

Zadanie 2

lista 6

INPUT: Ciąg $[a_1, a_2, \dots, a_n]$

OUTPUT: Najdłuższy ciąg $a_{i_1}, a_{i_2}, \dots, a_{i_k}$, taki że $1 \leq i_1 < i_2 < \dots < i_k \leq n$ oraz $a_{i_1} < a_{i_2} < \dots < a_{i_k}$.

1 Algorytm

W celu skonstruowania algorytmu znajdującego wyżej opisany podciąg wykorzystamy metodologię programowania dynamicznego.

Stwórzmy graf wszystkich dopuszczalnych przejść od jednego do drugiego elementu, tzn. ustalmy wierzchołek i dla każdego spośród a_i elementów (zbiór wierzchołków oznaczmy jako V), oraz dodajmy do niego krawędzie (i, j) . Krawędź (i, j) będzie występowała, jeśli możliwe jest, aby a_i oraz a_j były następującymi po sobie elementami rosnącego podciągu, czyli gdy: $i < j$ oraz $a_i < a_j$ (zbiór krawędzi oznaczmy jako E). Dodatkowo przyjmiemy, że długość każdej krawędzi będzie równa 1.

Zauważmy, że wyżej opisany graf $\mathbf{G} = (\mathbf{V}, \mathbf{E}, \mathbf{c})$ ma następujące własności:

- 1) Jest skierowanym grafem acyklicznym (dag - gdyż wszystkie krawędzie (i, j) mają własność $i < j$)
- 2) Każdej ścieżce w tym grafie odpowiada podciąg rosnący
- 3) $\forall (u, v) \in E : c(u, v) = 1$

Zatem problem znalezienia najdłuższego rosnącego podciągu sprowadza się do problemu znalezienia najdłuższej ścieżki w wyżej opisanym grafie! Aby to zrobić zastosujemy poniższy algorytm:

for $j = 1, 2, \dots, n$:

$L(j) = 1 + \max\{L(i) : (i, j) \in E\}$

return $\max\{L(i) : i \in \{1, 2, \dots, n\}\}$

gdzie $L(j)$ - długość najdłuższej ścieżki (najdłuższego podciągu rosnącego) kończącej się na a_j (czyli na j - tym elemencie ciągu wejściowego). Zauważmy, że każda ścieżka prowadząca do wierzchołka j musi zawierać w sobie któregoś z jego poprzedników. Z tego powodu $L(j)$ wynosi $1 +$ maksymalna wartość $L(i)$, gdzie i jest jego pewnym poprzednikiem (jedynek dodajemy, gdyż chcemy zliczać wierzchołki, a nie krawędzie w ścieżce). Zauważmy, że potencjalnie każdy element ciągu (a_1, \dots, a_n) może być ostatnim elementem najdłuższego podciągu rosnącego, stąd liczymy maksimum po wszystkich elementach ciągu.

Jednak otrzymana wartość L mówi nam tylko o tym, jaką długość ma najdłuższy z podciągów. Abyśmy byli w stanie "odtworzyć" podciąg, którego szukamy wystarczy zastosować następującą zmianę w algorytmie:

```
for j = 1, 2, ..., n:
     $L(j) = 1 + \max\{L(i) : (i, j) \in E\}$ 
    prev(j) = i // i jest indeksem poprzednika  $a_i$  elementu  $a_j$ , dla którego
                  // wartość  $L(i)$  jest największa spośród wartości  $L(.)$ 
                  // dla wszystkich poprzedników  $a_j$ 
return  $\max\{L(i) : i \in [n]\}$ 
```

Zatem zapamiętując a_i , dla którego osiągnęto $\max\{L(i) : (i, j) \in E\}$ dowiemy się, jakie dokładnie elementy występują w szukanym podciągu.

2 Złożoność obliczeniowa algorytmu

W powyższym algorytmie każdy z podproblemów rozwiązywany jest przez wyliczenie wartości:

$$L(j) = 1 + \max\{L(i) : (i, j) \in E\}$$

wyrażenie wykorzystuje tylko "mniejsze" podproblemy. Wyznaczenie wyniku powyższego wyrażenia wymaga znajomości "poprzedników" wierzchołka j . Aby to zrobić należy wyznaczyć "reversed Graph" G^R (w G^R istnieje krawędź skierowana (v, u) wtedy i tylko wtedy, gdy w grafie G istnieje krawędź (u, v)). Zauważmy, że sąsiadami danego wierzchołka $t \in V$ w grafie G^R są "poprzednicy" wierzchołka t w grafie G . Wyliczenie "reversed graph" zajmuje czas $O(n^2)$, ponieważ:

- musimy przejść oryginalny graf G i "odwrócić" jego krawędzie, czyli:

Jeśli graf G będziemy reprezentowali poprzez listy sąsiedztwa, aby stworzyć G^R (również reprezentowany w postaci list sąsiedztwa) wystarczy przeglą-

dać listy sąsiedztwa dla wierzchołków grafu G po kolei i umieszczać dany wierzchołek na listach sąsiedztwa wszystkich jego sąsiadów. Ponieważ każdy element każdej listy przetwarzamy jeden raz (wykonując stałą liczbę operacji), łącznie da nam to wyżej wspomniany koszt $O(n^2)$.

Zauważmy, że wtedy dla każdego $j = 1, 2, \dots, n$ wykonujemy:

$$L(j) = 1 + \max\{L(i) : (i, j) \in E\} = L(j) = 1 + \max\{L(i) : (j, i) \in E'\}$$

gdzie E' jest zbiorem krawędzi w grafie G^R . Czyli tak naprawdę dla każdego wierzchołka j patrzymy na $L(i)$ dla wszystkich jego poprzedników i (wszystkie elementy na listach sąsiedztwa dla wierzchołka j w grafie G^R). Zatem wykonujemy łącznie pracę proporcjonalną do liczby krawędzi w grafie G , czyli $O(n^2)$. Następnie wyliczamy $\max\{L(j) : j \in [n]\}$ co zajmuje czas $O(n)$. Warto zauważyć, że zapamiętywanie poprzedników, w celu "odtworzenia" szukanego podciągu nie zmienia asymptotycznej złożoności obliczeniowej. Dochodzimy więc do wniosku, iż złożoność tego algorytmu to $O(n^2)$.