

## ENTRADA

Archivo PDB

- Proteína
- ARN
- ADN
- Ligando

### Opciones

- Cadena
- Distancia de corte
- Factor de peso de la distancia de equilibrio
- Número de modos
- Visualizador

### Opciones Avanzadas

- Selección nodos de la proteína
- Selección ligandos de la proteína
- Selección distancias de corte para nodos y ligandos

ANM server

## SALIDA

Autovalores más bajos  
Autovectores más bajos  
Matriz Hessiana  
Factores b teóricos  
Correlaciones  
Constante del resorte  
Energía de deformación  
Scripts en PyMol para visualizar