

JENNIFER VÉLEZ SEGURA

Magister en Bioinformática

@ jennifervs.bior@gmail.com 314-312-7510 Avenida Carrera 30 No 39A -60 Apt. 201
Bogotá D.C, Colombia <https://github.com/jevelezse> [in linkedin.com/in/jennifer-velez-segura-34502958/](https://www.linkedin.com/in/jennifer-velez-segura-34502958/)



PROFILE

Bióloga con conocimientos en citogenética clásica (cariotipos en médula ósea, muestras de líquido y sangre amniótica) y Máster en Bioinformática. Habilidades en programación con Python, R y Shell para el análisis de datos biológicos y el uso de técnicas de minería de datos. Experiencia con análisis de exoma completo y genoma completo para soporte diagnóstico. Interesada en aplicar técnicas de aprendizaje automático en datos biológicos.

EXPERIENCIA

Citogenetista y Bioinformática

Genetix S.A.S

Enero 2015 – Actualidad Bogotá D.C., Colombia

- Análisis citogenético de muestras de sangre periférica, médula ósea, líquido amniótico y vellosidad corial.
- Diseño e implementación de pipelines bioinformáticos para el análisis de secuencias biológicas.
- Análisis de exomas y paneles de secuenciación (NGS).

Citogenetista

Biogenética Diagnostica SAS

May 2013 – Nov 2014 Bogotá D.C., Colombia

- Análisis citogenético de muestras de sangre periférica, médula ósea, líquido amniótico y vellosidad corial.
- Siembra y cosecha de muestras en sangre periférica y médula ósea.

Citogenetista

Laboratorio de Genética y Biología Molecular

2013 – 2012 Bogotá D.C., Colombia

- Análisis citogenético de muestras de sangre periférica, médula ósea, líquido amniótico y vellosidad corial.
- Siembra y cosecha de muestras en sangre periférica y médula ósea.

FILOSOFÍA DE VIDA

"Los problemas son parte de la vida y la búsqueda de soluciones también."

LOGROS

Aprender a programar
para poder desarrollar soluciones a problemas biológicos.

Aprender Machine Learning
y poderlo aplicar a la para entender diferentes tipos de datos

Ser conferencista en Pycon Colombia
mostrar a otras personas lo que se puede hacer con Python y R.

Ganadora de retos en ciencia de datos:
El primer reto Stem Sports y Big Data Colombia 2016 y Ganadora de la primera Hackaton scotiabank grupo Segmentación de clientes 2018

FORTALEZAS

Trabajo en equipo.

Solución de problemas

Aprendizaje continuo

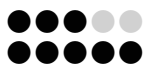
Bash

Python y R.

Trabajo en laboratorio.

IDIOMAS

Inglés
Español



EDUCACIÓN

Magister en Bioinformática

Universidad Nacional de Colombia

2019

Licenciatura en Biología

Universidad Distrital Francisco José de Caldas

2012

REFERENCIAS

Nataly Morales. Biol.

@ natys.moralitos@gmail.com

Bogotá D.C, Colombia

317-425-6541

Sergio Solano. Msc Estadística.

@ Sergiosolano91@hotmail.com

Bogotá D.C, Colombia

320-239-8579



Ser guía de Django Girls Colombia

Ser invitada como guía ha sido una de las experiencias más gratificante, ya que aprendí y ayude a otras personas.



Cabana Travel Fellowships

Beca para presentar el modelo inicial de mi tesis de maestría en Chile. 2018

PUBLICACIONES



Journal Articles

- Venegas, Eliana del Pliar Garzón et al. (2018). "Autopsia molecular en muerte súbita cardíaca neonatal mediante secuenciación de siguiente generación (NGS): presentación de un caso". In: *Revista Repertorio de Medicina y Cirugía* 27 (1), pp. 39–43.



Conference Proceedings

- Vélez, Jennifer (2019). "Association of variants in coding regions with clinical data in Colombian patients using data mining techniques." In: *Conference Intelligent Systems for Molecular Biology (ISMB) and European Conference on Computational Biology*.
- – (2018). "Data mining with clinical and genomic data." In: *Pycon Colombia*.
- Vélez, Jennifer and Elizabeth León (2018). "Association of variants with clinical data in a sample of the Colombian population using the Apriori algorithm." In: *ISCB-LA SOIBIO EMBnet*.
- Vélez, Jennifer (2017a). "Pipeline for evaluation of coverage in clinical panels exome as quality control alignment." In: *IV CONGRESO COLOMBIANO DE BIOINFORMÁTICA Y BIOLOGÍA COMPUTACIONAL Y VIII CONFERENCIA IBEROAMERICANA DE BIOINFORMÁTICA..*
- – (2017b). "Python para bioinformática." In: *Pycon Colombia*.