

Discusión final

Una vez acabas todas las prácticas, y habiendo asistido a buena parte de las conferencias por ahora realizadas, puedo decir sinceramente que esta asignatura ha sido una buena experiencia, y que he conseguido todo lo que esperaba de ella.

Mi idea cuando escogí esta optativa era tener una idea más clara de las diferentes cosas que se pueden conseguir con la bioinformática. A través de las prácticas hemos visto herramientas muy interesantes y útiles que no había utilizado antes, como el uso de ggplot en la práctica 2 o de VEP para el estudio de SNPs. No habíamos tenido la oportunidad de ver ninguna de estas herramientas, y estoy segura que en un futuro el simple hecho de saber que puedo disponer de ellas, y el saber defenderme un poco en su uso me será muy útil.

Además, hemos trabajado mucho con R, algo que prácticamente no habíamos tocado antes. Las únicas veces que trabajamos con este paquete estadístico lo habíamos hecho con scripts ya escritos, lo que no nos había ayudado a aprender cómo usarlo ni para cuantas cosas realmente podíamos utilizarlo. Durante estas prácticas, al trabajar con diferentes tipos de datos y para diferentes objetivos, hemos visto un gran abanico de usos que podemos darle a R que no habíamos visto antes.

Las conferencias, además, me han dado una visión de cómo se trabaja en este campo “en la vida real”, y de en qué proyectos se está trabajando en la actualidad. Escuchar el desarrollo de diferentes proyectos y del funcionamiento de herramientas desarrolladas mediante la bioinformática, explicado por los propios investigadores que lo han desarrollado ha sido muy interesante, y me ha dado una manera diferente de ver la investigación.

En general, me ha gustado mucho la asignatura y considero que ha cumplido con mis expectativas. Cuando empecé aún me estaba cuestionando si me quería dedicar a la bioinformática y ahora ya estoy decidida: definitivamente es el campo donde quiero trabajar.