For the row name --- order:(12_3_4)
1.Disease
2.Platform

3.Pathway name4.Sample status

4. ODL 00

A: GPL96 B: GPL570 CN: Tissue

NC: Adjacent Normal

For the column name --- rejected count rate

countM: Mardia's test countH: Henze-Zirkler's

test

countR: Royston's test

countN: N-statistic

(energy test)

count2: Any 2 rejected

tests

Seed times: 500

BreastA PISK ARI unique_CN	Probe: 4, Unique gene: Yes	countM	countH	countR	countN	countHR	countHN	countRN	count2	countHRN
ColorectalB_P35_unique_CN	BreastA_PI3K_Akt_unique_CN									0.044
ColorectalB PI3K Akt unique CN										0.02
Colorectalls Traft Deta_unique_CN										
ColorectalB Mrt unique CN										
ColorectalB Wrl. unique CN										
LungA_Cell_cycle_unique_CN										
Lunga A EGIFR, unique CN 0.418 0.314 0.354 0.454 0.268 0.308 0.366 0.41 0.266 Lunga Jak, STAT unique CN 0.498 0.468 0.696 0.422 0.48 0.572 0.452 Lunga A, mapk, unique CN 0.498 0.468 0.69 0.566 0.424 0.454 0.514 0.556 0.418 Lunga A, DTOR unique CN 0.49 0.538 0.69 0.61 0.482 0.514 0.556 0.596 0.422 Lunga A, Wint unique CN 0.368 0.4 0.7 0.452 0.358 0.372 0.406 0.464 0.336 Lung B, ECH Levele unique CN 0.878 0.742 0.918 0.862 0.728 0.74 0.836 0.484 0.628 Lung B, STAT unique CN 0.828 0.632 0.88 0.788 0.666 0.669 0.782 0.81 0.666 Lung B, Drigue CN 0.776 0.638 0.832 0.632 0.88 0.786 0.660 0.676		0.072							• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	0.028
LungA_Jak_STAT_unique_CN										
LungA_mapk_unique_CN										
LungA nTOR unique CN										
LungA p53 unique CN										
LungA Wnt_unique_CN										
LungB Cell cycle unique CN 0.878 0.742 0.918 0.862 0.728 0.74 0.836 0.848 0.728 0.728 0.748 0.874 0.588 0.626 0.718 0.756 0.588 0.885 0.768 0.76										
LungB EGFR_unique_CN 0.824 0.628 0.8 0.784 0.588 0.626 0.718 0.756 0.588 LungB_Jak_STAT_unique_CN 0.828 0.632 0.88 0.788 0.616 0.628 0.76 0.776 0.638 LungB_mapk_unique_CN 0.838 0.7 0.87 0.826 0.668 0.699 0.782 0.81 LungB_p53_unique_CN 0.818 0.704 0.894 0.814 0.666 0.698 0.796 0.812 0.684 LungB_Wnt unique_CN 0.826 0.656 0.878 0.792 0.63 0.654 0.76 0.788 0.692 LeukemiaA_BX_STAT_unique_CN 0.424 0.26 0.62 0.384 0.228 0.248 0.346 0.378 0.222 LeukemiaA_mTOR_unique_CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.146 0.172 0.222 0.268 0.136 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.030		0.368		0.7						
LungB Jak STAT unique CN 0.828 0.632 0.88 0.788 0.616 0.628 0.76 0.776 0.614 LungB mapk unique CN 0.838 0.7 0.87 0.826 0.668 0.696 0.782 0.81 0.668 LungB mTOR unique CN 0.818 0.704 0.894 0.814 0.686 0.698 0.796 0.812 0.684 LungB Wnt unique CN 0.826 0.656 0.878 0.792 0.63 0.554 0.76 0.788 0.628 LeukemiaA MTOR unique CN 0.424 0.26 0.62 0.384 0.228 0.248 0.346 0.378 0.222 LeukemiaA MTOR unique CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA Wnt unique CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA Wnt unique CN 0.446 0.322 0.594 0.4 0.308 0.312 0.37 0.386 0.302 BreastA PI3K Akt unique NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.05 0.068 0.086 0.034 ColorectalB p53 unique NC 0.04 0.056 0.148 0.078 0.022 0.038 0.052 0.072 0.092 ColorectalB PI3K Akt unique NC 0.054 0.044 0.156 0.084 0.022 0.038 0.052 0.072 0.002 ColorectalB TGF beta unique NC 0.054 0.056 0.056 0.066 0.012 0.04 0.012 0.044 0.010 ColorectalB TGF beta unique NC 0.054 0.056 0.066 0.012 0.044 0.012 0.044 0.010 ColorectalB TGF beta unique NC 0.055 0.054 0.066 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.012 0.044 0.014 0.014 0.014 0.014 0.014 0.014 0.014 0.014 0.014 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015 0.014 0.015										
