# Trabajo 1

# Estudiantes

# Camilo Andres Granada Mejia Jose Manuel Carmona Estrada Jhon Stiven Cifuentes Gomes David Gil Rua

Equipo

Docente

# Carlos Mario Lopera

Asignatura

# Estadística II



Sede Medellín 5 de octubre de 2023

# ${\bf \acute{I}ndice}$

1.	Pre	Pregunta 1				
	1.1.	Modelo de regresión	3			
	1.2.	Significancia de la regresión	4			
	1.3.	Significancia de los parámetros	4			
	1.4.	Interpretación de los parámetros	5			
	1.5.	Coeficiente de determinación múltiple $\mathbb{R}^2$	5			
2.	Pre	gunta 2	5			
	2.1.	Planteamiento pruebas de hipótesis y modelo reducido	5			
	2.2.	Estadístico de prueba y conclusión	6			
3.	Pre	gunta 3	6			
	3.1.	Prueba de hipótesis y prueba de hipótesis matricial	6			
	3.2.	Estadístico de prueba	7			
4.	Pre	gunta 4	7			
	4.1.	Supuestos del modelo	7			
		4.1.1. Normalidad de los residuales	7			
		4.1.2. Varianza constante	8			
	4.2.	Verificación de las observaciones	8			
		4.2.1. Datos atípicos	9			
		4.2.2. Puntos de balanceo	10			
		4.2.3. Puntos influenciales	11			
	43	Conclusión	19			

# Índice de figuras

1.	Gráfico cuantil-cuantil y normalidad de residuales	7
2.	Gráfico residuales estudentizados vs valores ajustados	8
3.	Identificación de datos atípicos	9
4.	Identificación de puntos de balanceo	10
5.	Criterio distancias de Cook para puntos influenciales	11
6.	Criterio Dffits para puntos influenciales	12
Índi	ce de cuadros	
1.	Tabla de valores coeficientes del modelo	3
2.	Tabla ANOVA para el modelo	4
3.	Resumen de los coeficientes	4
4.	Resumen tabla de todas las regresiones	5

# 1. Pregunta 1

Teniendo en cuenta la base de datos brindada, en la cual hay 5 variables regresoras dadas por:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_1 X_{1i} + \beta_2 X_{2i} + \beta_3 X_{3i} + \beta_4 X_{4i} + \beta_5 X_{5i} + \varepsilon_i, \ \varepsilon_i \stackrel{\text{iid}}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \leqslant i \leqslant 64$$

Donde:

- Y: Riesgo de infección
- ullet  $X_1$ : Duración de la estadía
- $X_2$ : Rutina de cultivos
- $X_3$ : Número de camas
- $X_4$ : Censo promedio diario
- $X_5$ : Número de enfermeras

# 1.1. Modelo de regresión

Al ajustar el modelo, se obtienen los siguientes coeficientes:

Cuadro 1: Tabla de valores coeficientes del modelo

	Valor del parámetro
$\beta_0$	-0.9267
$\beta_1$	0.2175
$\beta_2$	0.0144
$\beta_3$	0.0459
$\beta_4$	0.0134
$\beta_5$	0.0017

Por lo tanto, el modelo de regresión ajustado es:

$$\hat{Y}_i = -0.9267 + 0.2175X_{1i} + 0.0144X_{2i} + 0.0459X_{3i} + 0.0134X_{4i} + 0.0017X_{5i} \ 1 \leqslant i \leqslant 64$$

#### 1.2. Significancia de la regresión

Para analizar la significancia de la regresión, se plantea el siguiente juego de hipótesis:

$$\begin{cases} H_0: \beta_0 = \beta_1 = \beta_2 = \beta_3 = \beta_4 = \beta_5 = 0 \\ H_1: \text{Algún } \beta_j \text{ distinto de 0 para j=0, 1,..., 5} \end{cases}$$

Cuyo estadístico de prueba es:

$$F_0 = \frac{MST}{MSE} \stackrel{H_0}{\sim} f_{5,58} \tag{1}$$

Ahora, se presenta la tabla Anova:

Cuadro 2: Tabla ANOVA para el modelo

	Sumas de cuadrados	g.l.	Cuadrado medio	$F_0$	P-valor
Regresión Error	78.8979 52.3269	5 58	15.779588 0.902188	17.4904	1.58805e-10

De la tabla Anova, se observa un valor P aproximadamente igual a 0, por lo que se rechaza la hipótesis nula en la que  $\beta_j = 0$  con  $0 \le j \le 5$ , aceptando la hipótesis alternativa en la que algún  $\beta_j \ne 0$ , por lo tanto la regresión es significativa.

