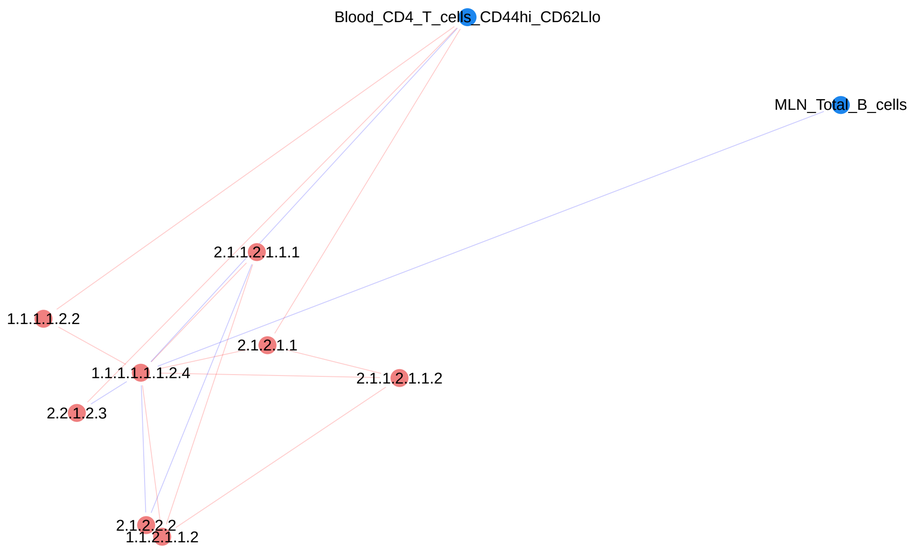
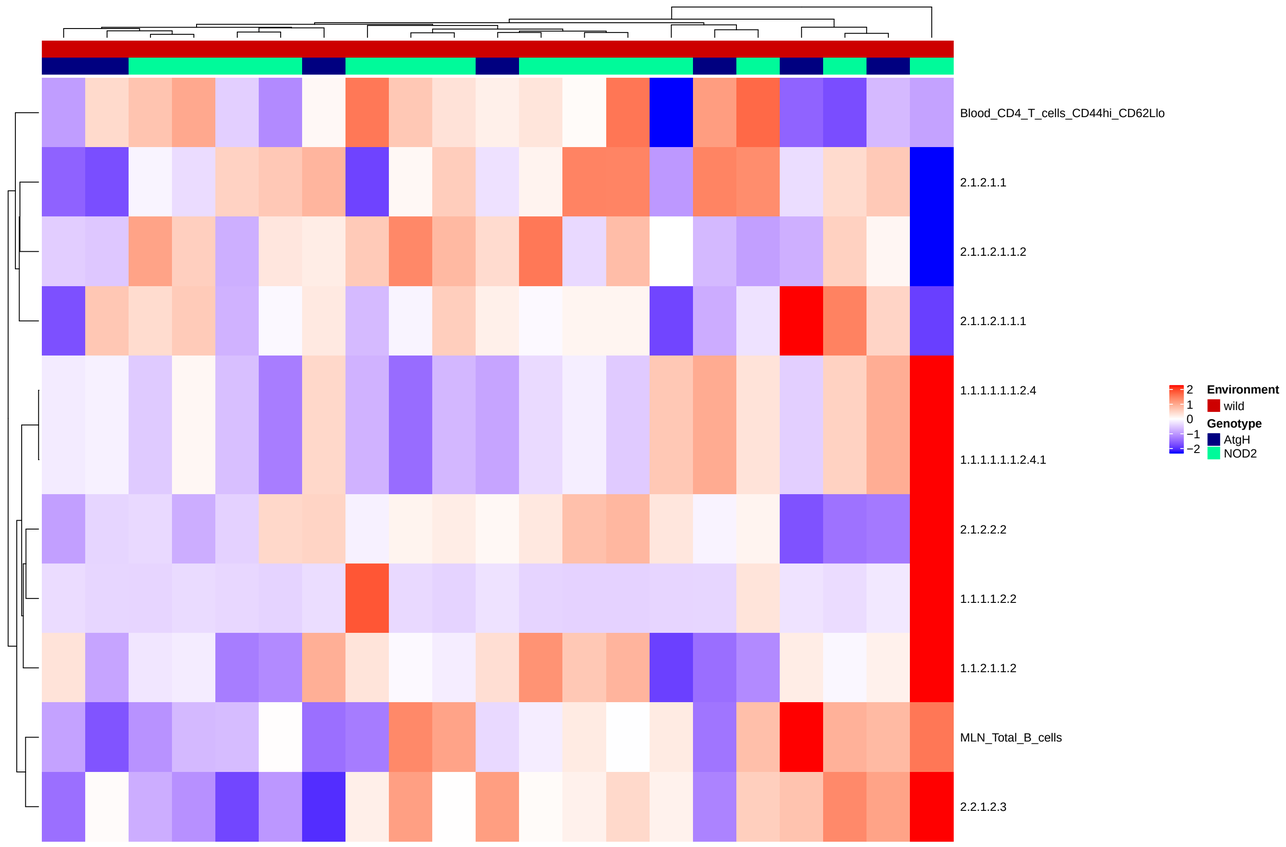
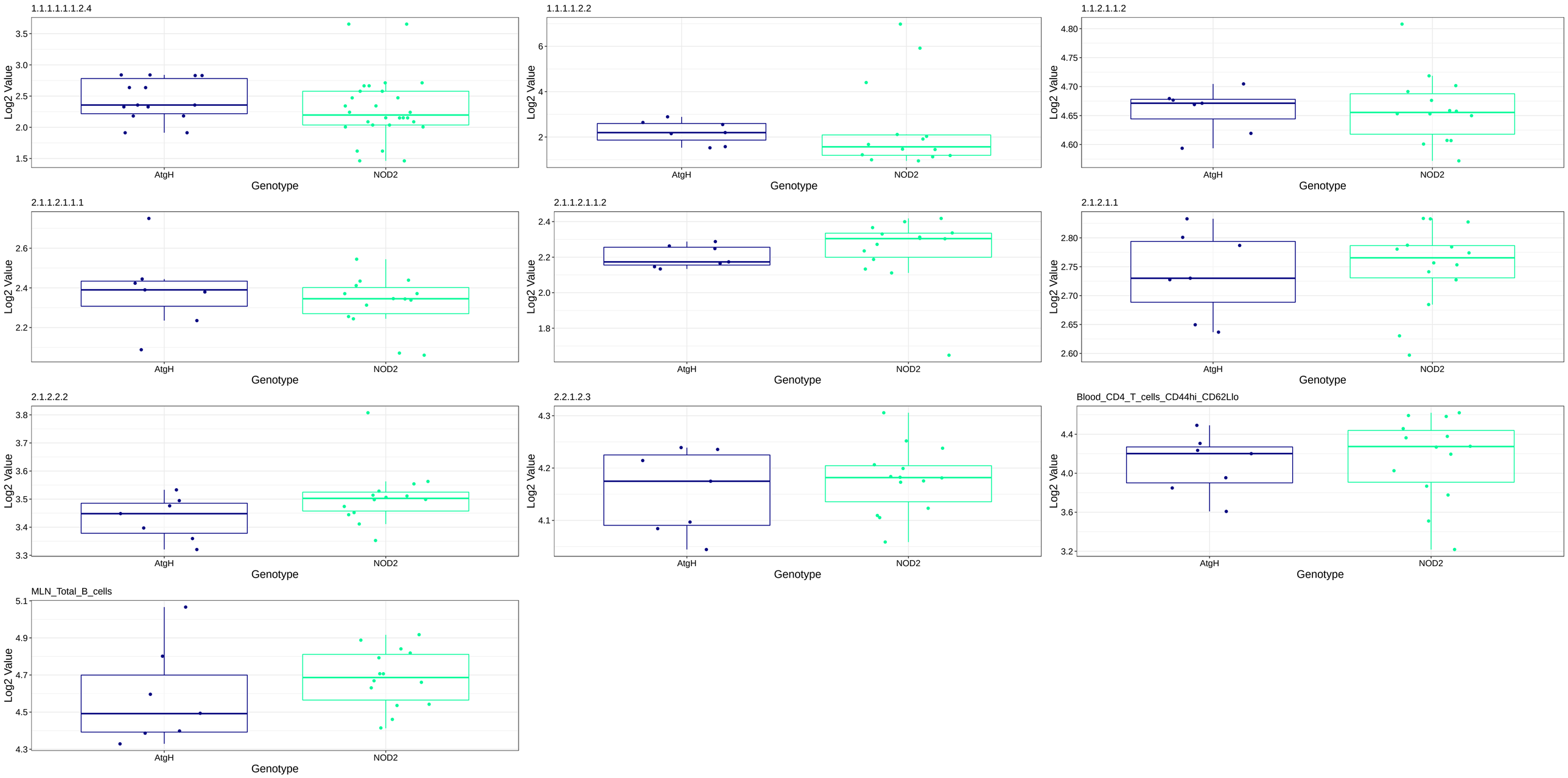
