다변량 데이터 분석 프로젝트

- 국민체력실태조사(2017)

2019. 6. 18

7 조

1602045 박정현

1602050 박지원

1602069 예지혜

1602073 유은지

목차

- 1. 서론
 - (1) 개요
 - (2) 자료 설명
- 2. EDA
 - (1) 자료 살펴보기
 - (2) 주성분 분석
 - (3) 가설 설정 및 분석 방향 제시
- 3. 분석
 - (1) 성별별 차이
 - (2) 연령별 차이
 - (3) 지역별 차이
 - (4) 체력과 체격 데이터의 연관성
- 4. 결론

1. 서론

(1) 개요

본 팀 프로젝트는 '다변량분석및실습' 수업에서 배운 다양한 분석 방법을 통해 자료를 적절히 분석하고, 의미 있는 해석 결과를 도출하는 것을 목표로 하였다. 목표를 달성하기 위해 본 팀은 국민체력실태조사 데이터를 선정하였다. 정수형, 숫자형, 범주형 등 다양한 형태의 변수들과 충분한 자료 수가 갖춰져야 다양한 방향으로 분석이 가능할 것이라고 판단하여 해당데이터를 선정하게 되었다.

진행 과정은 다음과 같다. 팀원 모두가 데이터에 대한 간단한 EDA를 하여 데이터에 대한 전반적인 이해를 한 뒤, 흥미로워 보이는 분석 방향에 대한 의견을 내고 토의를 거쳐 유의미한 결과를 도출해낼 수 있을 것으로 생각되는 가설들을 목적별로 설정하였다. 가설 설정 후, 전처리 및 상세한 EDA, 분석 방법 별 가설 검증을 분담하여 분석을 실시하였다. 최종적으로 네가지 가설에 대해 분석해 본 결과를 바탕으로 의미 있는 결론을 도출하고 이를 통해 본프로젝트의 의의와 한계점에 대해 함께 평가하는 시간을 가졌다.

다음과 같이 역할을 분배하여 프로젝트를 진행하였다.

박정현: EDA, 가설 1, 2 에 관한 주성분분석, 자료 정리

박지원: 가설 3,4 에 관한 정준상관분석, MANOVA, 주성분분석 응용, PPT

예지혜: 가설 3,4에 관한 정준상관분석, 군집화, MANOVA, 결론

유은지 : 서론, 가설 1, 2 에 관한 판별분석

(2) 자료 설명

[데이터] 전국 17개 시, 도 19~64세 성인의 국민체력실태조사

- 데이터 출처 : https://mdis.kostat.go.kr/index.do

- 검색 경로 : 교육 문화 > 국민체력실태조사 > 성인(제공) > 2017

- 변수 16 개, 관측값 4291 개

_

변수 이름	요인		변수 타입	단위
지역	집단정보		CHAR , 범주형	
연령			INT	
연령집단			CHAR, 범주형	
성별			INT, 범주형	
신장	체격		INT	0.1cm 단위 측정
체중			INT	0.1kg 단위 측정
BMI			INT	체중(kg)/신장(m²)
체지방률			INT	0.1% 단위 측정
허리둘레			INT	0.1cm 단위 측정
윗몸일으키기	체력	근지구력	INT	회/1 분
악력(D)		근력	INT	0.1kg 단위 측정,
악력(ND)		근력	INT	D: 쓰는 손, ND: 안 쓰는 손
제자리멀리뛰기		순발력	INT	0.1cm 단위 측정
20m 왕복오래달리기		심폐지구력	INT	회
앉아윗몸앞으로굽히기		유연성	INT	0.1cm 단위 측정
10m 왕복달리기		민첩성	INT	0.01 초 단위 측정

[변수 참고사항]

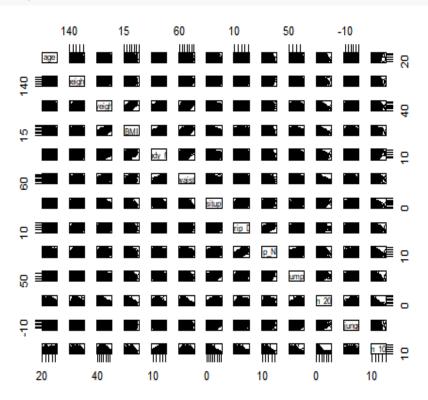
- 연령: 19~64 세
- 연령집단: 19~24 세, 25~29 세, 30~34 세, 35~39 세, 40~44 세, 45~49 세, 50~54 세, 55~59 세, 60~64 세
- BMI: 18.5 미만 저체중, 18.5~22.9 정상, 23~24.9 과체중, 25~30 경도 비만, 30~35 중등도 비만, 35 이상 고도 비만
- 20m 왕복오래달리기: 시간내 도달 성공 횟수, 10m 왕복달리기: 2회 왕복 걸린 시간

2. EDA

(1) 자료 살펴보기

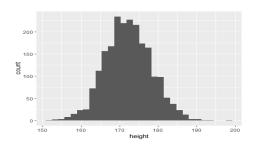
```
1) 데이터 불러오기
data<-read.table("c:/Temp/data.txt",header=FALSE, sep=',')</pre>
colnames(data)<-</pre>
c("district", "age", "sex", "height", "weight", "BMI", "body_fat", "waist", "situp
","grip_D","grip_ND","jump","run_20m","jajungul","run_10m","age_group")
data<-data.frame(data)</pre>
data$sex<-as.factor(data$sex)</pre>
data$district<-as.factor(data$district)</pre>
data$age group<-as.factor(data$age group)</pre>
library(reshape2)
library(ggplot2)
summary(data)
      district
##
                                               height
                                                              weight
                       age
                                  sex
          : 828
##
    3
                         :19.00
                                   1:2146
                                                            Min. : 38.5
                  Min.
                                            Min.
                                                  :141.4
##
   1
           : 746
                  1st Qu.:30.00
                                   2:2146
                                            1st Qu.:159.2
                                                            1st Qu.: 56.4
##
   13
          : 330
                  Median :41.00
                                           Median :165.8
                                                            Median: 64.5
                                                  :165.9
                                                                 : 65.8
##
   12
          : 248
                  Mean
                          :41.08
                                           Mean
                                                           Mean
##
    15
           : 248
                  3rd Qu.:52.00
                                            3rd Qu.:172.2
                                                            3rd Qu.: 73.6
##
    2
          : 164
                  Max.
                         :64.00
                                           Max.
                                                  :198.0
                                                           Max.
                                                                  :136.7
##
    (Other):1728
##
                      body_fat
        BMI
                                       waist
                                                        situp
##
                                           : 57.00
                                                            : 0.0
   Min.
          :15.54
                         : 6.10
                                    Min.
                                                     Min.
                    Min.
##
   1st Qu.:21.50
                    1st Qu.:20.90
                                    1st Qu.: 75.10
                                                      1st Qu.:21.0
                                    Median : 81.00
##
   Median :23.47
                    Median :25.80
                                                      Median :31.0
##
   Mean :23.78
                    Mean :26.23
                                    Mean
                                           : 81.58
                                                     Mean
                                                            :31.1
##
    3rd Qu.:25.60
                    3rd Qu.:31.82
                                    3rd Qu.: 87.26
                                                      3rd Qu.:41.0
##
   Max.
          :44.23
                    Max.
                          :52.00
                                    Max.
                                           :137.90
                                                            :78.0
                                                     Max.
##
##
       grip_D
                      grip_ND
                                                      run_20m
                                        jump
##
   Min.
          :10.30
                    Min.
                         : 8.90
                                          : 50.0
                                                    Min. : 1.00
                                    1st Qu.:139.0
##
   1st Qu.:25.10
                    1st Qu.:23.40
                                                     1st Qu.: 15.00
##
   Median :32.80
                    Median :30.50
                                    Median :167.0
                                                     Median : 24.00
##
   Mean
         :34.08
                    Mean :32.05
                                    Mean
                                          :168.7
                                                    Mean
                                                          : 28.53
                                                     3rd Qu.: 38.00
##
    3rd Qu.:42.70
                    3rd Qu.:40.20
                                    3rd Qu.:199.0
##
         :69.90
                          :67.80
                                           :295.0
                                                    Max.
                                                           :117.00
   Max.
                    Max.
                                    Max.
##
                        run_10m
##
      jajungul
                                       age_group
##
   Min.
          :-20.000
                      Min. : 8.28
                                      1
                                             : 508
##
                                             : 508
   1st Qu.: 6.675
                      1st Qu.:11.30
                                      7
   Median : 13.200
                      Median :12.74
                                      8
                                             : 508
         : 12.186
##
                      Mean
                            :12.89
                                             : 506
   Mean
                                      6
    3rd Qu.: 19.000
                                             : 488
##
                      3rd Qu.:14.12
                                      2
##
         : 39.000
                             :30.00
                                      3
   Max.
                      Max.
                                             : 488
##
                                    (Other):1286
```

2) 변수간 관련성



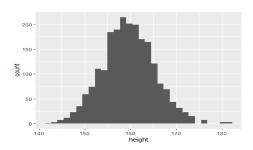
- 나이가 많아지면 situp, jump, 20m 달리기에서 성적이 줄어드는 모습이 존재한다.
- weight, BMI, bodyfat, waist 사이의 양이 상관성이 존재한다.
- 위 변수들의 대부분의 운동 변수들과 음의상관성을 보이지만, grip 과 10m 달리기의 경우엔 그 정도가 덜하고 양의 상관성을 가지는 모습을 보인다.
- situp, grip, jump, 20m 와도 양의 상관성이 존재한다.
- 20m 달리기와 10m 달리기는 음의 상관성이 있다. 10m 달리기가 다른 운동변수들과 음의 상관성을 보이는 경향이 있다. (20m 달리기 횟수이기 때문이다.)

ggplot(data_men,aes(height))+geom_histogram() ## `stat_bin()` using `bins = 30`. Pick better value with `binwidth`. data_men<-data[data\$sex==1,] data_women<-data[data\$sex==2,] #1. 남녀 키 ggplot(data_men,aes(height))+geom_histogram() ## `stat_bin()` using `bins = 30`. Pick better value with `binwidth`.



ggplot(data_women,aes(height))+geom_histogram()

`stat_bin()` using `bins = 30`. Pick better value with `binwidth`.

