R-Vorkurs

Teil 3

Jens Klenke

7.10.2021



Übersicht

- 1. Verteilungen und Zufallszahlen
- 2. Grafiken
- 3. Lineare Regression

Verteilungen und Zufallszahlen Verteilungen

R kennt standardmäßig viele diskrete Verteilungen, z.B.

- Binomialverteilung (binom)
- Geometrische Verteilung (geom)
- Hypergeometrische Verteilung (hyper)
- Poisson-Verteilung (pois)
- ...

...sowie stetige Verteilungen:

- Normalverteilung (norm)
- t-Verteilung (t)
- Chi-Quadrat-Verteilung (chisq)
- F-Verteilung (f)
- Gleichverteilung (unif)
- ...

R-Funktionen

Für jede Verteilung stehen vier Funktionen zur Verfügung:

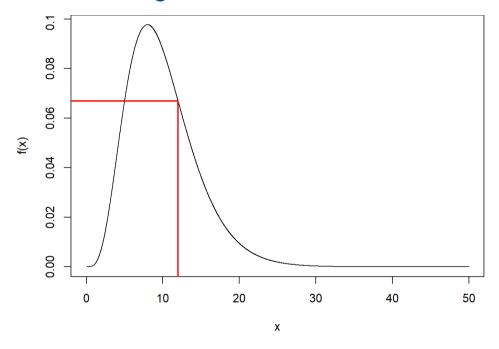
- Berechnung von Punktwahrscheinlichkeiten/-dichten ⇒ Präfix d (density)
- Werte der Verteilungsfunktion ⇒ Präfix p (probability)
- Berechnen von Quantilen ⇒ Präfix q (quantile)
- Erzeugen von 'Zufallszahlen' ⇒ Präfix r (random)

⇒ Name der Funktion = Präfix + Verteilungskürzel (siehe vorherige Folie)

Beispiel:

- Quantil der Normalverteilung: q + norm = qnorm()
- Verteilungsfunktion der Binomialverteilung: p + binom = pbinom()
- etc.

Beispiel — Chi-Quadrat-Verteilung



```
dchisq(12, df = 10) # Dichte an der Stelle x=12
```

[1] **0.**06692631

Beispiel - Chi-Quadrat-Verteilung

Analog erhalten wir für die gleiche Verteilung Werte der Verteilungsfunktion:

```
pchisq(8, df = 10) # Wert der Verteilungsfunktion an der Stelle x=8
## [1] 0.3711631
```

...ein bestimmtes Quantil

```
qchisq(0.5, df = 10) # 0.5-Quantil der Verteilung
```

[1] 9.341818

...sowie Zufallszahlen

```
rchisq(5, df = 10) # 5 chi^2-verteilte Zufallszahlen
```

[1] 7.667645 14.505985 4.943490 6.808215 5.418601

Seeds

Wiederholen wir den Code von Slide 7, erhalten wir andere zufällige Zahlen.

```
rchisq(5, df = 10)
## [1] 9.473312 18.193902 9.806236 11.197784 17.723984
```

Manchmal wollen wir Ergebnisse reproduzierbar machen. Dann muss ein sog. *seed* gesetzt werden. Damit können an jedem Computer die selben Zufallszahlen erzeugt werden.

```
set.seed(385)  # 385 ist ein Beispiel -- probiert andere seeds aus!
rchisq(5, df = 10)

## [1] 13.158928 14.475007 7.448275 18.419976 8.822344

set.seed(385)
rchisq(5, df = 10)

## [1] 13.158928 14.475007 7.448275 18.419976 8.822344
```

sample()

Neben der Erzeugung von Zufallszahlen aus vordefinierten Verteilungen, kann man auch 'eigene' Zufallsexperimente durchführen

```
# Beispiel Münzwurf:
 # Mögliche Ergebnisse definieren
 K_Z <- c('Kopf', 'Zahl')</pre>
 # Fünfmaliges Werfen einer *fairen* Münze
 # ( standardwert prob = 1/length(K_Z) )
 sample(K_Z, size = 5, replace = TRUE, prob = c(0.5, 0.5))
## [1] "Kopf" "Zahl" "Zahl" "Zahl" "Kopf"
 # Fünfmaliges Werfen einer *unfairen* Münze
 sample(K_Z, size = 5, replace = TRUE, prob = c(0.8, 0.2))
## [1] "Kopf" "Kopf" "Zahl" "Kopf"
```