LungB_mapk_unique_CN 0.838 0.7 0.87 0.826 0.668 0.696 0.782 0.81 0.668 LungB_mTOR_unique_CN 0.776 0.638 0.832 0.764 0.604 0.63 0.72 0.754 0.6 LungB_DS3_unique_CN 0.818 0.704 0.894 0.814 0.686 0.698 0.796 0.812 0.628 LukemiaA_BS_STAT_unique_CN 0.826 0.656 0.878 0.792 0.63 0.654 0.76 0.788 0.628 LeukemiaA_MTOR_unique_CN 0.424 0.26 0.62 0.384 0.228 0.248 0.346 0.378 0.222 LeukemiaA_MTOR_unique_CN 0.446 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA_MT unique_CN 0.446 0.322 0.594 0.4 0.308 0.312 0.37 0.386 0.32 BreastA_PISK_Akt_unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.054										
LungB_mTOR_unique_CN 0.776 0.638 0.832 0.764 0.604 0.63 0.72 0.754 0.6 LungB_p53 unique_CN 0.818 0.704 0.894 0.814 0.686 0.698 0.796 0.812 0.682 LeukemiaA_BW_mt unique_CN 0.424 0.26 0.656 0.878 0.792 0.63 0.654 0.76 0.788 0.628 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_CN 0.424 0.26 0.62 0.384 0.228 0.248 0.346 0.372 0.146 0.172 0.222 0.268 0.136 LeukemiaA_PTSK_Akt_unique_CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.22 LeukemiaA_PTSK_Akt_unique_NC 0.446 0.322 0.594 0.4 0.308 0.312 0.37 0.386 0.302 BreastA_PTSK_Akt_unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.044 0.072 0.092 0.118 0.046 ColorectalB_PTSK_Akt_										
LungB_D53_unique_CN 0.818 0.704 0.894 0.814 0.686 0.698 0.796 0.812 0.684 LungB_Wnt unique_CN 0.826 0.656 0.878 0.792 0.63 0.654 0.76 0.788 0.628 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_CN 0.424 0.26 0.62 0.384 0.228 0.248 0.346 0.376 0.222 LeukemiaA_mTOR_unique_CN 0.406 0.188 0.446 0.272 0.146 0.172 0.222 0.268 0.136 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA_Wnt unique_CN 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.312 0.37 0.386 0.302 BreastA_PI3K_Akt_unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.046 0.072 0.092 0.118 0.046 ColorectalB_P13K_Akt_unique_NC 0.04 0.056 0.148 0.078 <t< td=""><td></td><td>0.838</td><td></td><td>0.87</td><td></td><td></td><td>0.696</td><td>0.782</td><td>0.81</td><td>0.668</td></t<>		0.838		0.87			0.696	0.782	0.81	0.668
LungB Wnt unique CN 0.826 0.656 0.878 0.792 0.63 0.654 0.76 0.788 0.628 LeukemiaA Jak STAT unique CN 0.424 0.26 0.62 0.384 0.228 0.248 0.346 0.378 0.222 LeukemiaA PISK Akt unique CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA PISK Akt unique CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA Wnt unique CN 0.446 0.322 0.594 0.4 0.308 0.312 0.37 0.386 0.302 BreastA PISK Akt unique NC 0.18 0.08 0.24 0.136 0.046 0.072 0.092 0.118 0.046 ColorectalB PS3 unique NC 0.04 0.056 0.148 0.078 0.028 0.054 0.042 0.036 0.052 0.072 0.022 ColorectalB PISK Akt unique NC 0.062 0.054 0.17 <										
LeukemiaA_Jak_STAT_unique_CN										
