For the row name --- order:(12_3_4)

1.Disease

2.Platform

3.Pathway name4.Sample status

A: GPL96 B: GPL570

CN: Tissue

NC: Adjacent Normal

For the column name --- rejected count rate

countM: Mardia's test countH: Henze-Zirkler's

test

countR: Royston's test

countN: N-statistic (energy test)

count2: Any 2 rejected

tests

Seed times: 500

Probe: 2, Unique gene: Yes	countM	countH	countR	countN	countHR	countHN	countRN	count2	countHRN
BreastA_PI3K_Akt_unique_CN	0.146	0.088	0.134	0.112		0.084	0.072		0.052
BreastA_Wnt_unique_CN	0.07	0.066		0.08					0.032
ColorectalB_p53_unique_CN	0.074	0.05	0.07	0.074		0.048	0.022		0.018
ColorectalB_PI3K_Akt_unique_CN	0.112	0.066		0.094		0.062			0.038
ColorectalB_Ras_unique_CN	0.102	0.064	0.108	0.094	0.048	0.062	0.062		
ColorectalB_TGF_beta_unique_CN	0.1	0.08	0.072	0.118			0.054		0.046
ColorectalB_Wnt_unique_CN	0.096	0.074	0.104	0.086		0.07	0.048		0.042
LungA_Cell_cycle_unique_CN	0.44	0.464	0.548	0.49	0.406	0.46	0.426	0.488	0.402
LungA_EGFR_unique_CN	0.35	0.288	0.358	0.32	0.242	0.28	0.264	0.31	0.238
LungA_Jak_STAT_unique_CN	0.478	0.436	0.532	0.464	0.4	0.426	0.422	0.456	0.396
LungA_mapk_unique_CN	0.402	0.394	0.488	0.428	0.352	0.386	0.386	0.424	0.35
LungA_mTOR_unique_CN	0.292	0.32	0.412	0.35	0.288	0.308	0.304	0.34	0.28
LungA_p53_unique_CN	0.406	0.468	0.49	0.484	0.418	0.464	0.426	0.48	0.414
LungA Wnt unique CN	0.344	0.384	0.468	0.418	0.326	0.372	0.344	0.41	0.316
LungB_Cell_cycle_unique_CN	0.716	0.63	0.736	0.682	0.604	0.63	0.648	0.674	0.604
LungB_EGFR_unique_CN	0.574	0.532	0.582	0.56	0.492	0.522	0.518	0.556	0.488
LungB_Jak_STAT_unique_CN	0.602	0.534	0.632	0.574	0.49	0.522	0.526	0.57	0.484
LungB_mapk_unique_CN	0.64	0.58	0.656	0.622	0.512	0.568	0.554	0.614	0.51
LungB_mTOR_unique_CN	0.618	0.51	0.63	0.56	0.474	0.504	0.516	0.55	0.472
LungB_p53_unique_CN	0.656	0.58	0.68	0.616	0.538	0.562	0.584	0.608	0.538
LungB Wnt unique CN	0.618	0.548	0.68	0.612	0.514	0.542	0.566	0.598	0.512
LeukemiaA_Jak_STAT_unique_CN	0.352	0.266	0.45	0.316	0.242	0.254	0.292	0.308	0.24
LeukemiaA_mTOR_unique_CN	0.262	0.192	0.284	0.208	0.158	0.18	0.174	0.208	0.152
LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_CN	0.322	0.282	0.364	0.32	0.236	0.272	0.268	0.308	0.234
LeukemiaA Wnt unique CN	0.38	0.292	0.39	0.318	0.26	0.288	0.274	0.306	0.258
BreastA_PI3K_Akt_unique_NC	0.114	0.072	0.112	0.09			0.06		0.046
BreastA_Wnt_unique_NC	0.152	0.11	0.134	0.118	0.088			• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	0.088
ColorectalB_p53_unique_NC	0.082	0.082	0.098	0.096		0.08	0.066	0.092	0.056
ColorectalB_PI3K_Akt_unique_NC	0.11	0.076		0.096	0.05	0.074	0.06	0.088	0.048
ColorectalB_Ras_unique_NC	0.118	0.06		0.092	0.038	0.056	0.06	0.078	0.038
ColorectalB_TGF_beta_unique_NC	0.078	0.036		0.046		0.034	0.028		0.024
ColorectalB Wnt unique NC	0.104	0.092	0.134	0.128	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •		0.068		0.056
LungA_Cell_cycle_unique_NC	0.292	0.214	0.336	0.25			0.2		
LungA_EGFR_unique_NC	0.322	0.214	0.304	0.25		0.202			0.168
LungA_Jak_STAT_unique_NC	0.22	0.176		0.206			0.16		
LungA_mapk_unique_NC	0.302	0.174	0.292	0.222					
LungA_mTOR_unique_NC	0.3	0.188	0.304	0.234		0.18	0.166		
LungA_p53_unique_NC	0.28	0.164	0.294	0.222		0.158	0.176		
LungA Wnt unique NC	0.232	0.168	0.252	0.224	0.124	0.164	0.164	•	0.124
LungB_Cell_cycle_unique_NC	0.672	0.642	0.694	0.678			0.624		
LungB_EGFR_unique_NC	0.728	0.694	0.766	0.746		0.684	0.696		0.642
LungB_Jak_STAT_unique_NC	0.726	0.652		0.706		0.644	0.674		0.618
LungB_mapk_unique_NC	0.672	0.63	0.718	0.668			0.632		0.584
LungB_mTOR_unique_NC	0.742	0.646		0.716			0.662		0.596
LungB_p53_unique_NC	0.672	0.666		0.698		0.656			
LungB Wnt unique NC	0.72	0.694	0.76	0.734		0.692	0.69		0.652
LeukemiaA_Jak_STAT_unique_NC	0.272	0.162	0.226	0.2		0.16	0.166		0.144
LeukemiaA_mTOR_unique_NC	0.296	0.202	0.282	0.238		0.198	0.17		0.156
LeukemiaA_PI3K_Akt_unique_NC	0.284	0.184		0.234		0.182			0.168
LeukemiaA_Wnt_unique_NC	0.24	0.144	0.254	0.186	0.124	0.142	0.144	0.166	0.122