(\beta_0 + \beta_1 x_i)y_i}, (\beta_0 + \beta_1 x_i) > 0, y_i > 0$$

Simulação

Como o objetivo é estimar os parâmetros β_0 e β_1 , primeiro serão fixados seus valores e os valores do vetor dos coeficientes de regressão (\underline{X}) como uma sequência de cem valores entre 0 e 2 igualmente espaçados. Então criar $\underline{\lambda} = \exp(\beta_0 + \beta_1 x_i)$ para garantir que todos os valores sejam positivos e pequenos, como mostrado pela função summary().

```
b0 = log(1)
b1 = -2
x <- seq(0, 2, 1 = 100)
lambda = exp(b0 +b1*x)
summary(lambda)
```

```
## Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max.
## 0.01832 0.04979 0.13540 0.24810 0.36790 1.00000
```

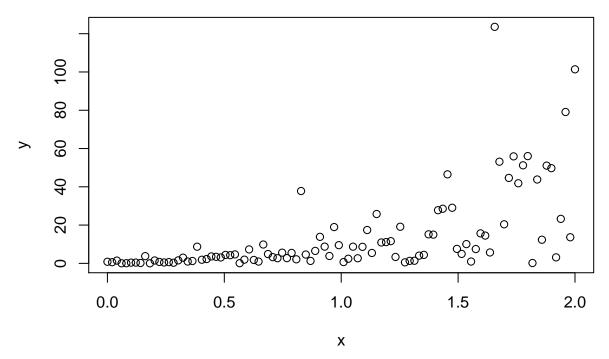
A maneira de simular os intervalos \underline{Y} foi primeiramente simular cem observações de variáveis aleatórias que sigam uma exponencial com os parâmetros calculados anteriormente utilizando a função $\mathtt{rexp}()$ que retorna valores que seguem a exponencial dado o parâmetro passado. Novamente foi usada a função $\mathtt{summary}()$ mostrando que todas as observações são positivas.

```
set.seed(123)
y = rexp(100, rate = lambda)
summary(y)
```

```
## Min. 1st Qu. Median Mean 3rd Qu. Max.
## 0.03565 1.54500 4.76500 14.01000 15.05000 123.60000
```

Para mostrar que as observações condizem com a distribuição exponencial, será usada a função plot() das observações dado os valores dos coeficientes de regressão(X).

```
plot(y ~ x)
```



Simulando agora a (CI), ciando \underline{U} (limites inferiores) e \underline{V} (limites superiores), usando as observações criadas anteriormente, subtraindo e somando 0.03 a cada uma delas. Este valor foi escolhido para garantir que \underline{Y} > 0 como estipulado anteriormente. E criando uma base de dados com a função data.frame(), pois agora cada observação tem dois valores que são as inspeções dos objetos de estudo ao longo do tempo.

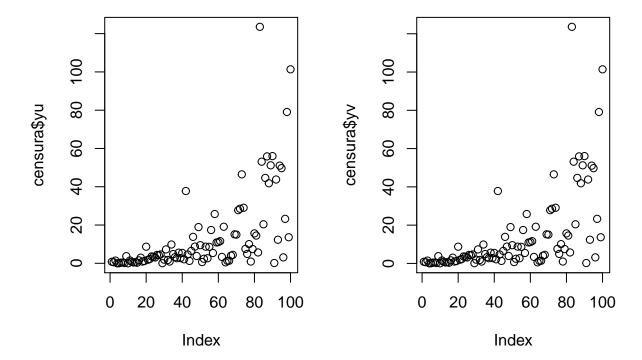
```
yu <- y - 0.03
yv <- y + 0.03
censura <- data.frame(yu, yv)
summary(censura)</pre>
```

```
##
          yu
##
              0.00565
                                     0.06565
##
    1st Qu.:
               1.51464
                          1st Qu.:
                                     1.57464
##
    Median :
              4.73528
                          Median :
                                     4.79528
##
    Mean
            : 13.98039
                          Mean
                                  : 14.04039
##
    3rd Qu.: 15.02242
                          3rd Qu.: 15.08242
##
            :123.55311
                                  :123.61311
    Max.
                          Max.
```

Novamente a função summary() mostra que todos os intervalos são positivos como estipulado anteriormente.

Através dos gráficos é possível ver que os intervalos seguem uma distribuição exponencial.

```
par(mfrow = c(1,2))
plot(censura$yu)
plot(censura$yv)
```



Verossimilhança

Existe mais de uma maneira de chegar a função de verossimilhança deste modelo, portanto para este trabalho será utilizado um dos métodos utilizados na tese PENG (2009), onde:

$$L(\underline{y}; \underline{\lambda}) = \prod_{i=1}^{n} \int_{y_{iu}}^{y_{iv}} f(y_i; \lambda_i) dy,$$
$$= \prod_{i=1}^{n} \left[F(y_{iv}; \lambda_i) - F(y_{iu}; \lambda_i) \right]$$

Portanto a verossimilhança é subtrair da função acumulada da exponencial em y_v a função acumulada em y_u para cada y_i e depois multiplicar os resultados.