# 1.3. Significancia de los parámetros

En el siguiente cuadro se presenta información de los parámetros, la cual permitirá determinar cuáles de ellos son significativos.

Cuadro 3: Resumen de los coeficientes

	$\hat{eta}_j$	$SE(\hat{\beta}_j)$	$T_{0j}$	P-valor
$\beta_0$	-0.9267	1.4465	-0.6406	0.5243
$\beta_1$	0.2175	0.0754	2.8842	0.0055
$\beta_2$	0.0144	0.0268	0.5368	0.5935
$\beta_3$	0.0459	0.0121	3.7828	0.0004
$\beta_4$	0.0134	0.0068	1.9604	0.0548
$\beta_5$	0.0017	0.0006	2.6271	0.0110

Los P-valores presentes en la tabla permiten concluir que con un nivel de significancia  $\alpha = 0.05$ , los parámetros  $\beta_1$ ,  $\beta_3$  y  $\beta_5$  son significativos, pues sus P-valores son menores a  $\alpha$ .

#### 1.4. Interpretación de los parámetros

 $\hat{\beta}_1$ : El riesgo de infeccion aumenta en 0.2175 por cada dia de de estadia cuando las demas variables predictoras se mantienen fijas

 $\hat{\beta}_3$ : El riesgo de infeccion aumenta en 0.0459 por cada cama en el hospital durante el periodo de estudio cuando las demas variables predictoras se mantienen fijas

 $\hat{\beta}_5$ : El riesgo de infeccion aumenta en 0.0017 en relacion al numero promedio de enfermeras presentes equivalentes a tiempo completo, durante el periodo de estadia cuando las demas variables predictoras se mantienen fijas

# 1.5. Coeficiente de determinación múltiple $R^2$

El modelo tiene un coeficiente de determinación múltiple  $R^2=0.6012423$ , lo que significa que aproximadamente el  $60.12423\,\%$  de la variabilidad total observada en la respuesta es explicada por el modelo de regresión propuesto en el presente informe.

# 2. Pregunta 2

# 2.1. Planteamiento pruebas de hipótesis y modelo reducido

Las covariable con el P-valor más bajo en el modelo fueron  $X_1, X_3, X_5$ , por lo tanto a través de la tabla de todas las regresiones posibles se pretende hacer la siguiente prueba de hipótesis:

$$\begin{cases} \mathbf{H}_0: \beta_1=\beta_3=\beta_5=0\\ \mathbf{H}_1: \mathbf{Algún}\ \beta_j\ \mathrm{distinto}\ \mathrm{de}\ 0\ \mathrm{para}\ j=1,3,5 \end{cases}$$

Cuadro 4: Resumen tabla de todas las regresiones

	SSE	Covariables en el modelo
Modelo completo Modelo reducido		X1 X2 X3 X4 X5 X2 X4

Luego un modelo reducido para la prueba de significancia del subconjunto es:

$$Y_i = \beta_0 + \beta_2 X_{2i} + \beta_4 X_{4i} + \varepsilon; \ \varepsilon_i \stackrel{\text{iid}}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \leqslant i \leqslant 64$$

#### 2.2. Estadístico de prueba y conclusión

Se construye el estadístico de prueba como:

$$F_{0} = \frac{(SSE(\beta_{0}, \beta_{2}, \beta_{4}) - SSE(\beta_{0}, \cdots, \beta_{5}))/3}{MSE(\beta_{0}, \cdots, \beta_{5})} \stackrel{H_{0}}{\sim} f_{3,58}$$

$$= \frac{96.374 - 52.327}{0.902188}$$

$$= 48.82242$$
(2)