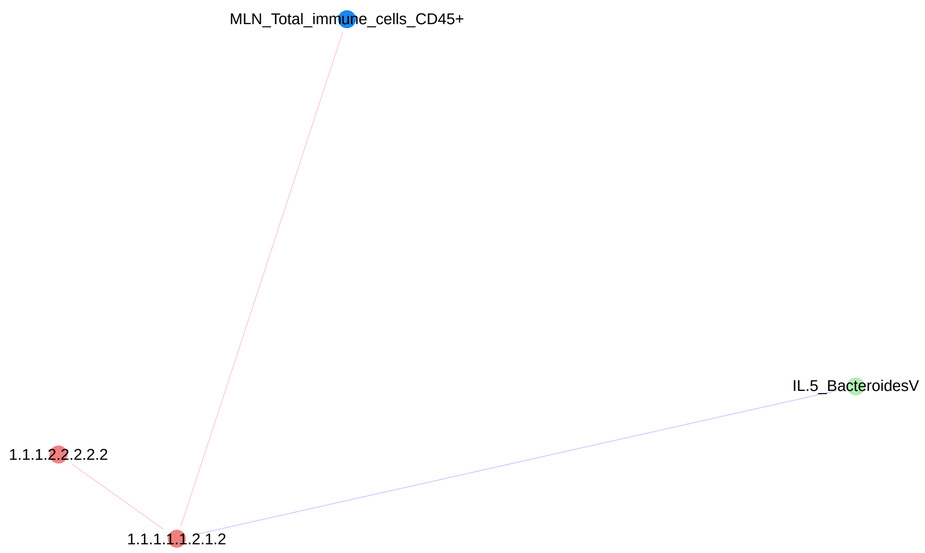
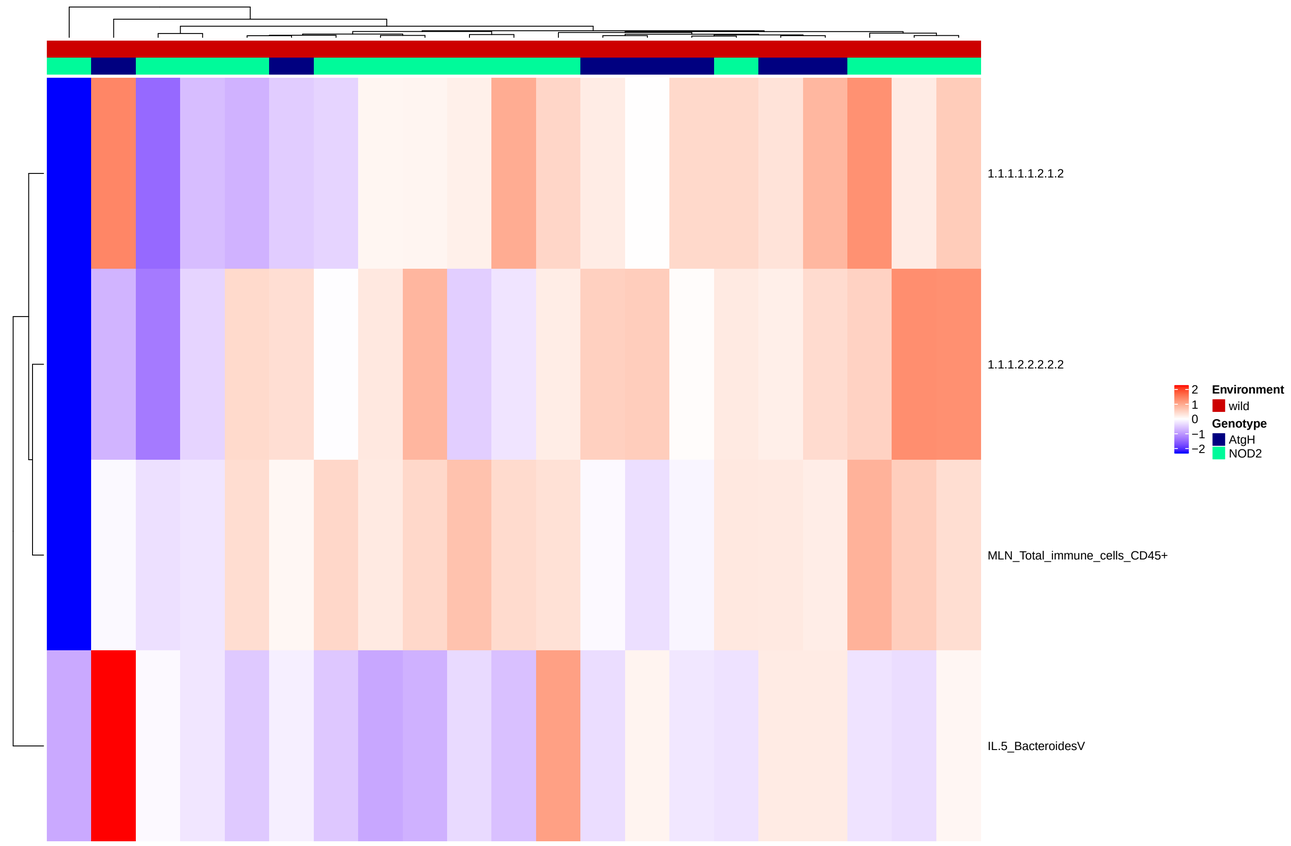
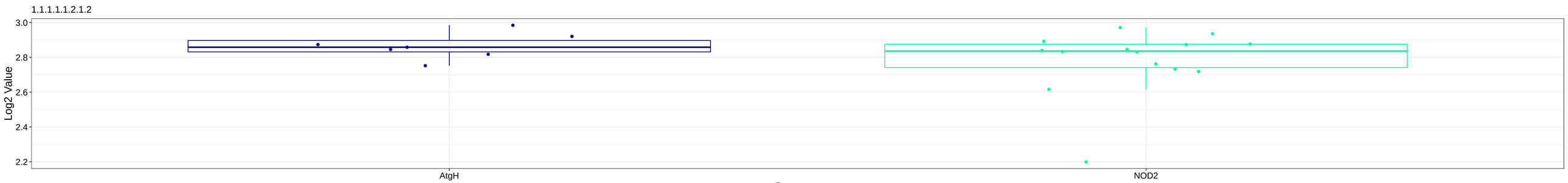

