Aula 2 - numpy e pandas

Jayme Anchante

23 de fevereiro de 2021



software

- ▶ git
- anaconda
- virtual environments
- reproducibility
- jupyter



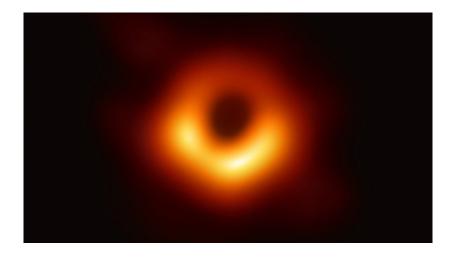
pacotes que usam numpy

Quantum Computing	Statistical Computing	Signal Processing	Image Processing	Graphs and Networks	Astronomy Processes	Cognitive Psychology
	*	ահիայրը		M		
QuTiP PyQuil Qiskit	Pandas statsmodels Seaborn	SciPy PyWavelets	Scikit-image OpenCV	NetworkX graph-tool igraph PyGSP	AstroPy SunPy SpacePy	PsychoPy
Bioinformatics	Bayesian Inference	Mathematical Analysis	Simulation Modeling	Multi-variate Analysis	Geographic Processing	Interactive Computing
3686		+ - × =	* I			-jm
BioPython Scikit-Bio PyEnsembl	PyStan PyMC3	SciPy SymPy cvxpy	PyDSTool	PyChem	Shapely GeoPandas Folium	Jupyter IPython Binder

The fundamental package for scientific computing with Python, NumPy website

fronteira da ciência

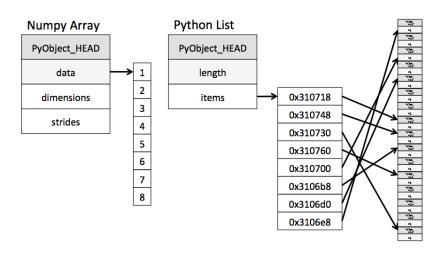
Case Study: First Image of a Black Hole



listas vs arrays vs numpy arrays

- listas aceitam qualquer tipo de dados (flexibilidade)
- arrays tem tipo fixo (armazenamento eficiente)
- numpy arrays tem tipo fixo e otimizações (armazenamento e cálculo eficiente)

lista vs numpy array



criando arrays

```
np.zeros(10)
np.ones((2,2))
np.full((3,1), 3.14)
np.arange(5)
np.linspace(0, 1, 5)
```

gerador de números pseudo-aleatórios

- np.random.RandomState(42)
- p.random.seed(42)
- 3 np.random.<tab>

acessando elementos

```
x1 = np.random.randint(10, size=6) # 1 dim
x2 x2 = np.random.randint(10, size=(3, 4)) # 2 dim
x1[0]
x1[-2]
x2[0, 0]
x2[2, -1]
x2[0, 0] = 12
```

fatiamento de elementos

```
# x[start:stop:step]
x1[:5] # primeiros cinco elementos
x1[::2] # cada dois elementos
x1[::-1] # inversão dos elementos
```

cópia de objetos

reformatação de objetos

```
x = np.array([1, 2, 3])
x.reshape((1, 3)) # row vector via reshape
x[np.newaxis, :] # row vector via newaxis
x.reshape((3, 1)) # column vector via reshape
x[:, np.newaxis] # column vector via newaxis
```

junção e separação de objetos

- np.concatenate
- 2 np.vstack
- 3 np.hstack
- 4 np.split
- $_{5}$ np.vsplit
- 6 np.hsplit

operações com numpy

10

```
def compute_reciprocals(values):
       output = np.empty(len(values))
       for i in range(len(values)):
3
           output[i] = 1.0 / values[i]
4
       return output
5
  big array = np.random.randint(1, 100, size=1000000)
6
7
  %timeit compute reciprocals(big array)
9
  %timeit 1.0 / big array
```

operações com numpy

```
# operações agregação
x = np.arange(1, 6)
np.add.reduce(x) # soma dos elementos
np.add.accumulate(x) # soma acumulada
np.multiply.outer(x, x) # produto cartesiano
```

sumarizando np.array

```
1  a = np.random.random(100)
2  sum(a)
3  np.sum(a)
4  a.max()
5  # soma com dados faltantes
6  np.nansum(a)
```