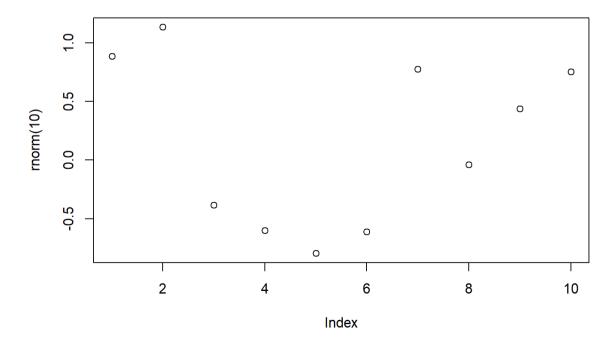
Übungsaufgaben

- 1. Sei $X \sim t(5)$. Berechne P(X < 6), $P(3 < X \le 7)$ und P(X > 4).
- 2. Berechne das 0.95-Quantil einer F(4,5)-verteilten Zufallsvariable.
- 3. Berechne die Wahrscheinlichkeit dafür, den Jackpot im Lotto zu gewinnen (d.h. 6 Richtige aus 49). Vernachlässige Zusatz- und Superzahlen (*Hinweis*: Benutze die hypergeometrische Verteilung).
- 4. Erzeuge 20 $\chi^2(5)$ -verteilte Zufallszahlen ohne (!) dabei die rchisq()-Funktion zu benutzen (*Hinweis*: $\chi^2(n) = \sum_{i=1}^n Z_i^2$ mit $Z_i \sim \mathcal{N}(0,1)$ für alle $i=1,\ldots,n$).
- 5. Ziehe 10 mal n=10000 standardnormalverteilte Zufallszahlen und berechne für jede Ziehung das arithmetische Mittel. Betrachte alle 10 Mittelwerte. Was fällt auf? Zusatz: Wiederhole die Simulation mit $X \sim t(1)$ -verteilten Zufallszahlen (Cauchy-Verteilung) Was fällt nun auf? Erkläre! (*Hinweis*: Wikipedia-Eintrag zur Cauchy-Verteilung).
- 6. Zusatz: Prüfe, dass das Integral über die Dichtefunktion einer $\chi^2(15)$ -verteilten Zufallsvariable 1 ist. (*Hinweis*: Nutze integrate() zum Integrieren einer \P -Funktion)

Basic Plot

Mit **Q** ist es einfach Grafiken zu erstellen, z. B. einen *Scatterplot*...

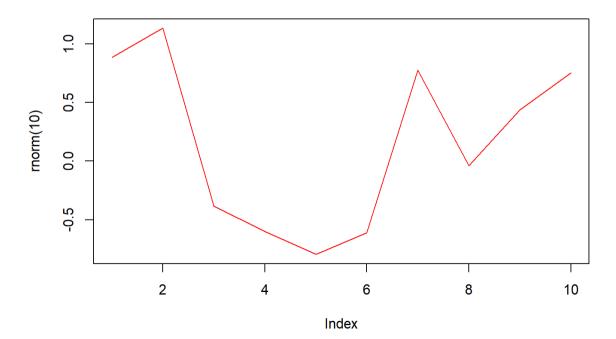
```
plot(rnorm(10))
```



Basic Plot

...oder einen Linienplot in roter Farbe

```
plot(rnorm(10), type = 'l', col = 'red')
```



Cosmetics

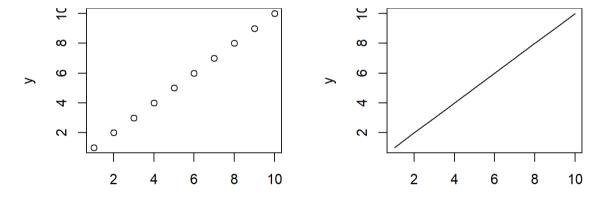
Neben Argumenten wie col können weitere Eigenschaften des Plots angepasst werden, z.B.:

