

Kvalitetsfiltrering av sekvensvarianter (ASV)

Fjerning av ASV utenfor målgruppe^o

RDP Classifier

In-House DB*



Bestemt til målgruppe^o



Høykvalitet^φ

Målgruppe

Ikke målgruppe

Fjernet
Automatisk

Kvalitetskontroll av målgruppe ASV

Identifisering av mulig kontaminasjon og feilbestemmelser koblet til referansesekvensmangel i In-House DB*

BLAST

BLAST

In-House DB*

NCBI-nr DB[†]



Målgruppe^o



Høykvalitet^φ

Sannsynlig feil-
bestemmelse

Manuell vurdering av
kontaminasjon[‡]

Målgruppe ASV

* in-house databasen er basert på COI classifier databasen fra Porter & Hajibabaei (2018) tillegg ca. 7000 offentlige referansesekvenser fra norsk arter

† NCBI-nr (GenBank) database, nedlastet 23.10.23

^o målgruppe består av klassene Arachnida, Chilopoda, Collembola, og Insecta

^φ RDP klassifisert med minst 80% konfidens eller BLAST med min. 90% identitet og min. 90% dekning av sekvenslengden

[‡] manuell vurdering inkluderer sjekking for taksonomisk parsimoni på ordensnivå og konstruksjon av fylogenetiske trær for å identifisere mulige feil i referansesekvensene i in-house databasen

Prosess

Database

Sekvenser