

5.6. Funciones

Las funciones son bloques de código que ejecutan tareas específicas. Se reconocen porque siempre van acompañadas por paréntesis y sus características principales son: tiene un nombre con el cual se identifican; requieren de un argumento para realizar sus operaciones; y contienen un cuerpo en donde se definen las rutinas que se llevarán a cabo. Con estos tres elementos se obtienen resultados específicos que puede ser, desde crear una gráfica, hasta publicar una página web. Además, una de las cualidades que tiene R es que permite combinar funciones para obtener resultados más complejos.

En el siguiente ejemplo, la variable *edad* de la tabla *BASE* se transforma en carácter, luego se convierte en una variable numérica y finalmente se suman todos los valores para obtener un único resultado. Para llevar a cabo todo este proceso se anidan las funciones, lo que significa que el resultado de la primera función (*as.character*) es el argumento de entrada de la segunda función (*as.numeric*) quien, a su vez, sirve para ejecutar la suma final.

```
suma<- sum(as.numeric(as.character(BASE$edad)))
```

Sin embargo, este proceso se vuelve complejo y difícil de entender, sobre todo cuando se tiene una gran cantidad de código. Ante esta situación, en los últimos años se ha incentivado el uso de los pipes `%>%`, los cuales permiten escribir una secuencia lineal de comandos. Esto mejora la comprensión del código y facilita su lectura.

```
suma<- BASE$edad %>% as.character() %>% as.numeric() %>% sum()
```

Primero, convertimos la variable edad a carácter

Después, lo convertimos a número

Luego, hacemos la suma

Este último código se debe leer de izquierda a derecha, tal y como sucede con un texto. Los `%>%` indican que el siguiente procedimiento está ligado con el anterior.