Blood_CD4_T_cells_CD44hi_CD62Llo
MLN_Total_B_cells
2.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.2.2
2.1.2.1.1
1.1.1.1.1.1.2.4
2.1.1.2.1.1.2
2.2.1.2.3
2.1.2.2.2
1.1.2.1.1.2

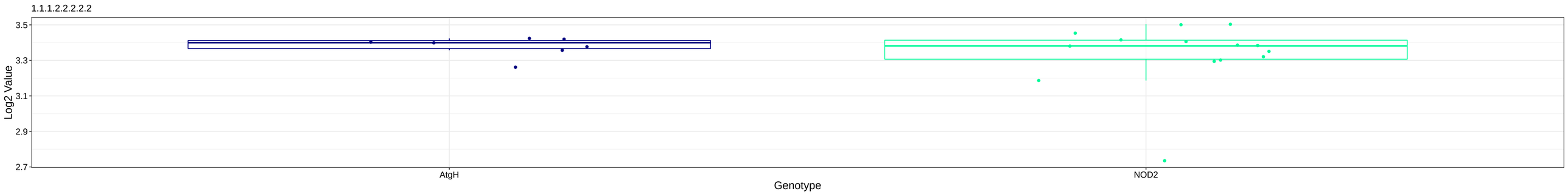

Blood_CD4_T_cells_CD44hi_CD62Llo
2.1.2.1.1
2.1.1.2.1.1.2
2.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.1.1.2.4
1.1.1.1.1.1.2.4.1
2.1.2.2.2
1.1.1.1.2.2
1.1.2.1.1.2
MLN_Total_B_cells
2.2.1.2.3
Environment
wild
Genotype
AtgH
NOD2
2
1
0
−1
−2

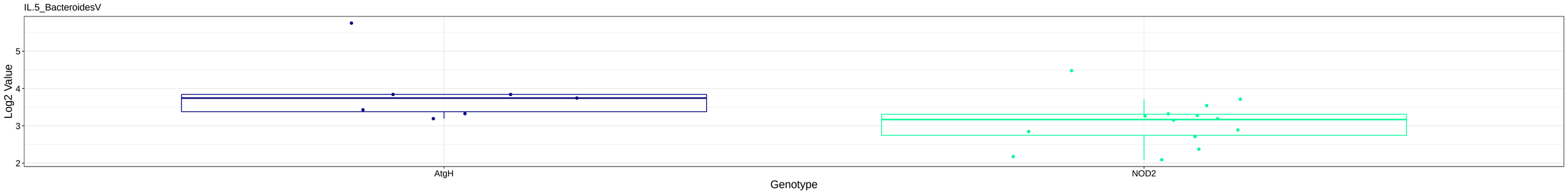

1.1.1.1.1.1.2.4
1.1.1.1.2.2
1.1.2.1.1.2
2.1.1.2.1.1.1
2.1.1.2.1.1.2
2.1.2.1.1
2.1.2.2.2
2.2.1.2.3
Blood_CD4_T_cells_CD44hi_CD62Llo
MLN_Total_B_cells
Log2 Value
Genotype
AtgH
NOD2