- xlab/ylab: Beschriftung von x-/y-Achse
- xlim/ylim: Darzustellender Bereich von x-/y-Achse
- main/sub: Titel/Untertitel der Grafik
- pch: Symbol f
 ür Datenpunkte in einer Grafik (Kreis, Quadrat, Dreieck etc.)
- lty/lwd: Darstellung (durchgezogen, gestrichelt, etc.) und Breite von Linien in einer Grafik
- uvm. (siehe ?par)

Mehrere Grafiken

Für mehrere Grafiken in einem plot muss der Parameter mfrow genutzt werden:

```
par(mfrow = c(1, 2)) # Zwei Plots in einer Zeile (bzw. in zwei Spalten)
plot(1:10, xlab = 'x', ylab = 'y')
plot(1:10, xlab = 'x', ylab = 'y', type = 'l')
```



Man beachte, dass dies eine *globale* Einstellung ist. Will man also wieder zum ursprünglichen Set-Up zurück, muss man mit dev.off() zurücksetzen.

Weitere Grafikenformen

hist(), boxplot(), barplot() und pie().

Beispiel:

```
hist(mtcars$mpg, breaks = 5, freq = F, main = '', xlab = 'Miles per gallon')
```

Funktionen, die grafische Elemente hinzufügen

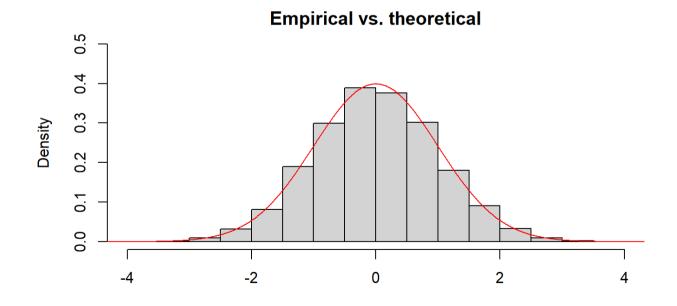
Es gibt auch Funktionen, die eine bestehende Grafik voraussetzen, bspw.

- lines()
- points()
- abline()
- legend()
- text()
- arrows()

Bis auf abline() erwarten alle Funktionen X- und Y-Koordinaten.

Funktionen, die grafische Elemente hinzufügen – Beispiel

```
hist(rnorm(10000), freq = F, ylim = c(0, 0.5), xlab = '', main = 'Empirical vs. theoretical')
x <- seq(-5, 5, 0.01)
y <- dnorm(x)
lines(x, y, col = 'red')
```



Übungsaufgaben

```
set.seed(385)
results <- rnorm(1000, mean = 100, sd = 15)
```

- 1. Kopiere obigen Code und nimm an, dass dieser eine IQ-Testreihe mit 1000 Probanden simuliert. Zeichne ein Histogram der Ergebnisse. Beschrifte den plot und setze die Bereiche von X- und Y-Achse auf [40, 160] und [0, 0.03].
- 2. Zeichne die zugrundeliegende theoretische Dichtefunktion, d.h. eine Normalverteilung mit $\mu=100$ und $\sigma=15$, in den Plot.
- 3. Zeichne ein blaues Dreieck an das Maximum der theoretischen Dichte.
- 4. Markiere sowohl das 0.025- als auch das 0.975-Quantil der theoretischen Dichte mit vertikalen grünen Linien.

Lineare Regression Modell

Einfaches (univariates) lineares Regressionsmodell:

$$Y_t = \beta_0 + \beta_1 X_t + u_t, \quad t = 1, \dots, T,$$

wobei

- Y_t Regressand (zu erklärende Variable),
- X_t Regressor (erklärende Variable),
- u_t Fehlerterm.

Mit KQ-Methode können wir die Koeffizientenschätzer $\widehat{\beta_0}$ und $\widehat{\beta_1}$ erhalten.

Beispiel:

Im Datensatz **mtcars** sind reichlich Informationen zu verschiedenen Automodellen hinterlegt. Wir vermuten, dass die Reichweite eines Autos (*mpg*) davon abhängt, wie schwer es ist (*wt*). D.h. wir hätten folgendes Modell:

$$mpg_t = eta_0 + eta_1 w t_t + u_t$$

(Welche Richtung hat dieser Zusammenhangs vermutlich?)

