

ENTRADA

Archivo PDB

- Proteína
- ARN
- ADN
- Ligando

Opciones

- Cadena
- Distancia de corte
- Factor de peso de la distancia de equilibrio
- Número de modos
- Visualizador

Opciones Avanzadas

- Selección nodos de la proteína
- Selección ligandos de la proteína
- Selección distancias de corte para nodos y ligandos

PROCESAMIENTO

ANM server

SALIDA

- Autovalores más bajos
- Autovectores más bajos
 - Matriz Hessiana
- Factores b teóricos
 - Correlaciones
- Constante del resorte
- Energía de deformación
- Scripts en PyMol para visualizar