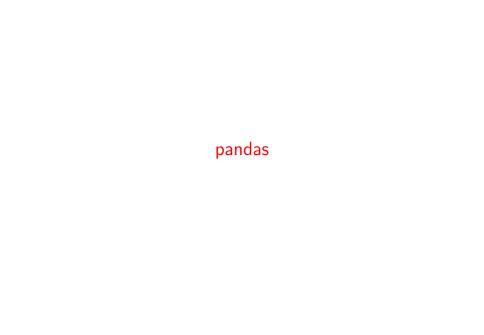
máscaras np.array

```
1  a = np.random.random(10)
2  a > 5
3  a[a>5]
4  a[(a>5) & (a<7)]
5  # suporte ao //or e ~/not</pre>
```

dado o seguinte np.array

```
a = np.arange(25).reshape(5,5)
```

- 1. Retorne os valores pares positivos menores que 14.
- 2. Qual a média da segunda coluna?
- 3. Qual a soma da guarta linha?
- 4. Separe a última linha e transforme em um vetor coluna.
- 5. Salve o objeto contendo o np.array em disco.



história

Iniciado por Wes McKinney em 2008 quando ele trabalhava no mercado financeiro

Começou como uma implementação em Python da API de dataframe do R

Código aberto em 2009 e posterior apoio pela NumFocus

pd.Series

```
import pandas as pd
data = pd.Series([0, 2, 4, 6])
# valores e indice são np.array
data.values
data.index
# acessando elementos pelo indice
data[-1]
data[:2]
```

pd.Series vs np.array

Uma das grandes diferenças está no índice. Ele pode ser não numérico, não sequencial.

pd.Series vs dict

pd.DataFrame

Se o pd.Series pode ser comparados a um vetor unidimensional, o pd.DataFrame pode ser comparado a uma matrix bidimensional.

O pd.DataFrame é como uma sequencia de pd.Series que compatilham o mesmo índice.

pd.DataFrame a partir de pd.Series

construção de pd.DataFrame

```
1 # a partir de series
pd.DataFrame(population, columns='population')
3 # a partir de listas
   data = [\{'a': i, 'b': 2 * i\} \text{ for } i \text{ in } range(3)]
5 pd.DataFrame(data)
  # preenchimento com nan
6
   pd.DataFrame([{'a': 1, 'b': 2}, {'b': 3, 'c': 4}])
   # a partir de np.array
   pd.DataFrame(np.random.rand(3, 2),
                 columns=['foo', 'bar'],
10
                 index=['a', 'b', 'c'])
11
```

índices em pandas

Os índices são como arrays, porém são imutáveis

```
ind = pd.Index([2, 3, 5, 7, 11])
ind[::2]
# tentando colocar novo valor
ind[1] = 0
```

índices como sets

Os índices são otimizados para joins e outras operações, baseado na lógica de sets.

```
indA = pd.Index([1, 3, 5, 7, 9])
indB = pd.Index([2, 3, 5, 7, 11])
indA & indB # intersection
indA | indB # union
indA ^ indB # symmetric difference
```

índices como dicts

pd.Series como vetor unidimensional

```
data['a':'c'] # indice explicatio
data[0:2] # indice implicatio
data[(data > 0.3) & (data < 0.8)] # mask</pre>
```

exercícios

- 1. Crie uma série cujo índice são nomes e cujos valores são idades (use suas informações, de seus amigos e familiares)
- 2. Teste se 'João' está nos nomes
- 3. Retorne a última idade
- 4. Retorne as idades maiores que 65
- 5. Retorne as idades maiores que 18 e menos que 35

indexadores: loc, iloc, ix

```
data = pd.Series(['a', 'b', 'c'], index=[1, 3, 5])
2
   data[1] # indice explicito
3
   data[1:3] # indice implicito
   # explícito com loc
   data.loc[1]
7 data.loc[1:3]
8 # implícito com iloc
   data.iloc[1]
   data.iloc[1:3]
10
       "Sempre" usar .loc!
```

dataframe como dict

```
data = pd.DataFrame({'area':area, 'pop':pop})

# selecionar uma coluna

data['area'] # como dict

data.area # como atributo

data.area is data['area'] # teste equivalência

data.pop is data['pop'] # pop é uma método do obj, perigodata['density'] = data['pop'] / data['area']
```

Operações usar [column], para atribuições usar .loc!

dataframe como vetor bidimensional

```
data.values # valores brutos
data.T # transposição
data.values[0] # acessando 1a linha
data['area'] # acessando coluna
data.loc[
data.density > 100,
['pop', 'density']
# select pop, density where density>100
```

operações em dataframe

```
df = pd.DataFrame(np.random.randint(0, 10, (3, 4)), columns=['A', 'B', 'C', 'D'])
np.sin(df * np.pi / 4) # operações com np e pd
```

dados faltantes

Duas estratégias principais:

- usando um indicador (V/F) de presença de dados faltantes
- usando um valor reservado para representar um dado faltante;
 e.g. -9999 or NaN

Como pandas segue numpy, não existe a noção de NA fora do tipo ponto flutuante

Existem dois valores reservados: NaN (numpy) e None (python)

None

```
vals1 = np.array([1, None, 3, 4])
vals1 # inferência de tipo é python object

# ineficiência da operação em object
for dtype in ['object', 'int']:
    print("dtype =", dtype)
    %timeit np.arange(1E6, dtype=dtype).sum()
    print()

vals1.sum()
```

NaN

```
vals2 = np.array([1, np.nan, 3, 4])
vals2.dtype

1 + np.nan
vals2.sum(), vals2.min(), vals2.max()
np.nansum(vals2), np.nanmin(vals2), np.nanmax(vals2)
```

pandas: None e NaN

None e NaN são intercambiáveis em pandas

```
pd.Series([1, np.nan, 2, None])

x = pd.Series(range(2), dtype=int)
x # int
x | x | 0 | = None
x # float
```

operações em nulos

```
data = pd.Series([1, np.nan, 'hello', None])
data.isnull()
data.notnull()
data.dropna()
data.fillna()
```

Não fazer comparações diretas como data == np.nan!

combinação de dados com numpy: concat

```
linha = [1,2,3]
np.concatenate([linha, linha, linha])
matriz = [[1, 2], [3, 4]]
```

np.concatenate([matriz, matriz])

combinação de dados com pandas: concat

```
ser1 = pd.Series(['A', 'B', 'C'], index=[1, 2, 3])
pd.concat([ser1, ser1])
pd.concat([ser1, ser1], axis=1) # ou axis='columns'
pd.concat([ser1, ser1], ignore index=True)
def d(): return np.random.randint(1, 10, (5,2))
df1 = pd.DataFrame(d(), columns=['a', 'b'])
df2 = pd.DataFrame(d(), columns=['a', 'c'])
pd.concat([df1, df2])
pd.concat([df1, df2], axis=1)
df1.append(df2)
```

combinação de dados: merge

```
pd.merge(df1, df2)
pd.merge(df1, df2, on='a') # explicitando chave
pd.merge(df1, df2, how='outer')
```

agregação e agrupamento

Vamos usar um dataset do pacote seaborn

```
import seaborn as sns
planets = sns.load_dataset('planets')
planets.shape
planets.head()
planets.describe()
planets.mean()
# quantidade de planetas descobertos / ano
planets.groupby('year')['number'].sum()
# mediana período orbitas / método
planets.groupby('method')['orbital_period'].median()
```

vetorização de operações com apply

Aplicação de uma função genérica especifica em python puro

```
def add2(x):
    return x + 2
df = pd.DataFrame(d(), columns=['col1', 'col2'])
df.apply(add2)
df['col1'].apply(add2)
```

trabalhando com texto

```
data = ['peter', 'Paul', None, 'MARY', 'gUIDO']
[s.capitalize() for s in data]
names = pd.Series(data)
names.str.capitalize()
```

mais recursos

Livro Pyhon para Análise de dados do autor do pacote pandas Vídeos nas conferências PyCon, SciPy e PyData podem ser encontrados no PyVideo

exercícios

Usando a base de planetas:

- 1. Mostre os métodos e distâncias após o ano de 2010
- 2. Calcule o período orbitas vezes massa dividido pela distância
- 3. Quantos valores nulos existem em cada coluna?
- 4. Quantas planetas foram descobertos por cada método.
- Remova os espaços vazios e coloque em caixa baixa a coluna método.



lista

Usando a base de dados de antibióticos, responda:

- 1. Leia a base e atribua a um objeto chamado df
- 2. Quantas bactérias do tipo "Streptococcus" existem?
- 3. Qual o maior e menor valor de neomicina? E a qual bactéria estão associados?
- 4. Quantas bactérias existem por tipo de grama?
- 5. Crie uma nova coluna chamada "valor" sendo a penicilina vezes a estreptomicina dividido pela neomicina.
- 6. Salve os dados com essa nova coluna num arquivo chamado "antibioticos.csv" sem o índice e com separador de ";".