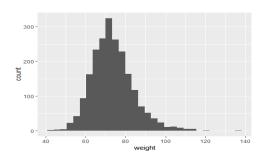


남녀 키 모두 정규분포를 따르는 모양새를 보인다.

#2. 남녀 몸무게

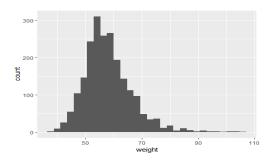
ggplot(data_men,aes(weight))+geom_histogram()

`stat_bin()` using `bins = 30`. Pick better value with `binwidth`.



ggplot(data_women,aes(weight))+geom_histogram()

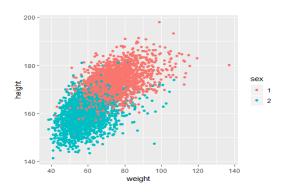
`stat_bin()` using `bins = 30`. Pick better value with `binwidth`.



남녀 몸무게 모두 왼쪽으로 치우친 모양새를 보인다(비만 인원이 더 작다).

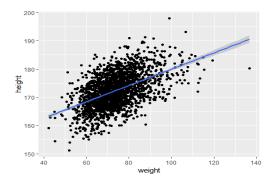
#3. 키와 몸무게의 성별별 산점도

ggplot(data,aes(weight,height,colour=sex))+geom_point()

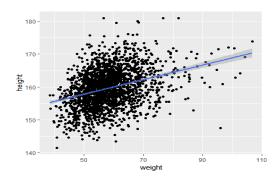


키와 몸무게별로 plot을 그려본 결과, 남성과 여성의 차이가 매우 큰 것을 확인할 수 있다.

ggplot(data_men,aes(weight,height))+geom_point()+geom_smooth(method =
"lm")

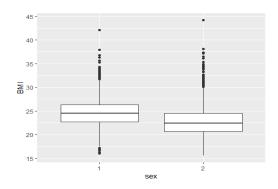


ggplot(data_women,aes(weight,height))+geom_point()+geom_smooth(method =
"lm")



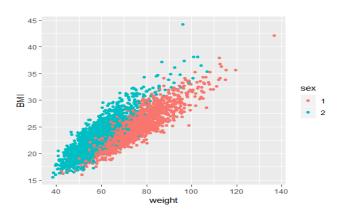
전반적으로 남성이 같은 몸무게에 대해 키의 분포가 모여 있는 편이다.

#4.BMI ggplot(data,aes(sex,BMI))+geom_boxplot()

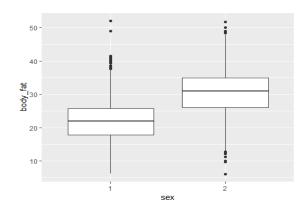


여성이 남성보다 BMI 가 낮은 편이다.

ggplot(data,aes(weight,BMI,colour=sex))+geom_point()

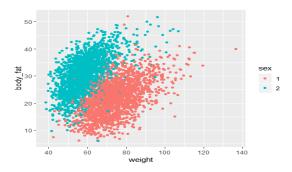


같은 몸무게일땐 상대적으로 키가 작은 여성이 BMI가 더 높은 편이다.

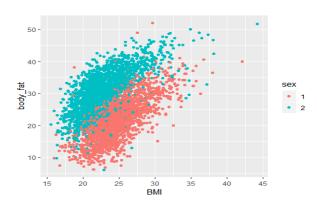


체지방률은 확연히 여성이 남성보다 높은 것을 확인할 수 있다. 신체적 차이인 것으로 보인다.

ggplot(data,aes(weight,body_fat,colour=sex))+geom_point()

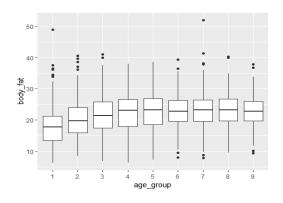


ggplot(data,aes(BMI,body_fat,colour=sex))+geom_point()

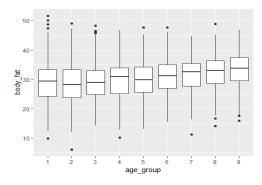


체지방률은 몸무게보다는 BMI와 연관성이 더 높은 것으로 보인다.

ggplot(data_men,aes(age_group,body_fat))+geom_boxplot()



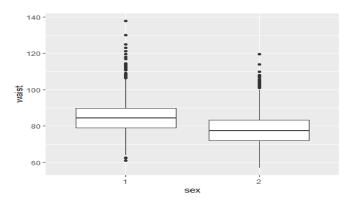
ggplot(data_women,aes(age_group,body_fat))+geom_boxplot()



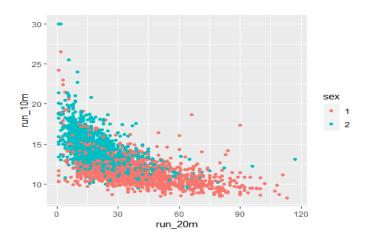
남성과 여성 모두 나이가 들면 평균 체지방률이 높아진다.

#6. 허리둘레

ggplot(data,aes(sex,waist))+geom_boxplot()



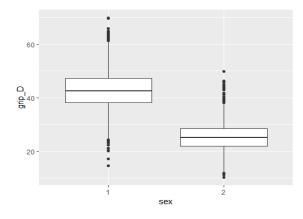
#7. 20m, 10m
ggplot(data, aes(run_20m, run_10m, colour=sex))+geom_point()



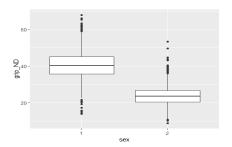
대체적으로 여성보다 남성이 훨씬 기록이 좋은 편이다. 특히 20m 왕복 오래 달리기 횟수가 남성이 훨씬 높다.

#8. 운동

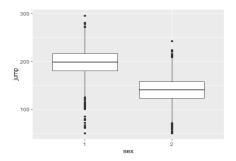
ggplot(data,aes(sex,grip_D))+geom_boxplot()



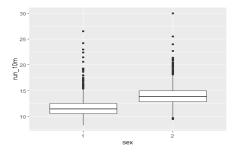
ggplot(data,aes(sex,grip_ND))+geom_boxplot()



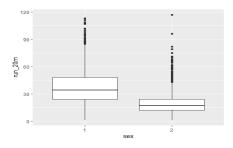
ggplot(data,aes(sex,jump))+geom_boxplot()



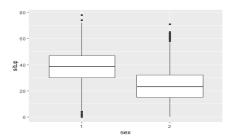
ggplot(data,aes(sex,run_10m))+geom_boxplot()



ggplot(data,aes(sex,run_20m))+geom_boxplot()

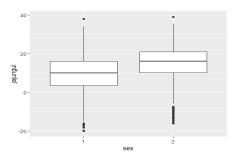


ggplot(data,aes(sex,situp))+geom_boxplot()



체력적 기록은 성별 차이가 확연히 나는 편이다. 달리기 같은 경우 개인간의 편차도 심하다. 10m 달리기 기록과 달리 20m 왕복 오래 달리기 횟수의 경우 남성 분포의 분산이 굉장히 큰 편이다. 윗몸일으키기(situp)는 남녀 모두 개인차가 크다.

ggplot(data,aes(sex,jajungul))+geom_boxplot()



유연성을 나타내는 앉아 윗몸 앞으로 굽히기는 여성이 남성보다 더 높은 기록을 보인다.