Ahora, comparando el  $F_0$  con  $f_{0.95,3,58} = 2.7636$ , se puede ver que  $F_0 > f_{0.95,1,45}$ , por tanto se rechaza la hipotesis nula, teniendo que al ser esto asi, no es posible descartar las variables del conjunto

# 3. Pregunta 3

#### 3.1. Prueba de hipótesis y prueba de hipótesis matricial

Se hace la pregunta si la duracion de la estadia por dia es 2 veces el numero promedio de enfermeras en tiempo completo durante el periodo del estudio y si el numero de camas promedio durante el periodo del estudio es 3 veces el numero promedio de pacientes por dia durante el periodo del estudio. Por consiguiente se plantea la siguiente prueba de hipótesis:

$$\begin{cases}
H_0: \beta_1 = 2\beta_5; \ \beta_3 = 3\beta_4 \\
H_1: Alguna de las igualdades no se cumple
\end{cases}$$

reescribiendo matricialmente:

$$\begin{cases} H_0 : \mathbf{L}\underline{\beta} = \underline{\mathbf{0}} \\ H_1 : \mathbf{L}\beta \neq \underline{\mathbf{0}} \end{cases}$$

Con L dada por

$$L = \begin{bmatrix} 0 & 1 & 0 & 0 & 0 & -2 \\ 0 & 0 & 0 & 1 & -3 & 0 \end{bmatrix}$$

El modelo reducido está dado por:

$$Y_i = \beta_o + \beta_1 X_{1,5i}^* + \beta_2 X_{2i} + \beta_3 X_{3,4i}^* + \varepsilon_i, \ \varepsilon_i \stackrel{\text{iid}}{\sim} N(0, \sigma^2); \ 1 \leqslant i \leqslant 64$$
  
Donde  $X_{1,5i}^* = X_{1i} + 2X_{5i} \ \text{y} \ X_{3,4i}^* = X_{3i} + 3X_{4i}$ 

# 3.2. Estadístico de prueba

El estadístico de prueba  $F_0$  está dado por:

$$F_0 = \frac{(SSE(MR) - SSE(MF))/2}{MSE(MF)} \stackrel{H_0}{\sim} f_{2,58} = F_0 = \frac{(SSE(MR) - 52.327)/2}{0.902188} \stackrel{H_0}{\sim} f_{2,58}$$
(3)

# 4. Pregunta 4

# 4.1. Supuestos del modelo

#### 4.1.1. Normalidad de los residuales

Para la validación de este supuesto, se planteará la siguiente prueba de hipótesis que se realizará por medio de shapiro-wilk, acompañada de un gráfico cuantil-cuantil:

$$\begin{cases} \mathbf{H}_0 : \varepsilon_i \sim \text{Normal} \\ \mathbf{H}_1 : \varepsilon_i \nsim \text{Normal} \end{cases}$$

#### Normal Q-Q Plot of Residuals

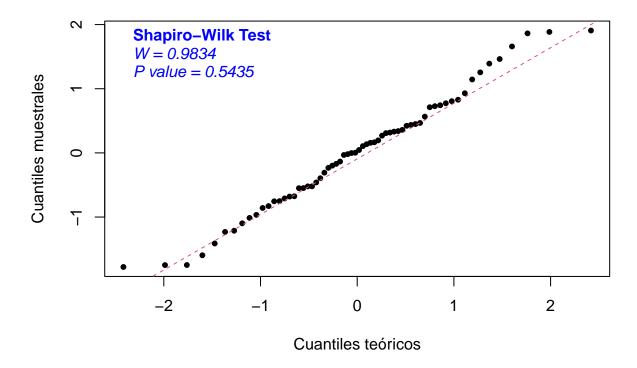


Figura 1: Gráfico cuantil-cuantil y normalidad de residuales

Al ser el P-valor aproximadamente igual a 0.5435 y teniendo en cuenta que el nivel de significancia  $\alpha=0.05$ , el P-valor es mucho mayor y por lo tanto, no se rechazaría la hipótesis nula, es decir que los datos distribuyen normal con media  $\mu$  y varianza  $\sigma^2$ , sin embargo la gráfica de comparación de cuantiles permite ver colas más pesadas y patrones irregulares, al tener más poder el análisis gráfico, se termina por rechazar el cumplimiento de este supuesto. Ahora se validará si la varianza cumple con el supuesto de ser constante.

