

INTRODUCCIÓN: Temas Actuales de la Bioinformática

Cuando vi el nombre de la asignatura me sonó a clase de historia. Me esperaba muchas charlas sobre bioinformática para poder saber en qué consiste realmente ser un bioinformático. Pensaba que el mayor peso de la asignatura iría destinado a esto y que no tendría mucha relación con la bioinformática que habíamos dado, sobre todo con la que dimos en tercero basada en búsquedas en Ensembl y otras bases de datos y explicaciones de cómo funcionaban los programas de filogenia, como MEGA.

Cuando ya vi el plan docente y me di cuenta de que además había prácticas, pensaba que sería una asignatura que me permitiría aplicar conocimientos de informática que hemos ido adquiriendo a lo largo de segundo y tercero. Es decir, esperaba mucha programación de cosas pequeñas, como contar nucleótidos, que era lo que más relacionaba yo con la bioinformática cuando pensaba en las asignaturas que habíamos dado. Esperaba poder juntar todo el conocimiento de programación que sabíamos, de hacer scripts muy básicos, en algo más grande y más real que no solo los scripts.