(2) 주성분분석

```
#9. 전체 데이터 주성분 분석
data<-read.table("c:/Temp/data.txt",header=FALSE, sep=',')</pre>
colnames(data)<-</pre>
c("location", "age", "sex", "height", "weight", "BMI", "bodyfat", "waist", "situp"
,"grip_D","grip_ND","jump","run_20","flexion","run_10","age_group")
data<-data.frame(data)</pre>
data$sex<-as.factor(data$sex)</pre>
data$location<-as.factor(data$location)</pre>
data$age_group<-as.factor(data$age_group)</pre>
data1<- data[,c(-1,-3,-16)]
S<-var(data1)
S
##
                                                       bodyfat
                        height
                                   weight
                                                BMI
                 age
## age
           161.450547 -27.372224 -8.108742 5.1495965
                                                        17.923243
## height
           -27.372224 74.789027 73.048903 4.7075409
                                                       -34.126239
## weight
            -8.108742 73.048903 150.982420 32.9705687
                                                        -1.496673
## BMI
             5.149597
                       4.707541 32.970569 10.5496359
                                                        9.334991
## bodyfat
                                                        58.576826
            17.923243 -34.126239 -1.496673 9.3349907
## waist
            15.972780 27.681868 90.394384 24.5198119
                                                        21.740005
## situp
           -70.299041 59.593290 48.466038 0.1182671
                                                       -64.303184
           -15.525789 67.972384 87.989406 11.9821188
## grip D
                                                       -43.978547
## grip_ND -11.716972 64.610521 83.374148 11.2840691
                                                       -43.013570
## jump
          -171.416820 227.404022 212.762262 11.0500762 -203.408556
## run 20
           -76.955286 69.972278 47.966861 -2.7391851
                                                       -79.085957
           -1.110531 -21.223983 -30.691515 -4.9434876
## flexion
                                                         -2.229371
9.296068
```

```
##
               waist
                          situp
                                  grip_D
                                           grip_ND
                                                                 run 20
## age
           15.9727800 -70.2990408 -15.52579 -11.71697 -171.416820 -
76.955286
           27.6818682 59.5932900 67.97238 64.61052 227.404022
## height
69.972278
           90.3943842 48.4660383 87.98941 83.37415 212.762262
## weight
47.966861
## BMI
           24.5198119
                       0.1182671 11.98212 11.28407
                                                     11.050076 -
2.739185
## bodyfat 21.7400045 -64.3031843 -43.97855 -43.01357 -203.408556 -
79.085957
## waist
           85.4181512 -1.9331355 36.44910 34.64897
                                                      45.685879
7.019092
## situp
           -1.9331355 212.2030508 91.79718 87.60601 432.724746
177.629769
## grip D
           36.4490985 91.7971792 115.77184 105.54241 326.630925
107.048343
## grip_ND
           34.6489681 87.6060145 105.54241 107.77754 313.435280
102.353909
           45.6858787 432.7247457 326.63093 313.43528 1626.391512
## jump
497.565501
           -7.0190919 177.6297691 107.04834 102.35391 497.565501
## run 20
309.892580
## flexion -22.8912136 16.8575694 -12.43979 -10.09381
                                                       -3.251873
15.767191
## run 10
           -0.4388183 -22.0483625 -14.05455 -13.38593 -69.938809 -
25.299908
##
             flexion
                         run 10
## age
           -1.1105308 10.4380866
## height -21.2239829 -9.5514291
## weight -30.6915146 -8.0126939
## BMI
           -4.9434876 -0.1151876
                       9.2960679
## bodyfat -2.2293706
## waist
          -22.8912136
                      -0.4388183
## situp
           16.8575694 -22.0483625
## grip_D -12.4397886 -14.0545506
## grip ND -10.0938122 -13.3859347
## jump
           -3.2518731 -69.9388094
## run 20
           15.7671905 -25.2999081
## flexion 88.4914961
                      -0.6465164
## run 10
           -0.6465164
                       4.5586865
분산공분산 행렬 S를 살펴본 결과, 각 변수들의 분산의 크기가 크게 다른 것을 알 수 있다. 따라
서 분산공분산 행렬이 아닌 상관행렬을 사용해 전체데이터 주성분 분석을 실시하기로 한다.
PC.result.R<-princomp(data1,cor=TRUE)</pre>
PC.result.R
## Call:
## princomp(x = data1, cor = TRUE)
##
## Standard deviations:
## Comp.1 Comp.2
                          Comp.3
                                    Comp.4
                                               Comp.5
                                                         Comp.6
```

```
## 2.44635127 1.73288617 1.02065839 0.98890695 0.70732716 0.58381340
      Comp.7
                Comp.8
                           Comp.9
                                    Comp.10
                                               Comp.11
                                                         Comp.12
## 0.54466226 0.53704404 0.44064941 0.41800366 0.37320474 0.23328987
##
     Comp.13
## 0.06294828
##
## 13 variables and 4292 observations.
summary(PC.result.R)
## Importance of components:
##
                          Comp.1
                                   Comp.2
                                              Comp.3
                                                        Comp.4
## Standard deviation
                         2.4463513 1.7328862 1.02065839 0.98890695
## Proportion of Variance 0.4603565 0.2309919 0.08013412 0.07522592
## Cumulative Proportion 0.4603565 0.6913484 0.77148250 0.84670842
##
                           Comp.5
                                     Comp.6
                                               Comp.7
                                                          Comp.8
## Standard deviation
                         0.70732716 0.58381340 0.54466226 0.53704404
## Proportion of Variance 0.03848552 0.02621831 0.02281977 0.02218587
## Cumulative Proportion 0.88519394 0.91141226 0.93423202 0.95641789
##
                          Comp.9
                                   Comp.10
                                              Comp.11
## Standard deviation
                         0.4406494 0.41800366 0.37320474 0.233289872
## Proportion of Variance 0.0149363 0.01344054 0.01071398 0.004186474
## Cumulative Proportion 0.9713542 0.98479474 0.99550872 0.999695193
                            Comp.13
## Standard deviation
                         0.0629482815
## Proportion of Variance 0.0003048066
## Cumulative Proportion 1.0000000000
PC.result.R$loadings
##
## Loadings:
##
          Comp.1 Comp.2 Comp.3 Comp.4 Comp.5 Comp.6 Comp.7 Comp.8 Comp.9
## age
           0.132 0.190 0.190 0.824 0.321
                                                   0.279 0.138 0.103
## height -0.332
                        0.291
                                    -0.518 -0.112 0.443 0.176 0.255
## weight -0.268 0.412
                                     -0.164
                                                  0.104
                                                               -0.143
## BMI
          -0.109 0.499 -0.305
                                      0.184
                                                  -0.193
                                                               -0.396
## bodyfat 0.261 0.322 -0.291 -0.240 0.169
                                                                0.736
## waist
          -0.127 0.501 -0.121
                                                  0.290
          -0.314 -0.192 -0.219
## situp
                                      0.262
                                                  -0.167 0.833 0.150
## grip_D -0.370
                               0.208
                                                 -0.428 -0.187 0.250
## grip ND -0.366
                               0.243 -0.102
                                                  -0.428 -0.192 0.237
## jump
                                     0.111 0.277 0.128 -0.109 -0.199
          -0.368 -0.116
## run 20 -0.302 -0.209 -0.148
                                      0.344 -0.778 0.191 -0.282
## flexion
                 -0.211 -0.766 0.368 -0.462
                                                   0.123
## run 10
           ##
          Comp.10 Comp.11 Comp.12 Comp.13
## age
           0.111
## height
           0.196
                                 -0.416
## weight
           0.370
                                 0.734
## BMI
           0.350
                                -0.537
## bodyfat
                  0.327
## waist
          -0.710
                 -0.343
## situp
```

```
## grip_D
                         0.713
## grip ND
                        -0.701
                  0.761
## jump
        -0.337
## run 20
## flexion
## run_10 -0.239
                  0.390
##
##
               Comp.1 Comp.2 Comp.3 Comp.4 Comp.5 Comp.6 Comp.7 Comp.8
## SS loadings
                 1.000 1.000 1.000 1.000 1.000 1.000 1.000
                 0.077 0.077 0.077 0.077 0.077
                                                  0.077 0.077 0.077
## Proportion Var
## Cumulative Var 0.077 0.154 0.231 0.308 0.385 0.462 0.538 0.615
               Comp.9 Comp.10 Comp.11 Comp.12 Comp.13
## SS loadings
                 1.000
                         1.000
                                1.000
                                        1.000
                                               1.000
## Proportion Var 0.077
                         0.077
                                0.077
                                        0.077
                                               0.077
                                        0.923
## Cumulative Var 0.692
                         0.769
                                0.846
                                               1.000
```

전체데이터 주성분 분석 결과를 해석해보면 첫번째로, Comp.1 변수의 loading 에 따르면 가장 많은 설명을 하는 주성분 1은 나이와 체지방률 대비 나머지 변수의 효과를 나타낸 것을 알 수 있다. run_10의 경우 달리기가 빠를수록 기록이 작기 때문에 음수로 나타난 것으로 보인다. 두번째로, 주성분 2는 몸무게, BMI, 체지방률, 허리둘레와 같이 신체의 비만도를 정량적으로 나타내는 변수들의 효과를 나타냈다.

세번째로, 주성분 3는 유연성의 효과를 나타내고 있다.

(3) 가설설정 및 분석방향 제시

자료에는 범주형 변수가 성별, 연령, 지역으로 총 세 가지가 있다. 본 팀은 성별, 연령, 지역이라는 집단별로 체력조사 데이터에 유의미한 차이가 존재하는지 알아보기 위해 가설을 다음과 같이 설정하였다.

- 가설 1. 성별별로 차이가 있을 것이다.
- 가설 2. 연령별로 차이가 있을 것이다.
- 가설 3. 지역별로 차이가 있을 것이다.
- 가설 4. 체격 특징과 체력적 특징의 관련성이 존재할 것이다.

위 네 가지의 가설을 검정하기 위해 주성분분석, 판별분석, MANOVA, 군집분석과 같은 분석 방법을 사용하였다.