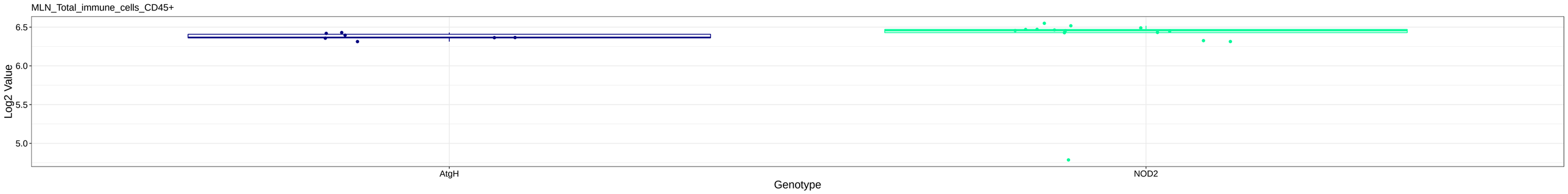

MLN_Total_immune_cells_CD45+
IL.5_BacteroidesV
1.1.1.2.2.2.2.2
1.1.1.1.1.2.1.2

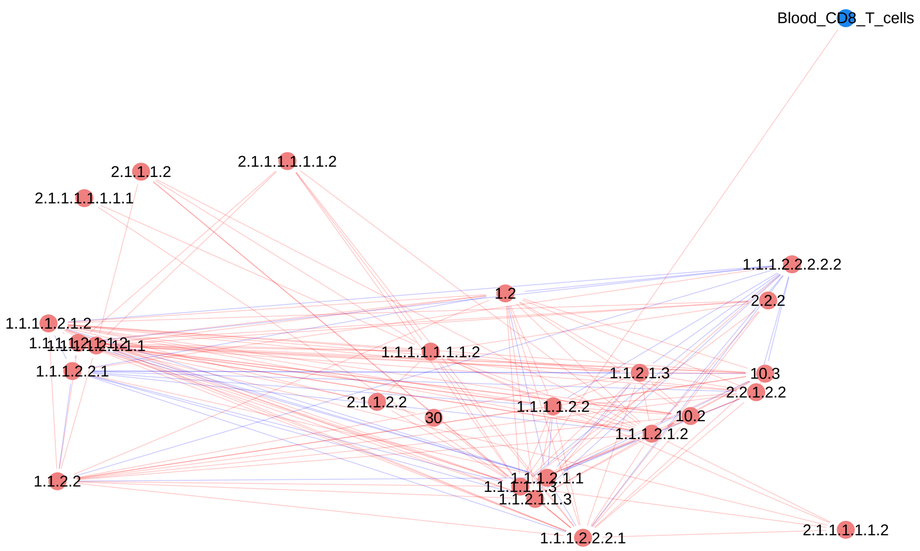

1.1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.2.2.2.2.2
MLN_Total_immune_cells_CD45+
IL.5_BacteroidesV
2
1
0
−1
−2
Environment
wild
Genotype
AtgH
NOD2