Log-Verossimilhança

$$l(\underline{y}; \underline{\lambda}) = \sum_{i=1}^{n} \left[log \left(F(y_{iv}; \lambda_i) - F(y_{iu}; \lambda_i) \right) \right]$$

Estimador de Máxima Verossimilhança

Como as derivadas se tornam impossíveis analiticamente, a partir deste ponto os estimadores de máxima verossimilhança(EMV) para β_0 e β_1 serão feitos computacionalmente através de um maximizador numérico da função $l(\underline{y};\underline{\lambda})$ usando a função optim() que é usada para minimizar funções com dois ou mais parâmetros, logo a função $l(\underline{y};\underline{\lambda})$ será multiplicada por -1 para que a função funcione.

Função de Verossimilhança, Log-Verossimilhança e Cálculo da Verossimilhança da Simulação

```
# Verossimilhança
L_censura <- c()
for(i in 1:100){
   L_censura[i] <- pexp(censura$yv[i], rate = lambda[i]) - pexp(censura$yu[i], rate = lambda[i])}
# Log-Verossimilhança
ll_censura <- log(L_censura)
# Cálculo da Verossimilhança
vero <- sum(-ll_censura)</pre>
```

Acima estão descritas computacionalmente as funções $L(\underline{y};\underline{\lambda})$ e $l(\underline{y};\underline{\lambda})$ respectivamente com o detalhe de que os produtórios e somatórios estarem omitidos, pois estão contemplados no cálculo da verossimilhança (estas funções executadas nessa ordem resultam exatamente na função de log-verossimilhança mostrada anteriormente), que é o número que representa a verossimilhança da simulação.

Como resultado temos que com $\beta_0=0,\,\beta_1=$ -2, temos uma verossimilhança = 585.911.

Agora deve ser criada uma função para calcular a verossimilhança com β_0 e β_1 desconhecidos, para testar o EMV.

```
#log-verossimilhança
11 <- function(theta, inferior, superior, x){
  lambda = exp(theta[1] + theta[2]*x)
  output <- -sum(log(pexp(superior, rate = lambda) - pexp(inferior, rate = lambda)))
  return(output)
}
# Avaliando nos betas da simulação e em outros para comparação
11(theta = c(log(1), -2), inferior = censura$yu, superior = censura$yv, x = x)
## [1] 585.911
11(theta = c(log(0.5), -0.5), inferior = censura$yu, superior = censura$yv, x = x)</pre>
## [1] 734.1352
```

Depois de pronta, a função foi avaliada usando os parâmetros β_0 e β_1 da simulação e depois com valores diferentes para mostrar que funciona corretamente.

Para calcular o EMV para os betas, será usada a função optim() para maximizar a $l(y; \underline{\lambda})$

```
# Encontrando EMV Numericamente
oo <- optim(par = c(1, -3), fn = 11, inferior = censura$yu,
            superior = censura$yv, x = x, hessian = TRUE)
str(oo)
## List of 6
                 : num [1:2] 0.0158 -2.0599
## $ par
## $ value
                 : num 586
                : Named int [1:2] 51 NA
##
   $ counts
   ..- attr(*, "names")= chr [1:2] "function" "gradient"
##
## $ convergence: int 0
                : NULL
## $ message
## $ hessian
                : num [1:2, 1:2] 100 100 100 130
```

```
inv_Io <- solve(oo$hessian)</pre>
inv_Io
                                [,2]
##
                  [,1]
## [1,] 0.04343695 -0.03342970
## [2,] -0.03342970 0.03342323
Comparando os resultados do EMV com os da simulação temos que:
\beta_0 e \beta_1 simulados = 0 e -2, já os estimados = 0.016 e -2.060.
A verossimilhança simulada = 585.911 e a estimada = 585.755.
Para construir os intervalos de confiança para \beta_0 e \beta_1, é preciso achar a matriz de informação de Fisher(matriz
de informação esperada) I_e(\beta_0, \beta_1) = -E[I_o(\beta_0, \beta_1)]. Partindo da Matriz de informação observada I_o(\beta_0, \beta_1).
# Matriz de Informação Observada
oo$hessian
##
               [,1]
                          [,2]
## [1,] 99.99226 100.0116
## [2,] 100.01162 129.9503
# Utilizando a função 'solve()' chega-se na matriz de informação esperada
Ie <- solve(oo$hessian)</pre>
##
                  [,1]
## [1,] 0.04343695 -0.03342970
## [2,] -0.03342970 0.03342323
```

Intervalo de Confiança

Construindo os intervalos de confiança para β_0 e β_1 com $\alpha = 0.05$:

Com base nos intervalos de confiança é possível dizer que o EMV para β_0 e β_1 do modelo de regressão exponencial com censura intervalar funciona de forma satisfatória.

Referências

AL-TAWARAH, Y.; MACKENZIE, G. A logistic ph regression model for interval censored survival data., 2002.

HASHIMOTO, E. Piracicaba 2008. **Ecologia**, v. 1988, p. 134, 2008. Disponível em: ...">http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/19014346>...

LINDSEY, J. C.; RYAN, L. M. Methods for interval-censored data. Statistics in Medicine, v. 17, n. 2, p.

219–238, 1998. Wiley. Disponível em: <a href="https://doi.org/10.1002/(sici)1097-0258(19980130)17:2<219::aid-sim735>3.0.co;2-o>...

PENG, D. Inferences in the Interval Censored Exponential Regression Model. 2009.

R CORE TEAM. R: A language and environment for statistical computing. Vienna, Austria: R Foundation for Statistical Computing, 2015.