3. 분석 과정 및 결과

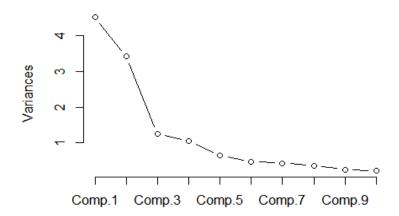
screeplot(PC.result.R.M, type="1")

- (1) 성별별로 차이가 있을 것이다.
 - 분석 방법 : 주성분 분석, 판별분석, K-평균법

① 주성분 분석

```
1) 남자데이터 주성분 분석
data_M <- data[data$sex==1,]</pre>
data M1<- data M[,c(-1,-3,-16)]
PC.result.R.M<-princomp(data M1,cor=TRUE)
PC.result.R.M
## Call:
## princomp(x = data_M1, cor = TRUE)
##
## Standard deviations:
##
     Comp.1
               Comp.2
                         Comp.3
                                   Comp.4
                                             Comp.5
                                                      Comp.6
                                                                Comp.7
## 2.1239536 1.8464598 1.1173526 1.0275294 0.8051078 0.6880795 0.6648803
     Comp.8
               Comp.9
                        Comp.10
                                  Comp.11
                                            Comp.12
                                                      Comp.13
## 0.6056382 0.5104315 0.4824984 0.4279815 0.4074050 0.0458978
##
   13 variables and 2146 observations.
summary(PC.result.R.M)
## Importance of components:
                           Comp.1
                                    Comp.2
                                               Comp.3
                                                          Comp.4
## Standard deviation
                          2.1239536 1.8464598 1.11735258 1.02752936
## Proportion of Variance 0.3470138 0.2622626 0.09603668 0.08121666
## Cumulative Proportion 0.3470138 0.6092764 0.70531303 0.78652969
##
                            Comp.5
                                      Comp.6
                                                 Comp.7
                                                           Comp.8
## Standard deviation
                          0.80510783 0.68807949 0.66488027 0.6056382
## Proportion of Variance 0.04986143 0.03641949 0.03400506 0.0282152
## Cumulative Proportion 0.83639112 0.87281061 0.90681567 0.9350309
##
                            Comp.9
                                     Comp.10
                                                Comp.11
                                                          Comp.12
## Standard deviation
                          0.51043152 0.48249840 0.42798150 0.4074050
## Proportion of Variance 0.02004156 0.01790805 0.01408986 0.0127676
## Cumulative Proportion 0.95507244 0.97298050 0.98707035 0.9998380
##
                             Comp.13
## Standard deviation
                          0.0458978001
## Proportion of Variance 0.0001620468
## Cumulative Proportion 1.0000000000
```

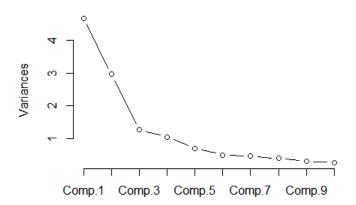
PC.result.R.M



```
2) 여자데이터 주성분 분석
data_W <- data[data$sex==2,]</pre>
data_W1<-data_W[,c(-1,-3,-16)]
PC.result.R.W<-princomp(data_W1,cor=TRUE)</pre>
PC.result.R.W
## Call:
## princomp(x = data_W1, cor = TRUE)
## Standard deviations:
##
                                                            Comp.6
      Comp.1
                 Comp.2
                            Comp.3
                                       Comp.4
                                                 Comp.5
## 2.16101071 1.72296072 1.12713033 1.02905426 0.84271383 0.71189716
##
      Comp.7
                 Comp.8
                            Comp.9
                                      Comp.10
                                                 Comp.11
                                                            Comp.12
## 0.68602733 0.63262498 0.55615067 0.52199462 0.46783873 0.37370037
     Comp.13
##
## 0.06280576
##
   13 variables and 2146 observations.
summary(PC.result.R.W)
## Importance of components:
##
                                     Comp.2
                                               Comp.3
                                                                   Comp.5
                           Comp.1
                                                         Comp.4
## Standard deviation
                          2.1610107 1.7229607 1.12713033 1.0290543
0.8427138
## Proportion of Variance 0.3592283 0.2283534 0.09772483 0.0814579
0.0546282
## Cumulative Proportion 0.3592283 0.5875816 0.68530644 0.7667643
0.8213925
##
                            Comp.6
                                      Comp.7
                                                 Comp.8
                                                            Comp.9
## Standard deviation
                          0.71189716 0.68602733 0.63262498 0.55615067
## Proportion of Variance 0.03898443 0.03620258 0.03078572 0.02379258
## Cumulative Proportion 0.86037697 0.89657954 0.92736527 0.95115785
##
                           Comp.10
                                   Comp.11 Comp.12
```

```
## Standard deviation 0.52199462 0.46783873 0.37370037 0.062805761 ## Proportion of Variance 0.02095988 0.01683639 0.01074246 0.000303428 ## Cumulative Proportion 0.97211772 0.98895411 0.99969657 1.0000000000 screeplot(PC.result.R.W,type="l")
```

PC.result.R.W



두 성별 모두 screeplot 의 elbow 가 Comp.3 에서 Comp.4 로 변하는 시점이므로 Comp.3 까지 의 주성분을 비교해보기로 한다.

3) 성별 주성분 비교 PC.result.R.M\$loadings PC.result.R.W\$loadings Comp.1 Comp.2 Comp.3 Comp.1 Comp.2 Comp.3 0.243 0.515 0.270 0.107 0.517 age age -0.151 -0.250 -0.393 height -0.151 -0.214 -0.540 height -0.514 -0.109 weight 0.185 -0.497 -0.145 weight 0.162 -0.455 BMI 0.273 -0.407 0.126 bodyfat 0.349 -0.196 bodyfat 0.320 -0.266 waist 0.202 -0.433 waist 0.280 -0.381 situp -0.369 situp -0.351 -0.114 grip_D -0.246 -0.307 0.325 grip D -0.211 -0.395 0.183 grip_ND -0.242 -0.300 0.376 grip ND -0.214 -0.377 0.216 jump -0.398 jump -0.360 -0.147 run 20 -0.367 run 20 -0.338 flexion -0.220 0.532 flexion -0.169 0.565 run 10 0.364 0.129 run 10 0.351 0.115

<남성 주성분 loadings>

<여성 주성분 loadings>

두 변수 모두 EDA 에서 살펴본 전체 데이터의 주성분 1과 같이 신체적인 측정 대비 체력적인 측정 변수의 효과를 나타내나 남성의 경우 여성과 다르게 몸무게(weight)의 효과가 없는 것으로 나타났다.

[주성분 2 비교]

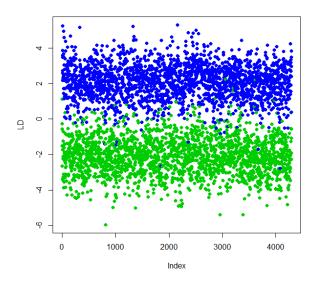
여성의 주성분 2 의 경우 몸무게, BMI, 체지방률, 허리둘레와 같이 전체데이터에서 영향력 있었던 변수들과 함께 악력과 멀리뛰기와 같은 체력 데이터도 포함된 것을 알 수 있다. 특히 윗몸일으키기와 멀리뛰기와 같은 경우에는 그 효과가 크지는 않지만, 남성 주성분 데이터에서는 해당 변수들의 효과가 아예 나타나지 않는다는 점에서는 의미를 가진다.

[주성분 3 비교]

여성 데이터의 경우에는 남성 데이터에는 포함되지않은 BMI 가 포함된다. 이는 여성의 경우 피하지방양이 많고, 남성은 근육양이 많으므로, 다음과 같은 결과가 나온 것으로 추정된다.

② 판별 분석

```
library(MASS)
datas<-data[,c(-1,-3,-16)]
datas.LDA<-lda(datas,data$sex)</pre>
datas.LDA
## Call:
## lda(datas, data$sex)
##
## Prior probabilities of groups:
##
    1
## 0.5 0.5
##
## Group means:
                                   BMI bodyfat
                                                            situp
         age
              height weight
                                                   waist
                                                                    grip D
## 1 41.05359 172.2930 73.50558 24.72588 21.93817 85.06010 38.30895
42.86302
## 2 41.10997 159.5751 58.09733 22.82697 30.52160 78.09714 23.88583
25.28956
     grip_ND
                 jump
                        run_20 flexion
                                          run 10
## 1 40.43467 197.3815 37.30475 9.29199 11.70492
## 2 23.67100 140.0406 19.75582 15.08002 14.06873
## Coefficients of linear discriminants:
##
                  LD1
## age
          -0.035071897
## height -0.099673202
## weight
          0.064693630
## BMI
          -0.259652619
## bodyfat 0.088518620
## waist
         -0.030780775
## situp
           0.001145135
## grip_D -0.052183348
## grip_ND -0.021155194
## jump
         -0.012674682
## run 20 -0.004900292
## flexion 0.052475517
## run_10
           0.029147624
error.list<-which(datas.LDA$group!=
                predict(datas.LDA)$class)
LD<-predict(datas.LDA)$x
plot(LD, type='n')
points(LD,col=as.numeric(data$sex)+2,pch=16)
points(LD[error.list,],col=2,pch=14,cex=1.5)
```



성별 판별분석의 경우, 두 성별이 LD1 하나로 거의 정확하게 판별되는 것을 확인할 수 있었다. 특히 BMI 가 많은 영향을 끼치는 것을 알 수 있다.