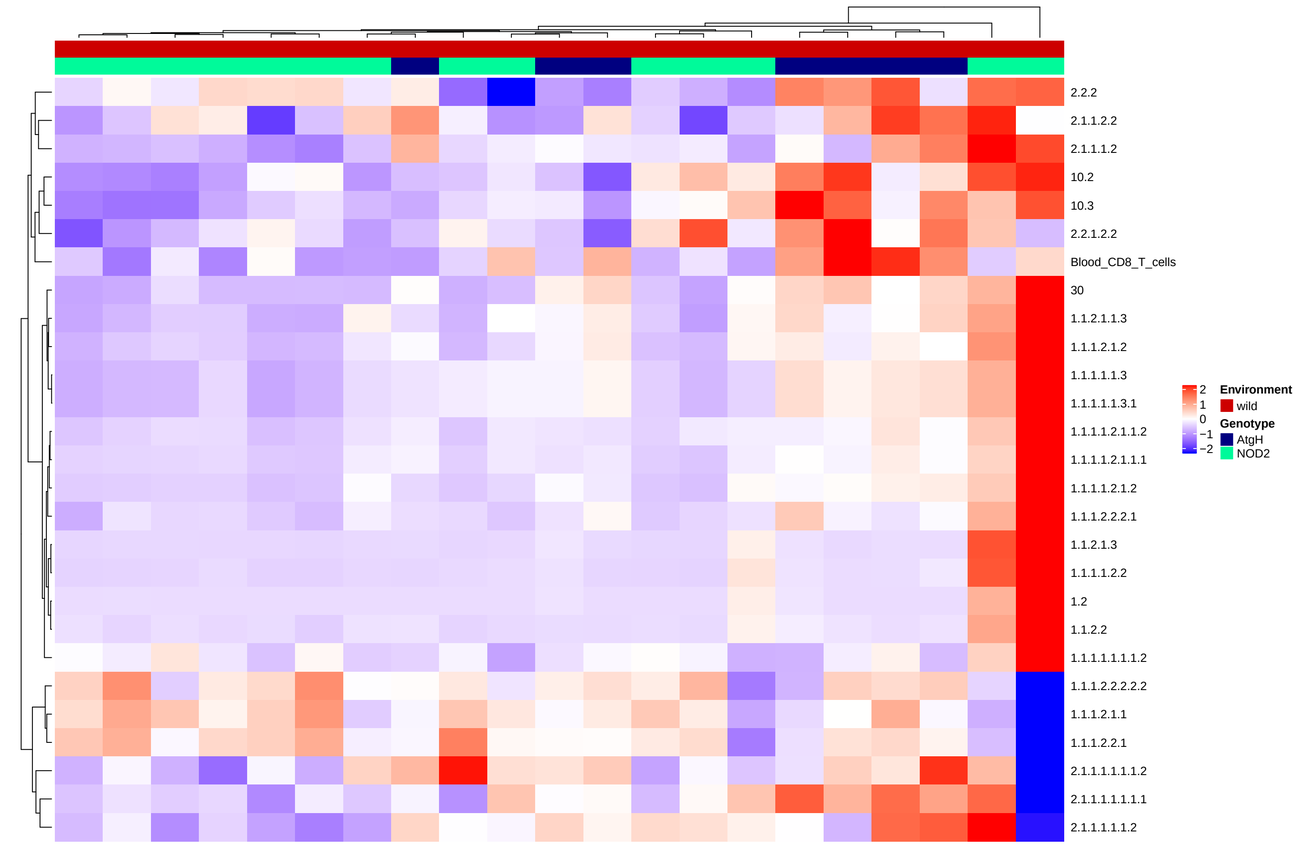

1.1.1.1.1.2.1.2
Log2 Value
3.0
2.8
2.6
2.4
2.2
AtgH
NOD2
Genotype

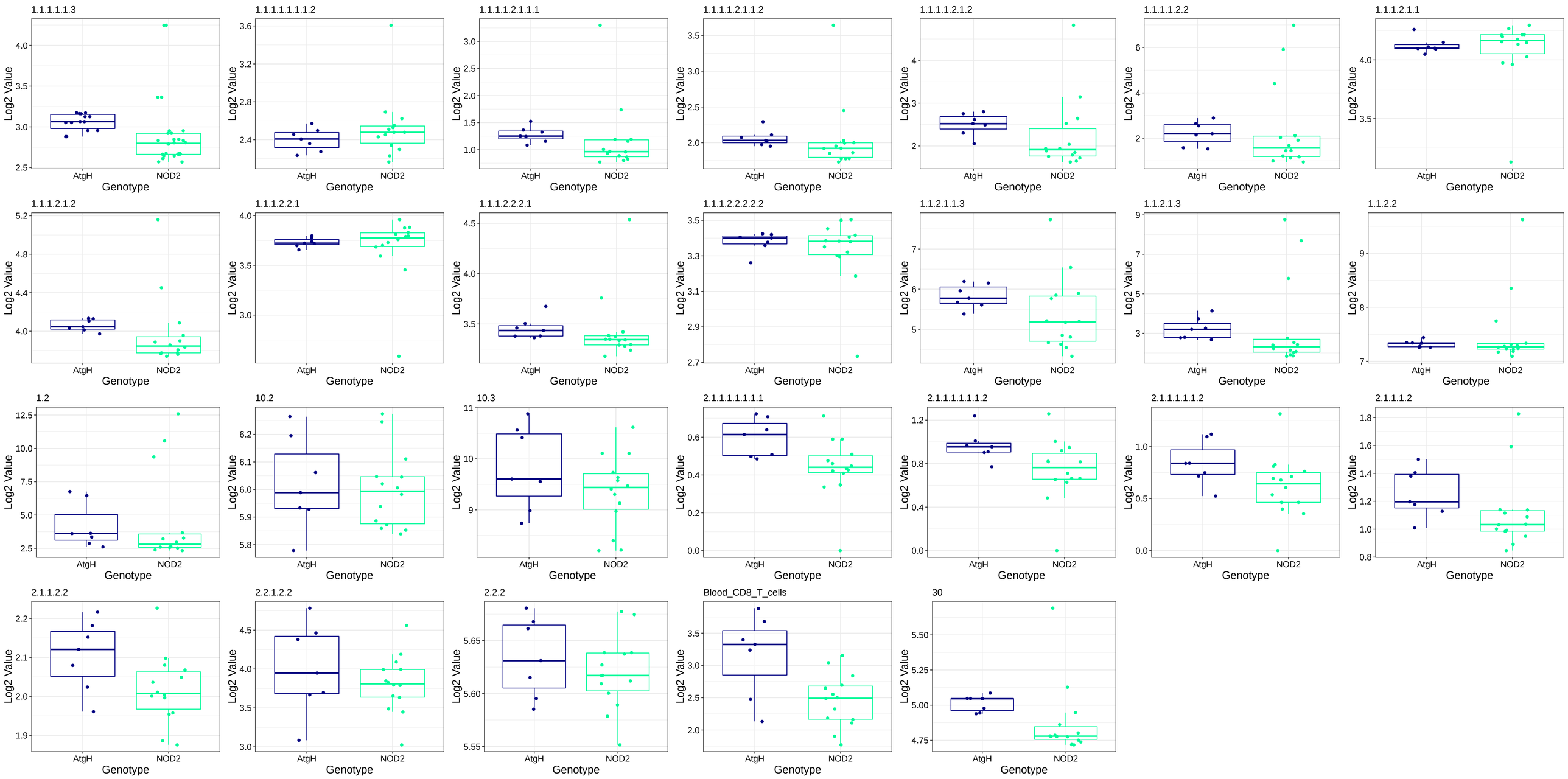

1.1.1.2.2.2.2.2
Log2 Value
3.5
3.3
3.1
2.9
2.7
AtgH
NOD2
Genotype

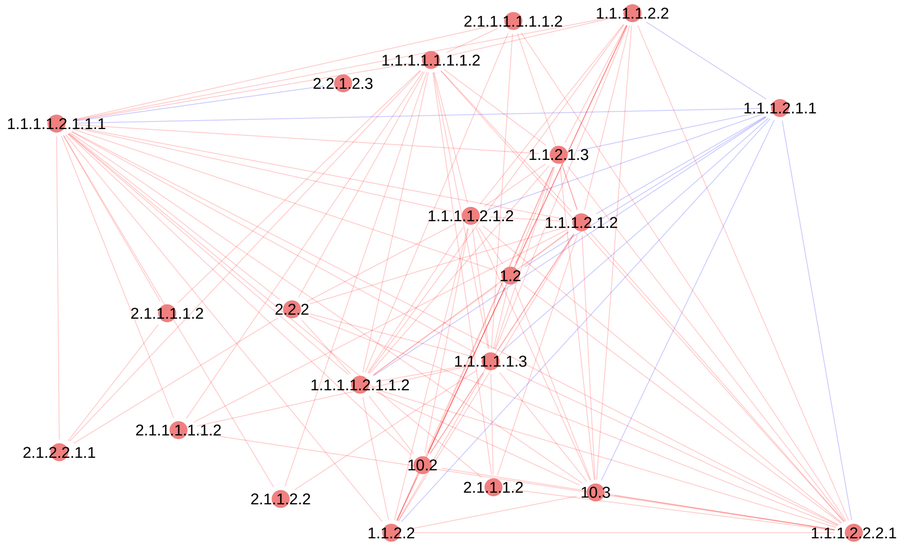

IL.5_BacteroidesV
Log2 Value
5
4
3
2
AtgH
NOD2
Genotype

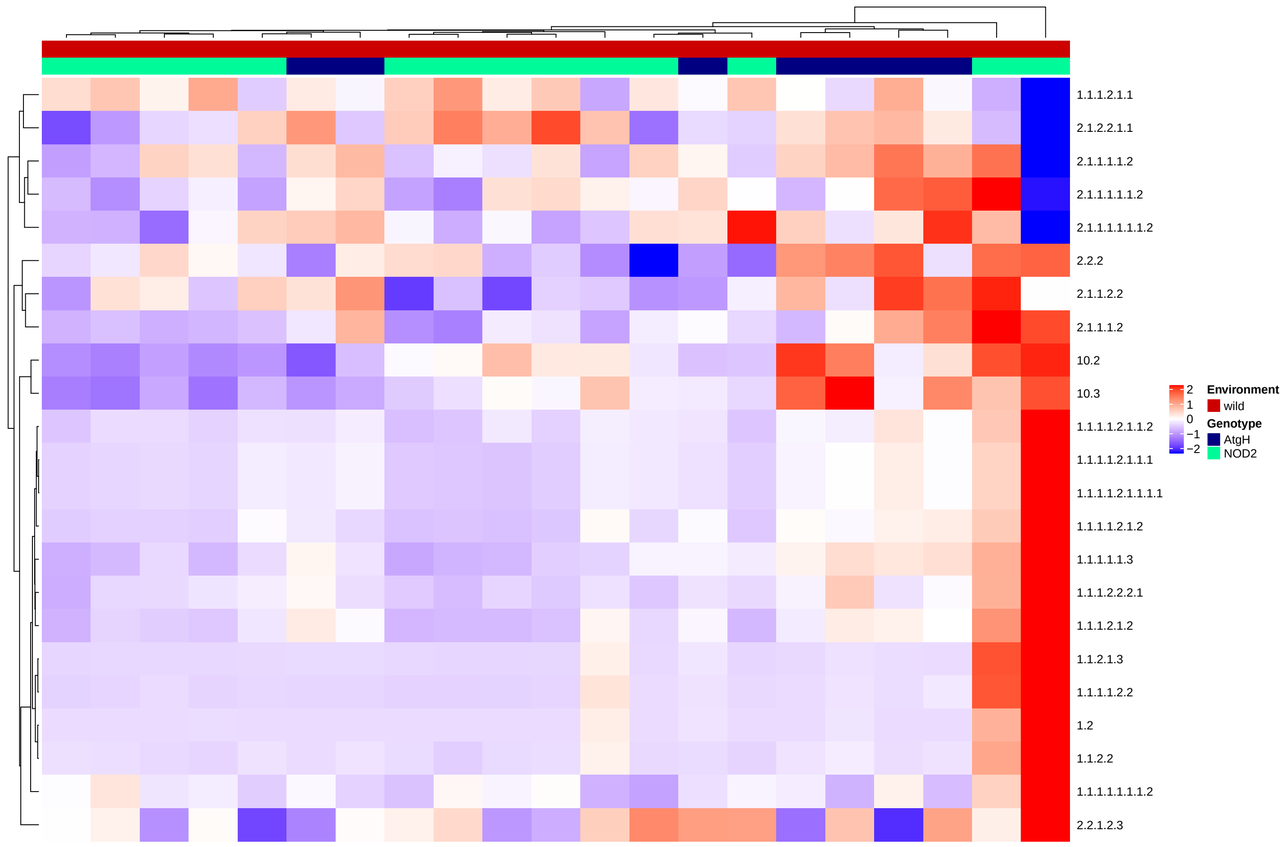

MLN_Total_immune_cells_CD45+