LeukemiaA_mTOR_unique_CN 0.304 0.188 0.446 0.272 0.146 0.172 0.222 0.268 0.136 LeukemiaA_PTSK_Akt_unique_CN 0.446 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA_Wnt unique_CN 0.446 0.322 0.594 0.4 0.308 0.312 0.37 0.386 0.325 BreastA_With unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.05 0.068 0.086 0.024 0.136 0.046 0.072 0.092 0.118 0.046 ColorectalB_PS3_unique_NC 0.04 0.056 0.148 0.078 0.028 0.054 0.036 0.052 0.072 0.026 ColorectalB_PS3_unique_NC 0.054 0.044 0.156 0.084 0.022 0.038 0.052 0.072 0.026 ColorectalB_TGF_beta_unique_NC 0.062 0.054 0.17 0.074 0.024 0.042 0.04 0.012 0.044 0.012 <td></td> <td></td> <td></td> <td></td> <td></td> <td></td> <td>0.654</td> <td>0.76</td> <td></td> <td></td>							0.654	0.76		
LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_CN 0.416 0.29 0.55 0.348 0.26 0.272 0.318 0.35 0.25 LeukemiaA Wnt unique_CN 0.446 0.322 0.594 0.4 0.308 0.312 0.37 0.386 0.302 BreastA_PI3K_Akt_unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.05 0.068 0.086 0.086 ColorectalB_PSIX_Akt_unique_NC 0.01 0.056 0.148 0.078 0.028 0.054 0.036 0.062 0.024 ColorectalB_PI3K_Akt_unique_NC 0.054 0.044 0.156 0.084 0.022 0.038 0.052 0.072 0.02 ColorectalB_RS_unique_NC 0.062 0.054 0.17 0.074 0.024 0.042 0.04 0.062 0.022 ColorectalB_Wnt unique_NC 0.038 0.046 0.056 0.066 0.012 0.04 0.012 0.044 0.01 ColorectalB_TGF_beta_unique_NC 0.035 0.222 0.43 0.162 0.1 <td></td>										
LeukemiaA Wnt unique CN		0.304		0.446	0.272			0.222		
BreastA_PI3K_Akt_unique_NC 0.14 0.058 0.184 0.118 0.036 0.05 0.068 0.086 0.034 BreastA_Wnt_unique_NC 0.18 0.08 0.24 0.136 0.046 0.072 0.092 0.118 0.046 ColorectalB_P53_unique_NC 0.04 0.056 0.148 0.078 0.028 0.054 0.036 0.062 0.028 ColorectalB_P13K_Akt_unique_NC 0.054 0.014 0.156 0.084 0.022 0.038 0.052 0.072 0.02 ColorectalB_R8s_unique_NC 0.062 0.054 0.17 0.074 0.024 0.042 0.04 0.062 0.022 ColorectalB_T6F_beta_unique_NC 0.038 0.046 0.056 0.066 0.012 0.04 0.012 0.044 0.012 ColorectalB_Wnt_unique_NC 0.072 0.054 0.162 0.1 0.026 0.05 0.046 0.07 0.026 LungA_Cell_cycle_unique_NC 0.35 0.222 0.43 0.348 0.144		0.416		0.55	0.348	0.26				
BreastA Wnt unique NC										
ColorectalB_p53_unique_NC ColorectalB_P13K_Akt_unique_NC ColorectalB_P13K_Akt_unique_NC ColorectalB_P13K_Akt_unique_NC ColorectalB_R3s_unique_NC ColorectalB_R3s_unique_NC ColorectalB_R3s_unique_NC ColorectalB_TGF_beta_unique_NC ColorectalB_TGF_beta_unique_NC ColorectalB_TGF_beta_unique_NC ColorectalB_Wnt_unique_NC ColorectalB_Colo										
ColorectalB_PI3K_Akt_unique_NC 0.054 0.044 0.156 0.084 0.022 0.038 0.052 0.072 0.02 ColorectalB_Ras_unique_NC 0.062 0.054 0.17 0.074 0.024 0.042 0.04 0.062 0.022 ColorectalB_TGF_beta_unique_NC 0.038 0.046 0.056 0.066 0.012 0.04 0.012 0.044 0.01 ColorectalB_Wnt unique_NC 0.055 0.054 0.162 0.1 0.026 0.05 0.046 0.07 0.026 LungA_Cell_cycle_unique_NC 0.355 0.222 0.43 0.348 0.144 0.212 0.244 0.316 0.142 LungA_EGFR_unique_NC 0.412 0.262 0.438 0.358 0.176 0.248 0.258 0.144 0.298 0.158 0.202 0.224 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_p53_unique_NC <										
ColorectalB_Ras_unique_NC 0.062 0.054 0.17 0.074 0.024 0.042 0.04 0.062 0.022 ColorectalB_TGF_beta_unique_NC 0.038 0.046 0.056 0.066 0.012 0.04 0.012 0.044 0.01 ColorectalB_Wnt_unique_NC 0.072 0.054 0.162 0.1 0.026 0.05 0.046 0.07 0.026 LungA_Cell_cycle_unique_NC 0.35 0.222 0.43 0.348 0.144 0.212 0.244 0.316 0.142 LungA_BGFR_unique_NC 0.412 0.262 0.438 0.358 0.176 0.248 0.258 0.334 0.174 LungA_Jak_STAT_unique_NC 0.258 0.164 0.396 0.248 0.128 0.146 0.206 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.355 0.172 0.45 0.256 0.13 0.15										