③ K-평균법

본 자료의 개체들은 크게 성별별, 연령별, 지역별로 나눌 수 있다. 그 중, 성별별 관측치의 거리가 가장 길 것으로 예상되므로 kmeans 방법을 통해 2개의 군집으로 나누어보고, 이를 실제 데이터의 성별과 비교해보았다.

```
data2<-data[,c(4:15)] #범주형 변수를 뺀 자료
data2.kmeans <- kmeans(data2,center=2) #kmeans 방법으로 2 개의 그룹으로 분류
sum(data2.kmeans$cluster!=data[,3])/nrow(data2)
## [1] <mark>0.1102307</mark>
data2.kmeans$centers
      height weight
                          BMI bodyfat
                                          waist
                                                   situp
                                                          grip D grip ND
## 1 172.0961 72.63813 24.47188 21.59631 84.07920 40.85415 42.90816
40.52663
## 2 160.5454 59.82537 23.16916 30.28364 79.39435 22.55745 26.35400
24.64297
        jump run 20 flexion run 10
## 1 204.0301 39.94655 10.94561 11.35937
## 2 137.8014 18.54391 13.26733 14.22403
a<-data[,c(3:15)] %>% group by(sex) %>%
summarize(medheight=median(height), medweight=median(weight), medBMI=median(
BMI), medbodyfat=median(bodyfat), medwaist=median(waist), medsitup=median(sit
up), medgrip_D=median(grip_D), medgrip_ND=median(grip_ND), medjump=median(jum
p), medrun 20=median(run 20), medflextion=median(flexion), medrun 10=median(r
un 10))
as.data.frame(a)
## sex medheight medweight medBMI medbodyfat medwaist medsitup
medgrip_D
            172.0
                      72.5 24.53266
                                          21.9
                                                 84.30
                                                             38
                                                                     42.6
## 1
## 2
            159.5
                      57.0 22.34915
                                          30.9
                                                  77.35
                                                             23
                                                                     25.1
## medgrip_ND medjump medrun_20 medflextion medrun_10
## 1
                                              11.470
                   198
                             34
                                      10.0
          40.2
## 2
          23.5
                  140
                             17
                                      16.1
                                              13.865
```

오분류율이 0.11 로 약 90%의 자료가 실제와 같게 군집화 되었다. 즉, 성별별 거리 차이가 확연히 존재함을 알 수 있다. 또한, 군집화 된 그룹별 변수들의 중심과, 실제 성별 별 변수들의 중앙값을 비교해본 결과, 거의 값이 비슷하다.

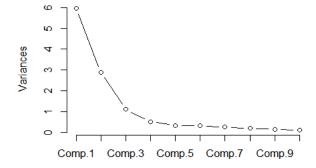
(2) 연령별로 차이가 있을 것이다

- 분석 방법 : 주성분 분석, 판별분석, 계층적 군집분석

① 주성분 분석

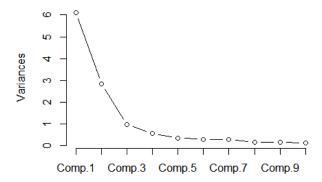
```
1) 연령별 데이터 나누기
data$age group2<-
ifelse(data$age_group==1 | data$age_group==2,1,data$age_group)
data$age group2<-
ifelse(data$age_group==3 | data$age_group==4,2,data$age_group2)
data$age_group2<-
ifelse(data$age group==5|data$age group==6,3,data$age group2)
data$age group2<-
ifelse(data$age group==7 data$age group==8 data$age group==9,4,data$age gr
oup2)
data_age1<-data[data$age_group2==1,]</pre>
data age2<-data[data$age group2==2,]</pre>
data age3<-data[data$age group2==3,]</pre>
data_age4<-data[data$age_group2==4,]</pre>
#group1 : 19 세 ~ 29 세
#group2 : 30 세 ~ 39 세
#group3 : 40 세 ~ 49 세
#group4 : 50 세 ~ 64 세
1) 주성분 분석 후 screeplot 그리기
data_age1_0<- data_age1[,c(-1,-2,-3,-16,-17)]
PC.result.R.age1<-princomp(data_age1_0,cor=TRUE)</pre>
screeplot(PC.result.R.age1,type="1")
```

PC.result.R.age1



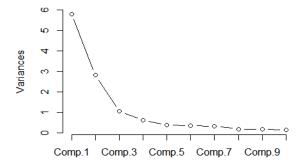
```
data_age1_0<- data_age2[,c(-1,-2,-3,-16,-17)]
PC.result.R.age2<-princomp(data_age1_0,cor=TRUE)
screeplot(PC. result.R.age2,type="l")</pre>
```

PC.result.R.age2



```
data_age1_0<- data_age3[,c(-1,-2,-3,-16,-17)]
PC.result.R.age3<-princomp(data_age1_0,cor=TRUE)
screeplot(PC.result.R.age3,type="l")</pre>
```

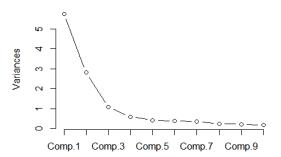
PC.result.R.age3



```
data_age1_0<- data_age4[,c(-1,-2,-3,-16,-17)]
PC.result.R.age4<-princomp(data_age1_0,cor=TRUE)</pre>
```

screeplot(PC.result.R.age4,type="1")

PC.result.R.age4



3) 주성분 변수 해석

```
PC.result.R.age1$loadings
PC.result.R.age2$loadings
PC.result.R.age3$loadings
PC.result.R.age4$loadings
```

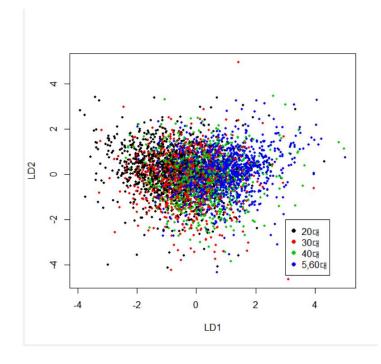
```
Comp.1 Comp.2 Comp.3
                                  Comp.1 Comp.2 Comp.3
                                                              Comp.1 Comp.2 Comp.3
                                                                                          Comp.1 Comp.2 Comp.3 (
height
        0.317
                     0.368 height
                                   0.325
                                                0.306 height
                                                               0.331
                                                                            0.348 height
                                                                                           0.343
weight
        0.274 0.418
                           weight
                                   0.297 0.380
                                                                                   weight
                                                                                           0.270
                                                                                                  0.432
                                                               0.300
                                                                     0.388
                                                      weight
BMI
        0.149 0.495 -0.282 BMI
                                         0.473 -0.301
                                                               0.161 0.484 -0.317 BMI
                                   0.181
                                                      BMI
                                                                                                  0.522 -0.297
bodyfat -0.247 0.374 -0.256 bodyfat -0.226 0.405 -0.244 bodyfat -0.242 0.381 -0.275 bodyfat -0.282 0.329 -0.235
waist
        0.160 0.497 -0.105 waist
                                   0.195 0.471 -0.118
                                                               0.176 0.489 -0.123 waist
                                                                                           0.117 0.514 -0.105
                                                      waist
        0.314 -0.183 -0.213 situp
                                   0.292 -0.238 -0.197
                                                                                           0.310 -0.163 -0.252
                                                               0.283 -0.245 -0.246 situp
situp
                                                      situp
grip_D
                           grip_D
                                   0.377
                                                                                   grip_D
                                                                                           0.384
        0.376
                                                      grip_D
                                                               0.382
                           grip_ND
                                  0.378
                                                                                   grip_ND
                                                                                          0.381
grip_ND 0.375
                                                      grip_ND 0.382
                                   0.358 -0.141
                                                                                           0.364 -0.122
                           jump
                                                                                   jump
jump
        0.368 -0.149
                                                      jump
                                                               0.363 -0.138
                                  0.286 -0.242 -0.118
                                                                                           0.285 -0.209 -0.229
        0.302 -0.227 -0.102 run_20
                                                              0.284 -0.243 -0.125 run_20
                                                     run_20
                                                                     -0.236 -0.760 flexion
                                        -0.266 -0.826 flexion
                                                                                                 -0.193 -0.787
              -0.215 -0.793 flexion
run_10 -0.328 0.173 0.143 run_10 -0.320 0.182
                                                      run_10 -0.314 0.180 0.147 run_10 -0.313 0.183 0.157
<group1:19 세~29 세> <group2:30 세~39 세> <group3:40 세~49 세>
                                                                                     <group4:50 세~64 세>
```

Screeplot 을 그려본 결과 네 그룹 모두 elbow 가 같기 때문에 전부 Comp.1, Comp.2, Comp.3 의세 변수를 사용하기로 한다. 세 변수는 전체 자료의 80%를 설명한다네 그룹에서 각 주성분변수들의 효과에 별다른 차이점이 보이지 않지만, 50-60 대 데이터에서는제 1 주성분의 BMI가 빠지는 차이를 확인할 수 있다.

