Projeto de Inovação com Algoritmos Genéticos

Relatório de Disciplina

José Geraldo de Carvalho Pereira

Análise do problema

■ Tamanho da População

O primeiro passo no design de algoritmos genéticos competentes é o cálculo para estimar o tamanho da população. O tamanho da população N pode ser estimado usando a equação (Equação 1) desenvolvida por Harik et al.(1997), a qual considera dois fatores que influenciam na convergência para uma solução ótima: (1) o suprimento inicial de building blocks (BBs) e a seleção dos melhores BBs em detrimento de seus competidores.

A equação (1) é baseada em um modelo de random walk que representa o suprimento e a competição entre BBs como o Problema da Ruína do Jogador.

$$N \ge -2^{k-1} \ln(\alpha) \left(\sigma_{\rm bb} \sqrt{\pi (m-1)} / d \right) \tag{1}$$

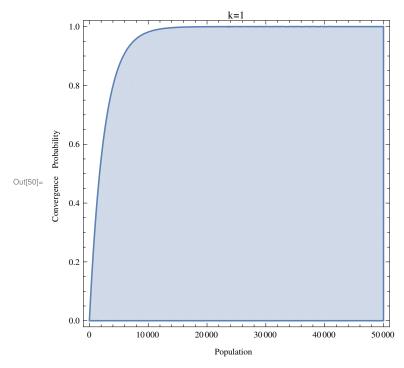
Onde k é o tamanho do BB, α é a probabilidade de falha, σ_{bb} é o desvio padrão do fitness dos BBs, d é a diferença entre o melhor e o segundo melhor BB e m representa o número máximo de BBs. O termo σ_{bb} $\sqrt{\pi (m-1)}$ representa a interferência do ruído na competiç ão entre BBs.

Para assegurar a convergência para uma solução próxima a ótima com uma probabilidade maior que 95%, o α deve ser menor que 5%.

Neste problema temos que k = 1, pois cada BB corresponde a um estado dos elementos da regra de transição do autômato celular e m = 13248 que são os números desses elementos variáveis na regra de transição. Os parâmetros σ_{bb} e d foram calculados de 500000 indivíduos gerados aleatoriamente e apresentaram os valores de 0,02399451 e 0,001972661.

```
In[48]:= sigma = 0.0241745599487;
dist = 0.001972661;
```

$$\label{eq:loss_loss} \begin{split} & \text{ln[50]:= RegionPlot} \left[n \geq -2^{1-1} \, \text{Log} \left[1-x \right] \, \left(\text{sigma} \, \sqrt{\text{Pi} \, \left(13 \, 248 - 1 \right)} \, \middle/ \, \text{dist} \right), \, \left\{ \text{n, 0, 50 000} \right\}, \, \left\{ \text{x, 0, 1} \right\}, \\ & \text{FrameLabel} \, \rightarrow \, \left\{ \text{"Population", "Convergence Probability"} \right\}, \, \text{PlotLabel} \, \rightarrow \, \text{"k=1"} \\ \end{split}$$



Com um erro (a) de 0.01 (1%) o tamanho estimado da população é de aproximadamente 11.500 indivíduos.

$$ln[51]:= -2^{1-1} Log[0.01] \left(sigma \sqrt{Pi (13248-1)} \right) / dist$$

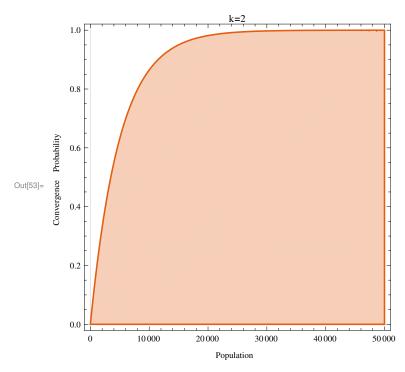
Out[51]= 11512.9

No entanto, essa equação foi desenvolvida para algoritmos genéticos com representação binária e o nosso problema apresenta 4 estados possíveis para cada elemento da regra de transição dos autômatos. Dessa forma, talvez seja necessário considerar k=2, o que no GA binário representa 4 possibilidades. Portanto, poderíamos considerar que no nosso problema, k=2 está implícito na codificaç ão.

$$\ln[53]:= \text{RegionPlot}\left[n \geq -\frac{2^{2-1} \log[1-x] \left(\text{sigma } \sqrt{\text{Pi } (13\ 248-1)}\right)}{\text{dist}}\right]$$

 $\{n, 0, 50000\}, \{x, 0, 1\}, PlotTheme \rightarrow "Scientific",$

FrameLabel → {"Population", "Convergence Probability"}, PlotLabel → "k=2"



Para k=2 e erro (α) de 0.01 (1%) o tamanho estimato da população é de aproximadamente 23000 indivíduos.

$$ln[52] = -2^{2-1} Log[0.01] \left(sigma \sqrt{Pi (13248-1)} \right) / dist$$

Out[52]= 23 025.8

■ Complexidade computacional

Após a estimação do tamanho da população, podemos analisar a complexidade do GA.

In[59]:= t = 2 * 13 248

Out[59]= 26 496

Análise da deriva genética

A deriva genética ocorre em uma população quando a mutação e o crossover fazem os genes flutuarem e convergirem para um solução não ótima na ausência de uma pressão seletiva.

O número experado de gerações para os genes convergirem na ausência de pressão seletiva para uma população inicial de strings binárias geradas randomicamente com proporções iguais de 0s e 1s (Thierens et al., 1998) é estimado como:

$$t_{\text{drift}} = 1.4 \, N \tag{2}$$

O que no nosso caso resulta em:

 $ln[58] := tdrift = 1.4 \times 11500$

Out[58]= 16100.

para k = 1 e

 $In[57] := tdrift = 1.4 \times 23000$

Out[57]= 32200.

para k=2.

A equação 2 mostra que o tempo de convergência devido a deriva genética é uma função linear do tamanho da população. Para assegurar que uma convergência para um ótimo ao invés de uma convergência para por deriva genética podemos satisfazer a condiç ão

$$t < t_{\text{drift}}$$
 (3)

No nosso problema temos que para k=2 a condição é satisfeita (t=26496, $t_{drift}=32200$). No entanto, para k=1 temos que $t_{drift}=16100$. Nesse caso, podemos aumentar N para aproximadamente 19000, ou mais, para satisfazer a equação.

In[61] := 26496 / 1.4

Out[61] = 18925.7