ColorectalB_TGF_beta_unique_NC 0.038 0.046 0.056 0.066 0.012 0.04 0.012 0.044 0.012 ColorectalB_Wnt_unique_NC 0.072 0.054 0.162 0.1 0.026 0.05 0.046 0.07 0.026 LungA_Cell_cycle_unique_NC 0.35 0.222 0.43 0.348 0.144 0.212 0.244 0.316 0.142 LungA_EGFR_unique_NC 0.412 0.262 0.438 0.358 0.176 0.248 0.258 0.334 0.174 LungA_Jak_STAT_unique_NC 0.258 0.164 0.396 0.248 0.128 0.146 0.206 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_Wnt_unique_NC 0.355 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 <td></td>										
ColorectalB_Wnt_unique_NC 0.072 0.054 0.162 0.1 0.026 0.05 0.046 0.07 0.026 LungA_Cell_cycle_unique_NC 0.35 0.222 0.43 0.348 0.144 0.212 0.244 0.316 0.142 LungA_EGFR_unique_NC 0.412 0.262 0.438 0.358 0.176 0.248 0.258 0.334 0.174 LungA_Jak_STAT_unique_NC 0.258 0.164 0.396 0.248 0.128 0.146 0.206 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.884 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834										
LungA_Cell_cycle_unique_NC 0.35 0.222 0.43 0.348 0.144 0.212 0.244 0.316 0.142 LungA_EGFR_unique_NC 0.412 0.262 0.438 0.358 0.176 0.248 0.258 0.334 0.174 LungA_Jak_STAT_unique_NC 0.258 0.164 0.396 0.248 0.128 0.146 0.206 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.12 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 <										
LungA_EGFR_unique_NC 0.412 0.262 0.438 0.358 0.176 0.248 0.258 0.334 0.174 LungA_Jak_STAT_unique_NC 0.258 0.164 0.396 0.248 0.128 0.146 0.206 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.122 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.808 LungB_EGFR_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0						• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •				
LungA_Jak_STAT_unique_NC 0.258 0.164 0.396 0.248 0.128 0.146 0.206 0.232 0.124 LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.122 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.808 LungB_GFR_unique_NC 0.894 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.828 LungB_mak_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87<										
LungA_mapk_unique_NC 0.316 0.216 0.414 0.298 0.158 0.202 0.226 0.282 0.152 LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.13 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.808 LungB_EGFR_unique_NC 0.926 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.828 LungB_Jak_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852<										
LungA_mTOR_unique_NC 0.372 0.208 0.428 0.328 0.156 0.2 0.244 0.288 0.156 LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.122 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.802 LungB_EGFR_unique_NC 0.926 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.822 LungB_Jak_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.786 LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_p53_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904<										