② 판별분석

```
1) 판별분석
library(MASS)
datas<-data[,c(-1,-2,-3,-16,-17)]
datas<-scale(datas)</pre>
datas.LDA<-lda(datas,data$age_group2)</pre>
datas.LDA
## Call:
## lda(datas, grouping = data$age_group2)
## Prior probabilities of groups:
##
          1
                   2
                            3
## 0.2320596 0.2273998 0.2315937 0.3089469
##
## Group means:
                    weight
                                   BMI
                                           bodyfat
                                                                    situp
         height
                                                        waist
## 1 0.26737030 -0.02894614 -0.243495463 -0.28778095 -0.27247326
0.50031277
## 2 0.20817077 0.12341257 -0.001088583 -0.03927823 0.04803233
0.16655065
## 3 -0.02767569 0.06993996 0.112307808 0.05771549 0.08510350 -
0.03852309
## 4 -0.33330759 -0.12152386 0.099509786 0.20180708 0.10551352 -
0.46951207
##
                                            run 20
                                                                   run 10
         grip_D
                  grip_ND
                                   jump
                                                      flexion
## 1 0.05678203 0.01670172 0.394060038 0.47502798 0.05762076 -
0.46660790
## 2 0.13962544 0.13842495 0.194900729 0.14931592 -0.01056287 -
0.21713818
## 3 0.06024850 0.06513821 -0.002691114 -0.09750218 -0.08933787
0.02362835
## 4 -0.19058547 -0.16326172 -0.437429821 -0.39362220 0.03146375
0.49259559
2) 판별분석 LDA 계수
##
## Coefficients of linear discriminants:
##
                 LD1
                            LD2
                                      LD3
## height -0.20907236 1.83875432 0.5654367
## weight -1.10313772 -3.22954444 0.3580253
## BMI
           0.73344051 2.79492034 -1.1961927
## bodyfat -0.65812582 -0.99420956 0.4189274
           0.54818947 -0.04130853 0.7297345
## waist
## situp -0.50770991 0.08022343 -0.5095399
## grip_D 0.21552847 -0.18874488 -0.2651819
## grip ND 0.75751607 -0.89240145 0.3715867
          -0.45022271 -0.38017888 -0.5168920
## jump
## run 20 -0.31419345 0.54007300 0.5269873
```

```
## flexion 0.07989771 0.15703062 0.6274437
## run 10
           0.41312446 0.33160024 -0.1031137
##
## Proportion of trace:
     LD1
            LD2
## 0.9302 0.0561 0.0138
3) 판별분석 그림 그리기
error.list<-which(datas.LDA$group!=
                  predict(datas.LDA)$class)
LD<-predict(datas.LDA)$x
plot(LD, type='n')
points(LD,col=as.numeric(data$age_group2),pch=16,cex=0.5)
legend(3,-2,c("20 대","30 대","40 대","5,60 대
"), pch=c(16,16,16,16), col=c(1,2,3,4))
```



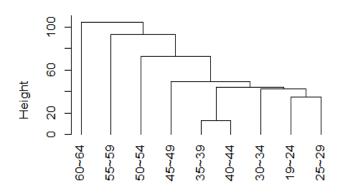
연령대별 판별분석을 시행한 결과, proportion of trace 를 보면 LD1 이 자료의 95%, LD2 는 5%를 설명함을 알 수 있다. 즉, 대부분의 데이터가 LD1 에 의해 설명되고 있다. 설명비율이 거의 0%에 가까운 LD3 를 제외하고 LD1 과 LD2 를 축으로 그래프를 그려본 결과, 상대적으로 다른 group 에 비해 20 대와 5,60 대 group 의 경우 서로의 반대편에 위치함을 확인할 수 있다. 반면에 30 대, 40 대의 경우 전체 평면에 고루 분포하여 판별분석을 통한 해석이 불분명하다. 본 팀이 추출한 데이터에는 19 세 미만과 65 세이상의 데이터가 없으나 해당 데이터가 있다면 초년, 중년, 장년, 노년층의 판별이 더 뚜렷할 것으로 추정한다.

③ 계층적 군집분석

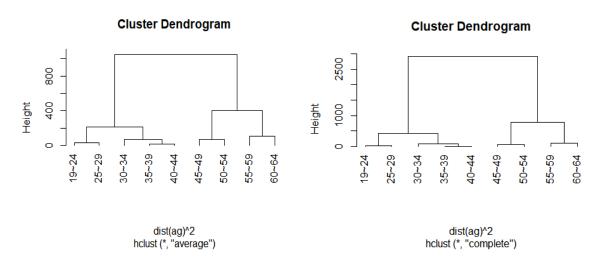
본 데이터에 존재하는 연령그룹 9개를 최단연결법, 평균연결법, 최장연결법을 이용하여 군집화해보았다.

```
data_agegroup<-data
data_agegroup$age_group<-
dplyr::recode(data$age_group, 1 = "19~24", 2 = "25~29", 3 = '30~34', 4 = '35~3
9',`5`='40~44',`6`='45~49',`7`='50~54',`8`='55~59',`9`='60~64')
ag<-data_agegroup %>% group_by(age_group) %>%
summarize(avgheight=mean(height),avgweight=mean(weight),avgBMI=mean(BMI),a
vgbodyfat=mean(bodyfat),avgwaist=mean(waist),avgsitup=mean(situp),avggrip_
D=mean(grip D),avggrip ND=mean(grip ND),avgjump=mean(jump),avgrun 20=mean(
run_20),avgflextion=mean(flexion),avgrun_10=mean(run_10))
ag<-as.data.frame(ag)</pre>
row.names(ag)<-ag[,1]</pre>
ag<-ag[,-1]
ag
##
       avgheight avgweight avgBMI avgbodyfat avgwaist avgsitup avggrip D
## 19~24 167.9118 64.61105 22.79795
                                       23.67949 78.03536 39.21696 34.42899
## 25~29 168.6018 66.32820 23.18350
                                       24.38961 80.13320 37.50615 34.96721
## 30~34 167.9895 68.08111 23.93917
                                       25.70741 82.11882 35.14754 36.04147
## 35~39 167.4791 66.55467 23.60661 26.15113 81.92627 31.89959 35.11578
## 40~44 166.2935 67.00365 24.07592
                                       26.40266 81.98839 31.61475 35.12336
## 45~49 165.1172 66.33024 24.20416
                                       26.93100 82.72853 29.49605 34.33992
## 50~54 164.1266 65.01933 24.04259
                                       27.40482 82.17888 26.72047 32.98602
## 55~59 162.8224 64.36024 24.17304
                                       27.90227 82.70164 23.93110 31.91732
## 60~64 161.6655 63.05774 24.07284
                                       28.17061 82.92591 20.75806 30.62935
##
        avggrip_ND avgjump avgrun_20 avgflextion avgrun_10
## 19~24 31.68249 186.2968 38.42604
                                         12.90375 11.83097
## 25~29 32.79836 182.7869 35.30943
                                         12.52998
                                                  11.95639
## 30~34 33.93125 178.6756 32.58197
                                         12.96193
                                                  12.30998
## 35~39 33.04857 174.4666 29.73566
                                         11.21135 12.53644
## 40~44 33.15799 171.5148 28.20902
                                         11.38715
                                                  12.73832
## 45~49 32.31542 165.7939 25.46838
                                         11.30553
                                                  13.12915
## 50~54 31.28839 158.2559 24.31890
                                         12.06921 13.55575
## 55~59
          30.14665 149.9906 20.99803
                                         12.66130 13.89693
## 60~64
          29.17935 141.0639 18.13548
                                         12.86455 14.63413
hc<-hclust(dist(ag)^2, method="single")</pre>
plot(hc,hang=-1)
hc<-hclust(dist(ag)^2, method="average")</pre>
plot(hc,hang=-1)
hc<-hclust(dist(ag)^2, method="complete")</pre>
plot(hc,hang=-1)
```

Cluster Dendrogram



dist(ag)^2 hclust (*, "single")



평균연결법과 최장연결법의 결과가 동일하므로 이것을 해석해보겠다. 확연하게는 19 세~44 세와 45 세~64 세 두개의 그룹으로 나뉜다. 국민체력이 40 대 중반을 기준으로 많은 변화가 생긴다고 해석할 수 있다. 4 개의 그룹으로 나누면 10~20 대, 30~40 대 중반, 40 대 중반~50 대 중반, 50 대 중반~60 대 중반 그룹으로 나눌 수 있다. 최단연결법과 함께 보아도, 연령의 흐름에 따라 비슷한 경향을 보이는 것을 확인할 수 있다.

- (3) 지역별로 차이가 있을 것이다.
 - 분석 방법: MANOVA, 주성분을 이용한 ANOVA, 계층적 군집화

① MANOVA

지역별로 비만도에 차이가 있는지 알아보기 위해 MANOVA 를 실시하기로 하였다. MANOVA 를 실시할 때 어떤 변수들을 이용하여 지역별 차이를 검정할지 알아보기 위하여 상관행렬을 구하였다.

> cor(data1)

```
height
                                   weight
                                                           bodyfat
                age
                                                   BMT
                                                                        waist
        1.000000000 -0.2490987 -0.05193624 0.124777049 0.18430364 0.13601464
       -0.249098652 1.0000000 0.68743489
                                           0.167593211 -0.51559247
                                                                   0.34633898
heiaht

    0.826122618
    -0.01591478
    0.79598187

    1.000000000
    0.37551928
    0.81681427

weight -0.051936243
                     0.6874349
                               1.00000000
        0.124777049 0.1675932
                               0.82612262
bodyfat 0.184303644 -0.5155925 -0.01591478
                                           0.375519280 1.00000000
                                                                   0.30734180
        0.136014643   0.3463390   0.79598187
                                           0.816814269 0.30734180
                                                                   1.00000000
waist
        -0.379799010 0.4730452 0.27076874 0.002499594 -0.57675816 -0.01435858
situp
grip_D -0.113561853 0.7304863 0.66552708 0.342857318 -0.53404333 0.36653061
grip_ND -0.088824237
                    0.7196481 0.65358802
                                           0.334643864 -0.54135037
                                                                   0.36111962
       -0.334519259
                     0.6520286
                               0.42935731
                                           0.084359499 -0.65901265
jump
                                                                   0.12257287
run_20 -0.344043302 0.4596227 0.22175454 -0.047906789 -0.58699022 -0.04314200
flexion -0.009290949 -0.2608898 -0.26552435 -0.161794571 -0.03096482 -0.26329521
```

비만도에 영향을 주리라 기대되는 변수들인 weight, BMI, bodyfat, waist 중에서 bodyfat을 제외한나머지 변수들 간 상관관계가 크므로 weight, BMI, waist 의 세 변수를 이용하여 MANOVA를 실시한다.