Parameterschätzung

Einfache lineare Regression über lm() (= linear model)

```
model <- lm(mpg ~ wt, data = mtcars)</pre>
```

Die Ergebnisse werden in einer Liste gespeichert

```
names(model)

## [1] "coefficients" "residuals" "effects" "rank" "fitted.values" "assign" "q
## [9] "xlevels" "call" "terms" "model"
```

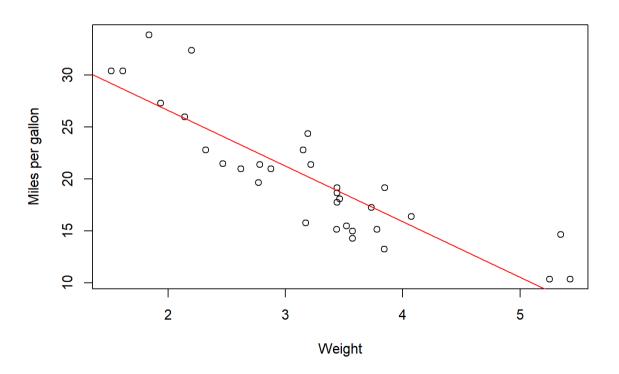
Regressionsoutput

Einen kompakten Überblick über die wichtigsten Informationen erhält man mit summary()

```
summary(model)
##
## Call:
## lm(formula = mpg ~ wt, data = mtcars)
## Residuals:
      Min
              10 Median 30
                                    Max
## -4.5432 -2.3647 -0.1252 1.4096 6.8727
## Coefficients:
              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept) 37.2851 1.8776 19.858 < 2e-16 ***
            -5.3445
                       0.5591 -9.559 1.29e-10 ***
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## Residual standard error: 3.046 on 30 degrees of freedom
## Multiple R-squared: 0.7528, Adjusted R-squared: 0.7446
## F-statistic: 91.38 on 1 and 30 DF, p-value: 1.294e-10
```

Punktewolke und Regressionsgerade

```
plot(mtcars$wt, mtcars$mpg, xlab = 'Weight', ylab = 'Miles per gallon')
abline(model, col = 'red')
```



Vorhersage

Mit dem geschätzten Modell können wir Vorhersagen machen. Angenommen ein neues Auto mit einem Gewicht von $X_{new}=3$ (in 1000 lbs) kommt auf den Markt. Was für eine Reichweite schätzen wir für dieses Auto?

```
new_weight <- data.frame(wt = 3)
predict(model, newdata = new_weight)

## 1
## 21.25171</pre>
```

Dummy-Variablen/Regression ohne Achsenabschnitt

Kategorische Variablen (hier Getriebeart *am* mit Automatik = 0, manuell = 1) können über die Funktion factor() als Regressor mitaufgenommen werden.

```
model_wd <- lm(mpg ~ wt + factor(am), data = mtcars)
model_wd$coefficients

## (Intercept) wt factor(am)1
## 37.32155131 -5.35281145 -0.02361522</pre>
```

Will man eine Regression ohne Achsenabschnitt (β_0) durchführen, bedarf es einer -1 (oder alternativ +0) am Ende der Regressionsformel.

Übungsaufgaben

1. Betrachte im Folgenden den Datensatz faithful, der Daten zum Old Faithful Geysir im Yellowstone Nationalpark enthält. Sowohl die Dauer einer Eruption in Min. (eruptions) als auch die Wartezeit bis zur nächsten Eruption in Min. (waiting) sind als Variablen im Datensatz verfügbar. Unterstelle das Regressionsmodell

waiting_t =
$$\beta_0 + \beta_1$$
eruptions_t + u_t

und schätze die Parameter β_0 , β_1 . Zeichne anschließend eine geeignete Grafik und interpretiere.

- 2. Erhalte mit summary() einen Überblick über die Regression aus 1. Interpretiere die geschätzten Koeffizienten und speichere anschließend das R^2 (*Multiple R-squared*) in R2.
- 3. Angenommen wir beobachten einen weiteren Datenpunkt für die Dauer einer Eruption $X_{new}=4$. Triff eine Vorhersage für die Wartezeit bis zur nächsten Eruption!