Log2 Value
6.5
6.0
5.5
5.0
AtgH
NOD2
Genotype

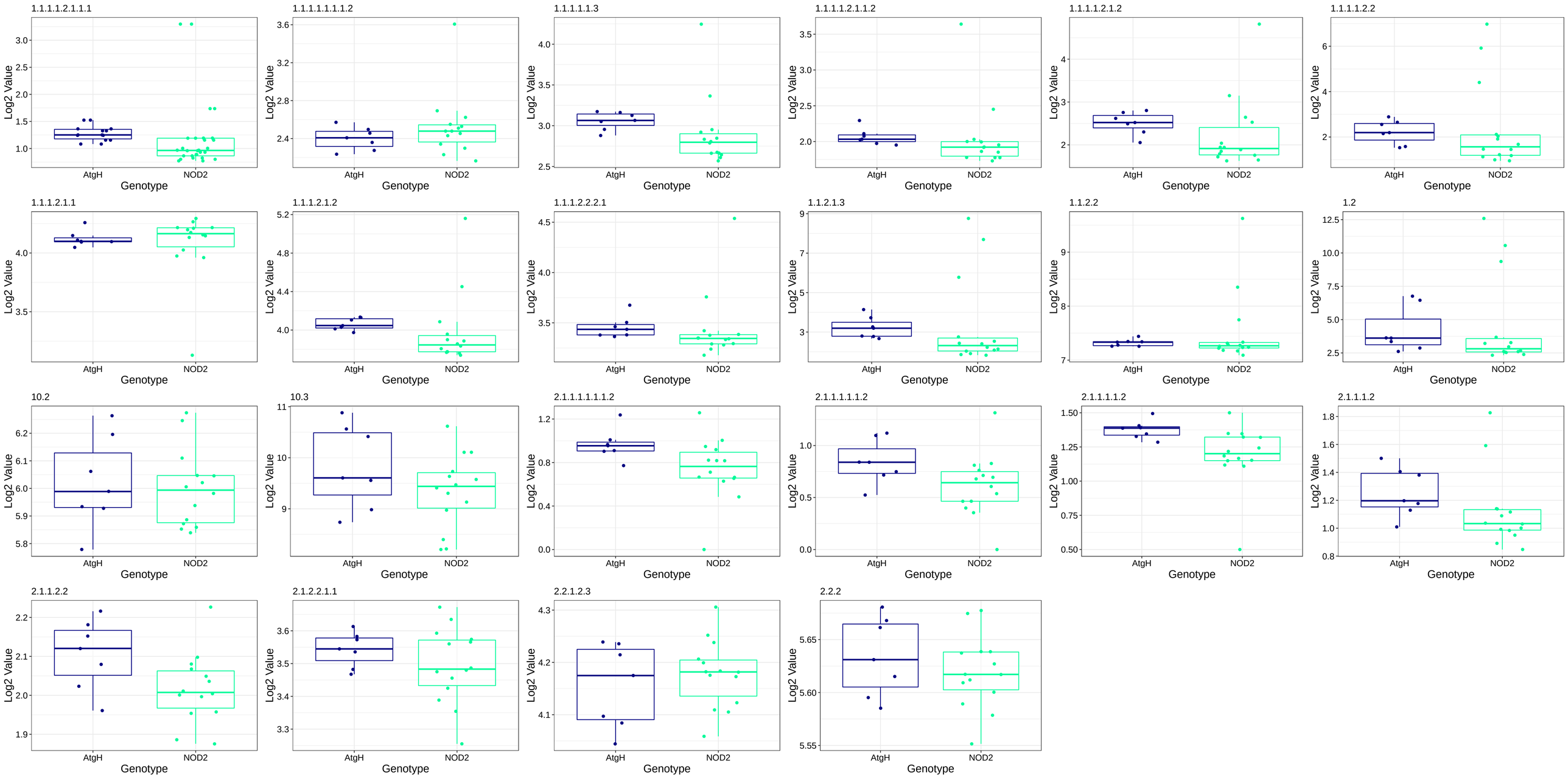

Blood_CD8_T_cells
2.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.1.1
1.1.1.2.2.2.2.2
1.2
2.2.2
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.2.2.1
1.1.2.1.3
10.3
2.2.1.2.2
2.1.1.2.2
30
1.1.1.1.2.2
10.2
1.1.1.2.1.2
1.1.2.2
1.1.1.2.1.1
1.1.2.1.1.3
1.1.1.2.2.2.1
2.1.1.1.1.1.2