LungA_p53_unique_NC 0.35 0.172 0.45 0.256 0.13 0.156 0.214 0.24 0.13 LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.122 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.808 LungB_GFR_unique_NC 0.926 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.822 LungB_Jak_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.784 LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_y53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 <td></td>										
LungA_Wnt_unique_NC 0.288 0.16 0.378 0.264 0.122 0.152 0.214 0.244 0.122 LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.808 LungB_EGFR_unique_NC 0.926 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.828 LungB_Jak_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.784 LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088										
LungB_Cell_cycle_unique_NC 0.894 0.838 0.916 0.89 0.808 0.834 0.856 0.882 0.808 LungB_EGFR_unique_NC 0.926 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.828 LungB_Inamal_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.784 LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.886 0.764 LungB Wnt unique_NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088										
LungB_EGFR_unique_NC 0.926 0.872 0.928 0.93 0.832 0.866 0.89 0.932 0.828 LungB_Jak_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.784 LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.886 0.764 LungB_Wnt unique_NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_PT3K_Akt_unique_NC 0.18 0.114 0.402 0.178 0.088 0.116				0.378		•			•	
LungB_Jak_STAT_unique_NC 0.878 0.796 0.956 0.88 0.786 0.794 0.87 0.882 0.784 LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.886 0.764 LungB_Wnt_unique_NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_PT3K_Akt_unique_NC 0.18 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PT3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116										
LungB_mapk_unique_NC 0.896 0.818 0.91 0.888 0.786 0.816 0.852 0.882 0.786 LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.886 0.764 LungB_Wnt_unique_NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_mTOR_unique_NC 0.136 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LungB_mTOR_unique_NC 0.936 0.854 0.932 0.942 0.822 0.848 0.904 0.93 0.822 LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.886 0.764 LungB Wnt_unique_NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_mTOR_unique_NC 0.136 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LungB_p53_unique_NC 0.856 0.802 0.92 0.89 0.768 0.792 0.854 0.886 0.764 LungB_Wnt_unique_NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_mTOR_unique_NC 0.136 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LungB Wnt unique NC 0.928 0.84 0.912 0.908 0.814 0.836 0.87 0.896 0.812 LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_mTOR_unique_NC 0.136 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC 0.152 0.092 0.31 0.158 0.064 0.088 0.11 0.134 0.064 LeukemiaA_mTOR_unique_NC 0.136 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LeukemiaA_mTOR_unique_NC 0.136 0.114 0.402 0.178 0.088 0.112 0.12 0.144 0.088 LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC 0.18 0.118 0.434 0.21 0.098 0.116 0.158 0.18 0.096										
LeukemiaA_Wnt_unique_NC 0.152 0.134 0.298 0.206 0.08 0.13 0.118 0.172 0.078										
	LeukemiaA_Wnt_unique_NC	0.152	0.134	0.298	0.206	0.08	0.13	0.118	0.172	0.078