For the column name --- rejected count rate

countM: Mardia's test countR: Royston's test

count2: Any 2 rejected tests Seed times: 500 countH: Henze-Zirkler's test countN: N-statistic (energy test)

## Power study

Mixture of two r	normal distributions	countM	countH	countR	countN	countHR	countHN	countRN	count2	countHRN
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:10	0.106	0.058	0.046	0.096		0.054	0.03	0.068	0.016
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:30	0.19	0.176	0.066	0.208		0.164		0.172	0.042
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:50	0.208	0.284	0.068	0.312		0.26		0.266	0.052
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:100	0.266	0.622	0.06	0.636		0.598		0.602	0.05
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:10	0.152	0.154	0.052	0.030		0.146		0.156	0.012
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:30	0.152	0.154	0.032	0.698		0.616		0.150	0.012
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:50	0.61	0.906	0.088	0.036		0.892	0.082	0.892	0.082
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:100	0.708	0.500	0.082	0.714	0.082	0.072	0.082	0.072	0.082
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:10	0.700	0.168	0.078	0.144		0.122		0.134	0.002
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:30	0.966	0.966	0.096	0.982		0.962		0.964	0.094
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:50	0.992	1	0.102	0.702	0.102	0.502	0.102	1	0.102
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:100	0.772	1	0.102	1	0.102	1	0.102	1	0.102
	ho:0 0.9 ,probes:9,size:10	0	1	0.094	0.084		0.084	0.004	_	0.004
	ho:0 0.9 ,probes:9,size:30	0.986	0.976	0.116	0.988		0.976		0.98	0.112
	ho:0 0.9 ,probes:9,size:50	0.996	1	0.114	0.998		0.998		0.998	0.112
	ho:0 0.9 ,probes:9,size:100	0.550	1	0.098	0.770	0.098	0.550	0.098	0.550	0.098
	ho:0 0.5 ,probes:2,size:10	0.046	0.038	0.04	0.054		0.036		0.044	0.012
*	ho:0 0.5 ,probes:2,size:30	0.040	0.052	0.062	0.054		0.030	0.02	0.056	0.012
=	ho:0 0.5 ,probes:2,size:50	0.074	0.032	0.066	0.052		0.032		0.036	0.021
=	ho:0 0.5 ,probes:2,size:100	0.096	0.044	0.06	0.052		0.032	0.020	0.030	0.012
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:10	0.032	0.034	0.06	0.048		0.03	0.008	0.034	0.004
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:30	0.108	0.078	0.076	0.048		0.062		0.034	0.026
=	ho:0 0.5 ,probes:4,size:50	0.132	0.058	0.058	0.086		0.052		0.058	0.01
=	ho:0 0.5 ,probes:4,size:100	0.132	0.084	0.056	0.098		0.032		0.03	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:10	0.140		0.064	0.054		0.042	0.008	0.044	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:30	0.182	0.076	0.08	0.108		0.046		0.06	0.008
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:50	0.102	0.092	0.094	0.17		0.064	0.016	0.086	0.008
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:100	0.376	0.092	0.08	0.278		0.078		0.106	0.012
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:10	0.570	1	0.052	0.044		0.044	0.002	0.094	0.002
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:30	0.198	0.086	0.032	0.126		0.056	0.002	0.068	0.012
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:50	0.262	0.098	0.076	0.120		0.064	0.022	0.086	0.004
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:100	0.404	0.106	0.06	0.298		0.094	0.03	0.114	0.012
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:10	0.124	0.09	0.036	0.114		0.086		0.096	0.012
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:30	0.326	0.218	0.068	0.274		0.212		0.224	0.036
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:50	0.428	0.248	0.062	0.336		0.248		0.252	0.04
	ho:0 0.9 ,probes:2,size:100	0.6	0.458	0.062	0.592		0.458		0.466	0.034
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:10	0.114	0.082	0.066	0.132		0.078		0.088	0.006
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:30	0.726	0.422	0.074	0.618		0.418	0.058	0.43	0.046
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:50	0.858	0.61	0.08	0.79		0.608		0.626	0.058
	ho:0 0.9 ,probes:4,size:100	0.972	0.85	0.086	0.966		0.85	0.084	0.852	0.082
_	ho:0 0.9 ,probes:8,size:10	0	0.088	0.042	0.072		0.062		0.064	0.004
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:30	0.894	0.426	0.098	0.808		0.42	0.082	0.46	0.044
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:50	0.976	0.692	0.102	0.946		0.692		0.716	0.076
	ho:0 0.9 ,probes:8,size:100	1	0.954	0.096	0.998		0.954	0.096	0.96	0.09
=	ho:0 0.9 ,probes:9,size:10	0	1	0.07	0.14		0.14	0.006		0.006
	ho:0 0.9 ,probes:9,size:30	0.866		0.094	0.8		0.378	0.08	0.412	0.046
——————————————————————————————————————	ho:0 0.9 ,probes:9,size:50	0.976	0.696	0.06	0.956		0.696		0.704	0.048
	ho:0 0.9 ,probes:9,size:100	1	0.956	0.108	1	0.106	0.956		0.958	0.106
	ho:0 0.5 ,probes:2,size:10	0.036	0.022	0.036	0.036		0.016		0.026	0.008
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	ho:0 0.5 ,probes:2,size:30	0.066	0.046	0.056	0.046		0.036		0.042	0.02
	ho:0 0.5 ,probes:2,size:50	0.058	0.048	0.072	0.056		0.042		0.044	0.022
	ho:0 0.5 ,probes:2,size:100	0.094	0.04	0.048	0.048		0.038	0.008	0.038	0.008
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:10	0.028	0.032	0.052	0.046		0.03	0.006	0.03	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:30	0.078	0.058	0.06	0.082		0.042			0.01
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:50	0.09	0.048	0.07	0.074		0.036	0.014	0.046	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:4,size:100	0.112	0.07	0.06	0.074		0.046	0.016	0.054	0.01
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:10	0		0.038	0.064		0.054	0.002	0.054	0.002
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:30	0.114	0.046	0.11	0.076		0.022	0.028	0.04	0.012
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:50	0.2	0.058	0.092	0.11	0.006	0.034	0.01	0.038	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:8,size:100	0.27	0.078	0.076	0.164		0.05	0.022	0.068	0.004
——————————————————————————————————————	ho:0 0.5 ,probes:9,size:10	0	1	0.062	0.076		0.076	0	0.138	0
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:30	0.134	0.062	0.078	0.076		0.024	0.014	0.036	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:50	0.208	0.072	0.104	0.126		0.04	0.016	0.054	0.006
	ho:0 0.5 ,probes:9,size:100	0.302	0.066	0.09	0.164		0.052	0.03	0.072	0.01
					_					

For the row name --- composition:a b, rho:c d, probes(dimension):e , size:f  $aN_{e}(0, c) + bN_{e}(0, d)$ , sample size = f, dimension = e, mix proportion: a, b, a + b = 1,

rho: c, d, it represents the correlation matrix with compound symmetry structure with correlation c and d for the two normal distributions respectively.