MANOVA 를 실시하기에 앞서 등분산 가정을 만족하는지 검정하였다. 관측수 4000 개 이상으로, 표본의 크기가 충분히 크기 때문에 정규성은 만족한다고 보았다.

[분산에 대한 동일성 검정]

```
library(car)
## Loading required package: carData
##
## Attaching package: 'car'
## The following object is masked from 'package:dplyr':
##
## recode
## The following object is masked from 'package:purrr':
##
## some
## weight*waist*BMI
leveneTest(weight*waist*BMI~location,data=data)
## Levene's Test for Homogeneity of Variance (center = median)
## Df F value Pr(>F)
```

```
## group 16 1.3076 0.1822
## 4275
```

p-value 가 0.18 로 유의수준 0.05 에서 기각되지 않는다. 따라서 등분산 가정을 만족한다고 볼 수 있다.

다음으로 MANOVA 를 실시하였다.

```
summary(manova(cbind(weight,waist,BMI)~location,data=data))
                 Pillai approx F num Df den Df
                                   48 12825 < 2.2e-16 ***
## location
             16 0.055587 5.0442
## Residuals 4275
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
summary(manova(cbind(weight,waist,BMI)~location,data=data),test=c("Wilks")
             Df
##
                 Wilks approx F num Df den Df
                                                Pr(>F)
             16 0.94502 5.0824
                                    48 12710 < 2.2e-16 ***
## location
## Residuals 4275
## ---
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

Pillai's trace 를 이용한 검정과 Wilk's lambda 를 이용한 검정에서 p-value 의 값이 모두 매우 작게 나왔으므로 유의하다. 즉 지역에 따라 비만도의 차이가 있다고 할 수 있다.

② 주성분을 이용한 ANOVA

앞서 전체 데이터에 대한 주성분 분석 결과, 두번째 주성분은 몸무게, BMI, 체지방률, 허리둘레와 같이 신체의 비만도를 정량적으로 나타내는 변수들의 효과를 나타내는 것을 알 수 있었다. 이를 이용하여 비만도를 나타내는 새로운 변수 obesity 를 생성시키고 지역간 비만도 차이를 보기 위해 ANOVA 를 실시하였다.

```
PC.result.R$loadings
## +
## Loadings:
          Comp.1 Comp.2
                         Comp.3
##
## age
           0.132 0.190
                         0.190
                         0.291
## height -0.332
## weight -0.268 0.412
## BMI
          -0.109 0.499
                        -0.305
## bodyfat 0.261 0.322 -0.291
## waist
          -0.127
                 0.501 -0.121
          -0.314 -0.192 -0.219
## situp
## grip D -0.370
## grip_ND -0.366
## jump
           -0.368 -0.116
## run 20 -0.302
                 -0.209
                        -0.148
## flexion
                  -0.211
                         -0.766
## run_10
           0.327
                  0.169
                         0.123
```

Obesity (두번째 주성분) = 0.412*체중 + 0.499*BMI + 0.322*체지방률 + 0.501*허리둘레

새로운 변수 obesity 를 포함한 새로운 데이터 data2 를 생성하였다.

```
library(dplyr)
data2<-
mutate(data,obesity=0.412*weight+0.499*BMI+0.322*bodyfat+0.501*waist)
head(data2[,c(1,17)])
##
    location obesity
## 1
          1 79.91572
## 2
           1 69.74556
## 3
           1 67.72542
## 4
           1 75.51644
## 5
           1 73.17960
## 6
           1 89.72286
head(data2)
##
    location age sex height weight
                                       BMI bodyfat waist situp grip_D
## 1
           1 19
                  1
                    164.3 58.04 21.50068
                                             23.6 75.2
                                                          46
                                                               29.0
## 2
           1 19
                  1 167.9 52.90 18.76525
                                             11.7 69.5
                                                          38
                                                               27.1
                  1 171.2 51.20 17.46877
## 3
           1 19
                                             12.1 67.9
                                                          36
                                                               26.6
## 4
           1 19
                  1
                    172.6 57.70 19.36842
                                             17.1 73.0
                                                          28
                                                               37.3
## 5
           1 19
                  1 172.7 59.80 20.05010
                                             8.9 71.2
                                                          39
                                                               38.2
## 6
           1 19
                  1 175.5 73.60 23.89591
                                             18.3 83.0
                                                          50
                                                               40.2
    grip_ND jump run_20 flexion run_10 age_group obesity
##
       28.7 212 32 20.3 9.98
                                            1 79.91572
```

```
## 2
      26.5 224
                  26 3.7 11.68
                                         1 69.74556
## 3
      24.6 210
                  44
                       7.4 10.61
                                         1 67.72542
## 4
      37.5 179
                       -11.2 12.10
                                         1 75.51644
                  34
## 5
      35.7 207
                  54
                      -9.5 9.90
                                         1 73.17960
## 6
      37.4 234
                   50
                       15.2 9.77
                                         1 89.72286
summary(data2$obesity)
##
     Min. 1st Qu. Median
                         Mean 3rd Qu.
                                        Max.
    58.68 80.43 87.28 88.29 94.81 159.30
##
```

ANOVA 를 실시하기에 앞서 등분산 가정을 만족하는지 알아보기 위해 분산에 대한 동일성 평가를 하였다. 관측수 4000 이상으로 표본의 크기가 충분히 크기 때문에 정규성은 만족하는 것으로 보았다.

[분산에 대한 동일성 검정]

```
leveneTest(obesity~location,data=data2)

## Levene's Test for Homogeneity of Variance (center = median)

## Df F value Pr(>F)

## group 16 1.7134 0.03754 *

## 4275

## ---

## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

p-value 가 0.03 으로, 유의수준 0.01 에서 기각되지 않으므로 등분산성을 만족한다고 볼 수 있다. 지역에 따라 비만도(obesity)에 차이가 있는지 검정하기 위해 ANOVA 를 실시하였다.

p-value 가 매우 작은 값을 가지므로 유의하다. 즉, 지역에 따라 비만도의 차이가 있다고 할 수 있다.

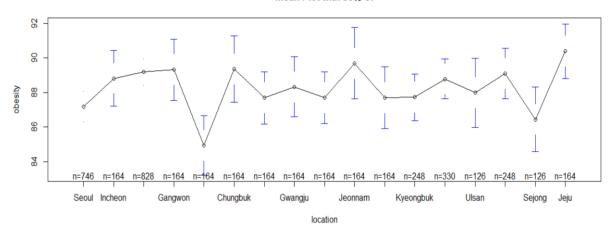
그래프를 통해 확인하면 다음과 같다.

```
library(gplots)
##
## Attaching package: 'gplots'
```

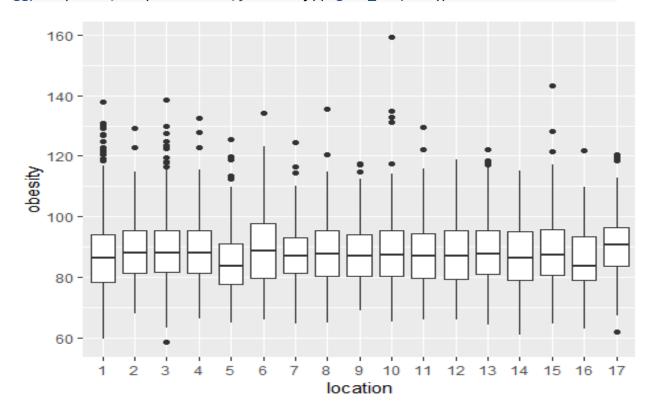
```
## The following object is masked from 'package:stats':
##
## lowess

par(mfrow=c(1,1))
plotmeans(data2$obesity~data2$location,xlab="location",ylab="obesity",main
="mean Plot with 95% CI")
```

mean Plot with 95% CI



ggplot(data2,aes(x=location,y=obesity))+geom_boxplot()



③ 계층적 군집화

chungbuk

chungnam

35.39512

34.77561

어떤 지역끼리 비슷한 체력 수준으로 묶이는지 알아보기 위하여 계층적 군집분석을 실시하였다.