#### 4.1.2. Varianza constante

### Residuales Estudentizados vs Valores Ajustados

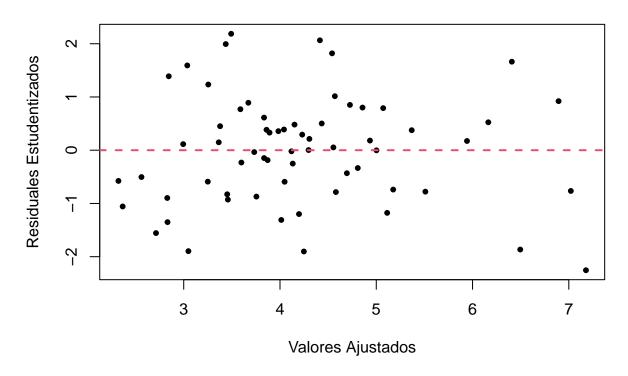


Figura 2: Gráfico residuales estudentizados vs valores ajustados

En el gráfico de residuales estudentizados ve valores ajustados se puede observar que no hay patrones en los que la varianza aumente, decrezca ni un comportamiento que permita descartar una varianza constante, al no haber evidencia suficiente en contra de este supuesto se acepta como cierto. Además es posible observar media 0.

#### 4.2. Verificación de las observaciones

Tengan cuidado acá, modifiquen los límites de las gráficas para que tenga sentido con lo que observan en la tabla diagnóstica. También, consideren que en aquellos puntos extremos que identifiquen deben explicar el qué causan los mismos en el modelo.

# 4.2.1. Datos atípicos

# Residuales estudentizados

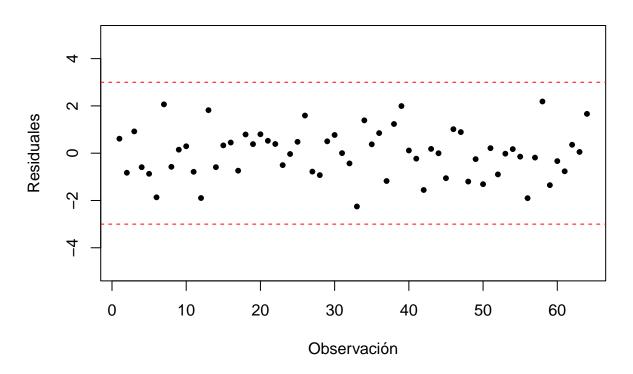


Figura 3: Identificación de datos atípicos

Como se puede observar en la gráfica anterior, no hay datos atípicos en el conjunto de datos pues ningún residual estudentizado sobrepasa el criterio de  $|r_{estud}| > 3$ .

#### 4.2.2. Puntos de balanceo



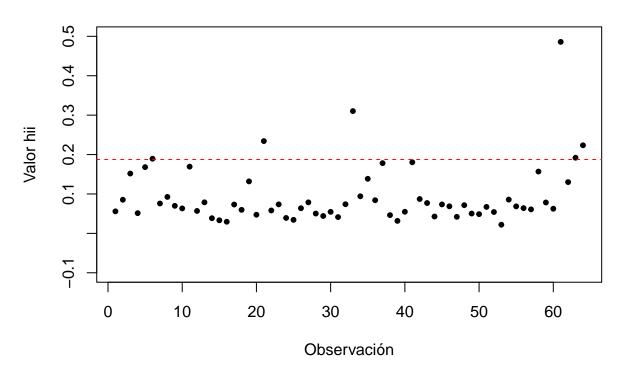


Figura 4: Identificación de puntos de balanceo

```
##
      res.stud Cooks.D hii.value
                                    Dffits
## 6
       -1.8658
                 0.1355
                            0.1894 -0.9221
        0.5247
## 21
                 0.0140
                            0.2342
                                    0.2883
       -2.2544
                 0.3811
## 33
                            0.3103 - 1.5694
## 61
       -0.7651
                 0.0922
                            0.4859 - 0.7411
## 63
        0.0530
                 0.0001
                            0.1919
                                    0.0256
## 64
        1.6629
                 0.1326
                            0.2235
                                    0.9062
```