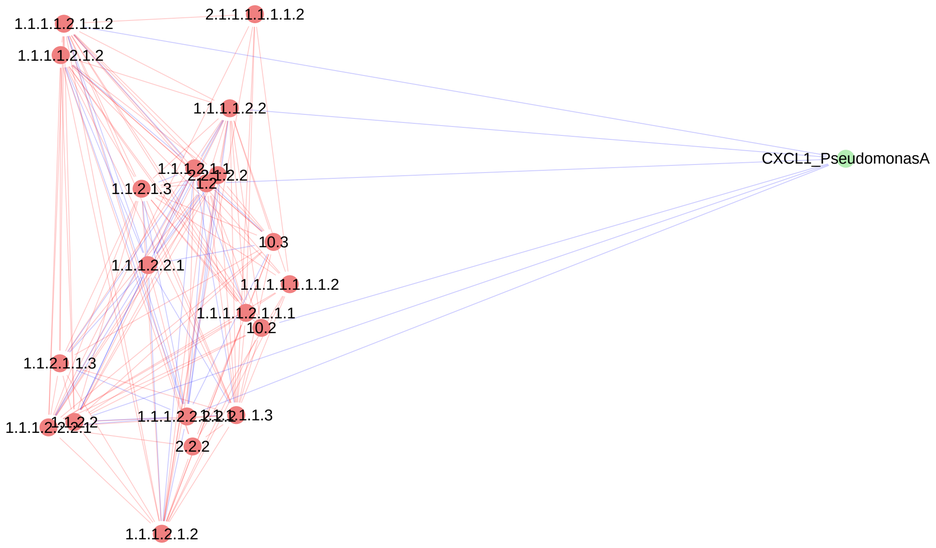

2.2.2
2.1.1.2.2
2.1.1.1.2
10.2
10.3
2.2.1.2.2
Blood_CD8_T_cells
30
1.1.2.1.1.3
1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.1.3
1.1.1.1.1.3.1
1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.2.2.2.1
1.1.2.1.3
1.1.1.1.2.2
1.2
1.1.2.2
1.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.2.2.2.2.2
1.1.1.2.1.1
1.1.1.2.2.1
2.1.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.1.1
2.1.1.1.1.1.2
Environment
wild
Genotype
AtgH
NOD2
2
1
0
−1
−2

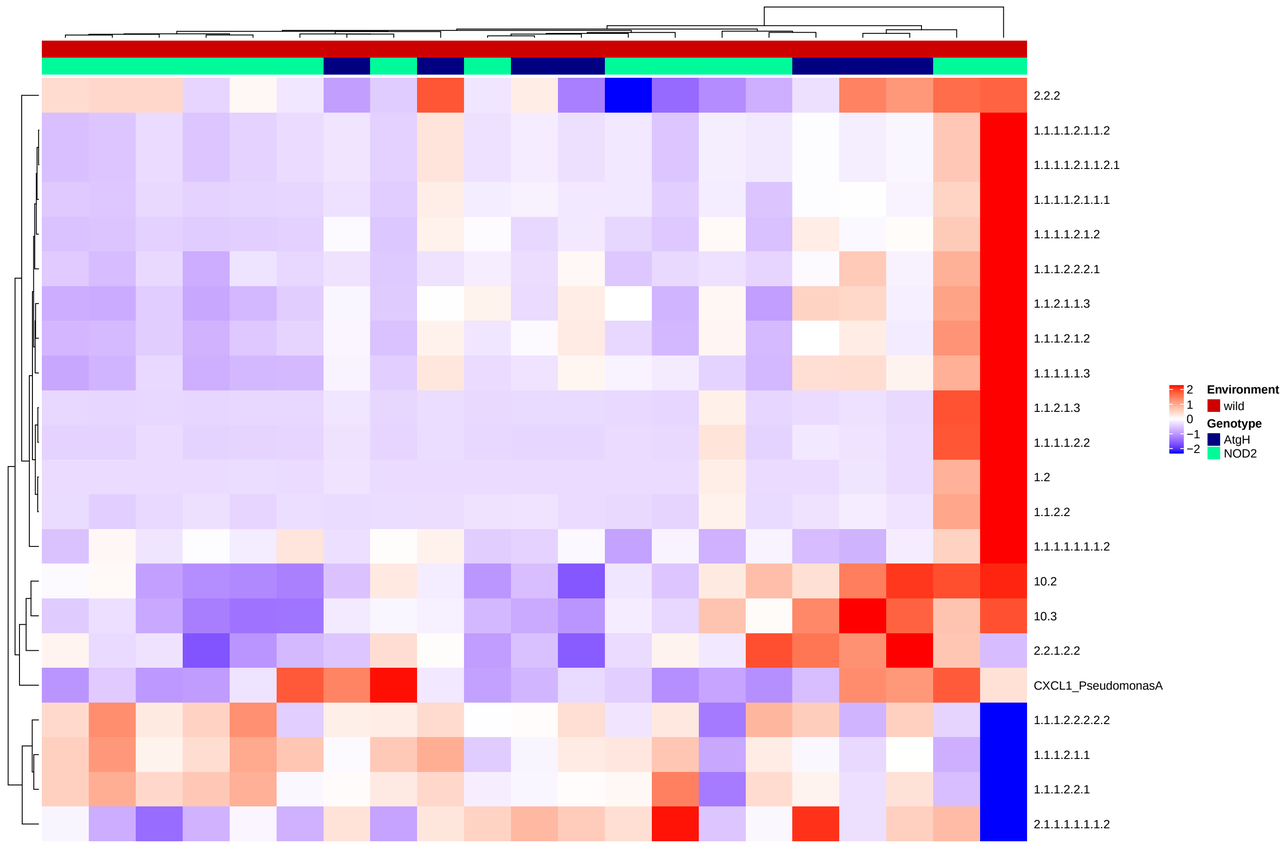

1.1.1.1.1.3
1.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.2.2
1.1.1.2.1.1
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.2.2.1
1.1.1.1.2.2.2.1
1.1.1.1.2.2.2.2.2
1.1.1.2.1.1.3
1.1.2.1.3
1.1.2.2
1.2
10.2
10.3
2.1.1.1.1.1.1.1
2.1.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.2
2.1.1.1.2
2.2.1.2.2
2.2.2
Blood_CD8_T_cells
30
Log2 Value
Genotype
AtgH
NOD2