Al observar la gráfica de observaciones vs valores  $h_{ii}$ , donde la línea punteada roja representa el valor  $h_{ii} = 2\frac{p}{n}$ , se puede apreciar que existen 6 datos del conjunto que son puntos de balanceo según el criterio bajo el cual  $h_{ii} > 2\frac{p}{n}$ , los cuales son los presentados en la tabla.

# 4.2.3. Puntos influenciales

# Gráfica de distancias de Cook

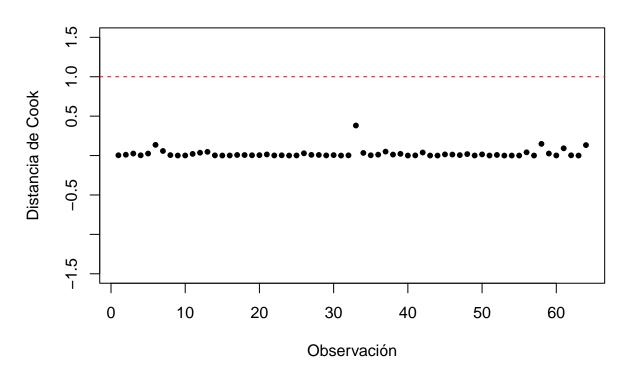


Figura 5: Criterio distancias de Cook para puntos influenciales



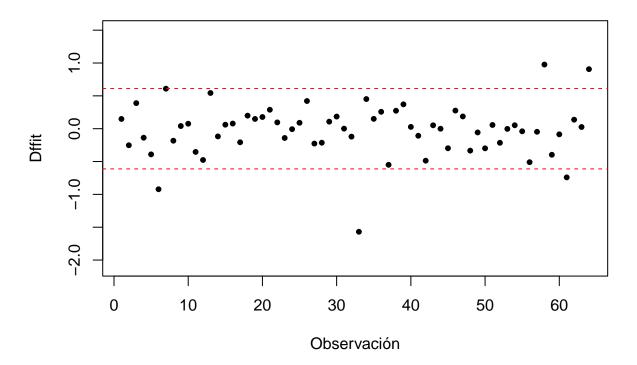


Figura 6: Criterio Dffits para puntos influenciales

```
##
      res.stud Cooks.D hii.value
                                    Dffits
## 6
       -1.8658
                 0.1355
                            0.1894 -0.9221
## 33
       -2.2544
                 0.3811
                            0.3103 - 1.5694
## 58
        2.1869
                 0.1484
                            0.1569
                                    0.9765
## 61
       -0.7651
                 0.0922
                            0.4859 - 0.7411
## 64
        1.6629
                 0.1326
                            0.2235
                                    0.9062
```

Como se puede ver, las observaciones 6, 33, 58, 61, y 64 son puntos influenciales según el criterio de Dffits, el cual dice que para cualquier punto cuyo  $|D_{ffit}| > 2\sqrt{\frac{p}{n}}$ , es un punto influencial. Cabe destacar también que con el criterio de distancias de Cook, en el cual para cualquier punto cuya  $D_i > 1$ , es un punto influencial, ninguno de los datos cumple con serlo.

#### 4.3. Conclusión

Dado que el P-Valor obtenido en la tabla ANOVA es de 1.58805e-10, podemos afirmar que el modelo funciona para cualquier alfa.

evaluando las observaciones de influencia con los diagnosdicadores Cook y DFFITS concluimos que ninguna de las observaciones son significativas.