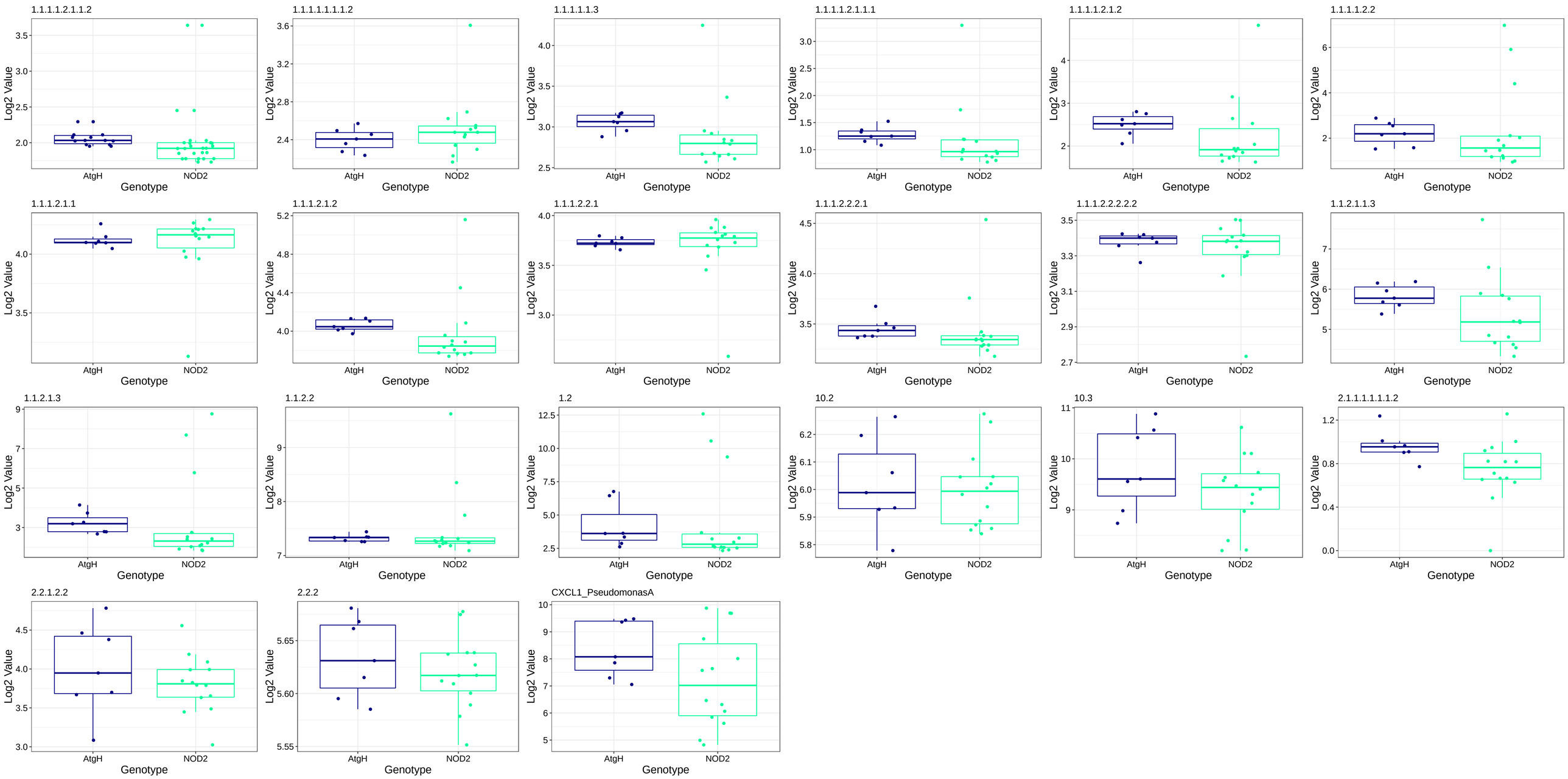

2.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.1.2.2
1.1.1.1.1.1.1.2
2.2.1.2.3
1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.2.1.1
1.1.2.1.3
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.2.1.2
1.2
2.1.1.1.1.2
2.2.2
1.1.1.1.1.3
1.1.1.1.2.1.1.2
2.1.1.1.1.1.2
2.1.2.2.1.1
10.2
2.1.1.2.2
2.1.1.1.2
10.3
1.1.1.2.2
1.1.1.2.2.1


1.1.1.2.1.1
2.1.2.2.1.1
2.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.1.1.2
2.2.2
2.1.1.2.2
2.1.1.1.2
10.2
10.3
1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.2.1.1.1.1
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.1.3
1.1.1.2.2.2.1
1.1.1.2.1.2
1.1.2.1.3
1.1.1.1.2.2
1.2
1.1.2.2
1.1.1.1.1.1.1.2
2.2.1.2.3
Environment
wild
Genotype
AtgH
NOD2
2
1
0
−1
−2


1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.1.1.3
1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.2.2
1.1.1.1.2.1.1
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.2.2.2.1
1.1.2.1.3
1.1.2.2
1.2
10.2
10.3
2.1.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.1.2
2.1.1.1.1.2
2.1.1.1.2
2.1.1.2.2
2.1.2.2.1.1
2.2.1.2.3
2.2.2
Log2 Value
Genotype
AtgH
NOD2


CXCL1_PseudomonasA
1.1.1.1.2.1.1.2
2.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.2.2
1.1.2.1.3
10.3
1.1.1.2.2.1
1.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.1.2.1.1.1
10.2
1.1.2.1.1.3
2.2.2
1.1.1.2.1.2


2.2.2
1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.2.1.1.2.1
1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.2.2.2.1
1.1.2.1.1.3
1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.1.3
1.1.2.1.3
1.1.1.1.2.2
1.2
1.1.2.2
1.1.1.1.1.1.1.2
10.2
10.3
2.2.1.2.2
CXCL1_PseudomonasA
1.1.1.2.2.2.2.2
1.1.1.2.1.1
1.1.1.2.2.1
2.1.1.1.1.1.1.2
Environment
wild
Genotype
AtgH
NOD2


1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.1.1.1.2
1.1.1.1.1.3
1.1.1.1.2.1.1.1
1.1.1.1.2.1.1.2
1.1.1.1.2.2
1.1.1.1.2.1.1
1.1.1.1.2.1.2
1.1.1.1.2.2.1
1.1.1.1.2.2.2.1
1.1.1.1.2.2.2.2
1.1.2.1.1.3
1.1.2.1.3
1.1.2.2
1.2
10.2
10.3
2.1.1.1.1.1.1.2
2.2.1.2.2
2.2.2
CXCL1_PseudomonasA
Log2 Value
AtgH
NOD2
Genotype