1) 17 개 지역을 전체 변수에 대하여 군집화 지역별 전체적인 국민체력 차이를 보기위해, 지역별로 변수마다 평균을 내어 정리하였다. 변수 평균을 가지고 최단연결법, 평균연결법, 최장연결법을 통해 군집화 해보았다. library(car) data location<-data data_location\$location<-</pre> dplyr::recode(data\$location, `1`="seoul", `2`='incheon', `3`='gyeonggi', `4`=' gangwon',`5`='daejeon',`6`='chungbuk',`7`='chungnam',`8`='gwangju',`9`='je onbuk',`10`='jeonnam',`11`='daegu',`12`='kyeongbuk',`13`='busan',`14`='uls an',`15`='kyeongnam',`16`='sejong',`17`='jeju') loc<-data_location %>% group_by(location) %>% summarize(avgheight=mean(height),avgweight=mean(weight),avgBMI=mean(BMI),a vgbodyfat=mean(bodyfat),avgwaist=mean(waist),avgsitup=mean(situp),avggrip D=mean(grip_D),avggrip_ND=mean(grip_ND),avgjump=mean(jump),avgrun_20=mean(run 20),avgflextion=mean(flexion),avgrun 10=mean(run 10)) loc<-as.data.frame(loc)</pre> row.names(loc)<-loc[,1]</pre> loc < -loc[, -1]loc ## avgBMI avgbodyfat avgwaist avgsitup avgheight avgweight ## seoul 165.6910 64.94566 23.50979 25.83094 80.58013 32.32215 28.80183 81.09756 29.65244 ## incheon 164.8573 65.42488 23.95865 165.9365 66.44734 24.00275 ## gyeonggi 27.11280 82.02917 30.68478 166.0018 65.79524 23.81634 26.48242 83.41402 29.96951 ## gangwon 167.6244 64.67744 22.90929 25.01829 77.44939 31.56098 ## daejeon ## chungbuk 166.3543 66.03244 23.73394 26.50122 83.36271 29.76220 166.1957 64.95866 23.39870 25.67643 81.80419 32.89634 ## chungnam ## gwangju 166.0585 66.27073 23.90119 25.65366 81.50122 31.00000 ## jeonbuk 165.6927 65.09512 23.59042 24.92439 81.99831 31.55488 ## jeonnam 165.9122 67.72159 24.44628 26.51530 81.91829 31.90854 165.7628 65.56476 23.70959 24.74774 81.61975 30.32317 ## daegu 26.07512 80.62128 32.37903 ## kyeongbuk 166.2645 65.78726 23.69175 ## busan 165.9662 66.35921 23.98494 26.27576 81.86109 31.56061 24.27472 82.16349 29.00794 ## ulsan 165.9802 65.83730 23.78827 ## kyeongnam 166.4347 65.90169 23.68866 26.07653 83.27558 28.74194 ## sejong 165.9103 64.46000 23.31189 26.85794 79.04841 30.49206 164.6439 66.89841 24.57135 26.74146 83.72851 31.53659 ## jeju ## avggrip_D avggrip_ND avgjump avgrun_20 avgflextion avgrun_10 ## seoul 33.10604 31.23208 170.8698 30.11678 12.308094 12.79397 ## incheon 32.67195 30.49817 170.7256 28.20732 11.829268 12.86884 ## gyeonggi 33.57021 31.32959 166.7371 25.92150 11.682246 12.82157 ## gangwon 34.27805 32.49177 168.4713 25.81707 11.934390 12.98447 ## daejeon 33.88476 31.93720 167.1829 28.50610 9.981098 12.56927

33.13354 168.6280

33.96402 173.6646

gwangju 35.02012 32.67622 166.6220 25.07317

31.20732

31.96341

10.049268

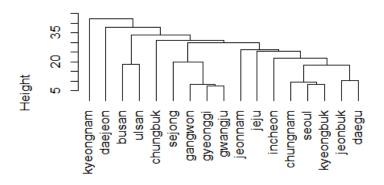
13.251707

12.060976 12.91685

12.98701

13.03902

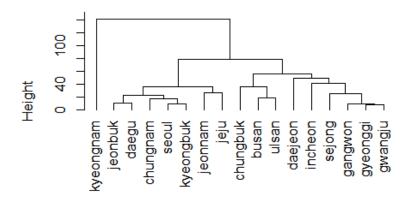
```
## jeonbuk
              33.41341
                         33.56402 174.9518
                                             28.36585
                                                        14.065244
                                                                   12.56384
## jeonnam
                         33.96463 170.2921
                                                                   13.04543
              36.68841
                                             29.31707
                                                        13.535366
## daegu
              34.48841
                         32.59268 173.9451
                                             28.59146
                                                        11.752378
                                                                   12.61256
## kyeongbuk 33.94395
                         31.98194 172.7540
                                             30.83065
                                                                  12.86480
                                                        13.720040
## busan
              34.26939
                         32.01727 163.6461
                                             30.73030
                                                        12.339515
                                                                   13.02298
## ulsan
              32.79921
                         31.18571 165.6825
                                             31.38889
                                                        12.714286
                                                                   13.48103
## kyeongnam 34.79315
                         32.65242 159.6855
                                             26.95161
                                                        11.353266
                                                                   13.39790
## sejong
              33.47222
                         30.52937 166.0556
                                                        11.707143
                                                                   12.91175
                                             23.65079
## jeju
              37.31341
                         34.21524 174.6159
                                            30.23171
                                                        13.932256
                                                                   12.56073
hc<-hclust(dist(loc)^2, method="single")</pre>
plot(hc,hang=-1)
```



dist(loc)^2 hclust (*, "single")

명확한 군집을 보기 어려워 다음 2개의 결과를 해석하겠다.

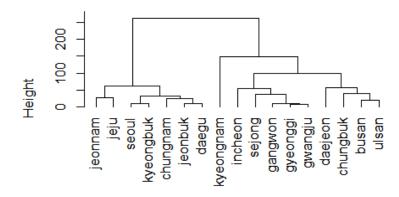
```
hc<-hclust(dist(loc)^2, method="average")
plot(hc, hang=-1)</pre>
```



dist(loc)^2 hclust (*, "average")

hc<-hclust(dist(loc)^2, method="complete")
plot(hc, hang=-1)</pre>

Cluster Dendrogram



dist(loc)^2 hclust (*, "complete")

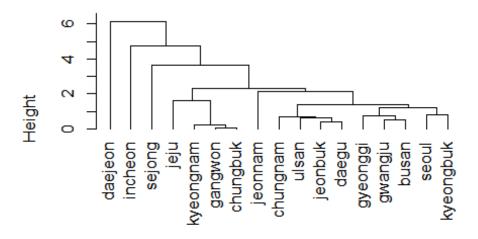
평균연결법	최장연결법	
경남	경남	
전북, 대구, 충남, 서울, 경북, 전남, 제주	전남, 제주, 서울, 경북, 충남, 전북, 대구	
충북, 부산, 울산, 대전, 인천, 세종, 강원, 경기, 광주	인천, 세종, 강원, 경기, 광주, 대전, 충북, 부산, 울산	

지역별로 전체 변수들의 평균을 내어 지역 간의 군집화를 진행하였다. 최단연결법, 평균연결법, 최장연결법의 세 가지 방법에 의해 군집화를 진행한 결과는 조금씩 다르나, 경남지역은 일관적으로 가장 마지막에 분류되는 것을 발견할 수 있다. 경남 지역의 신체적 특징이 다른 지역과는 구별된다고 해석할 수 있다. 또한, 군집화가 극단적으로 일어나는 최단연결법을 제외하고, 평균연결법과 최장연결법의 결과를 비교해보면, 3 개의 그룹으로 나누었을 때 완벽히 일치하는 것을 볼 수 있다. 그 이유를 파악하는 데에는 이 자료만으로 한계가 있다.

2) 17 개 지역을 비만도에 대하여 군집화

앞서 주성분으로 새롭게 만들었던 '비만도'를 구성하는 네 개의 변수 weight, BMI, bodyfat, waist 만을 가지고 다시 군집화 해보았다. 각 변수의 계수가 비슷하므로 각 변수에 대한 평균을 내어 군집화에 이용하였다.

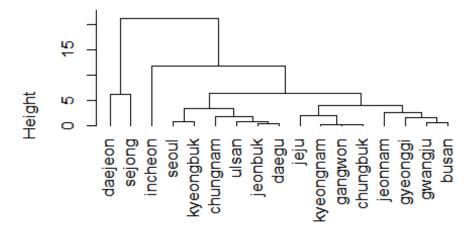
```
loc1<-data location %>% group by(location) %>%
 summarize(avgweight=mean(weight),avgBMI=mean(BMI),avgbodyfat=mean(bodyfa
t),avgwaist=mean(waist))
loc1<-as.data.frame(loc1)</pre>
row.names(loc1)<-loc1[,1]</pre>
loc1<-loc1[,-1]
loc1
                       avgBMI avgbodyfat avgwaist
##
            avgweight
## seoul
             64.94566 23.50979
                                 25.83094 80.58013
## incheon
             65.42488 23.95865
                                 28.80183 81.09756
## gyeonggi 66.44734 24.00275 27.11280 82.02917
                                 26.48242 83.41402
## gangwon
             65.79524 23.81634
## daejeon
             64.67744 22.90929
                                 25.01829 77.44939
## chungbuk 66.03244 23.73394
                                 26.50122 83.36271
## chungnam 64.95866 23.39870
                                 25.67643 81.80419
             66.27073 23.90119
                                 25.65366 81.50122
## gwangju
## jeonbuk
             65.09512 23.59042
                                 24.92439 81.99831
## jeonnam
             67.72159 24.44628
                                 26.51530 81.91829
## daegu
             65.56476 23.70959
                                 24.74774 81.61975
## kyeongbuk 65.78726 23.69175
                                 26.07512 80.62128
## busan
             66.35921 23.98494
                                 26.27576 81.86109
## ulsan
                                 24.27472 82.16349
             65.83730 23.78827
## kyeongnam 65.90169 23.68866
                                 26.07653 83.27558
## sejong
             64.46000 23.31189
                                 26.85794 79.04841
## jeju
             66.89841 24.57135
                                 26.74146 83.72851
hc<-hclust(dist(loc1)^2,method="single")</pre>
plot(hc,hang=-1)
```



dist(loc1)^2 hclust (*, "single")

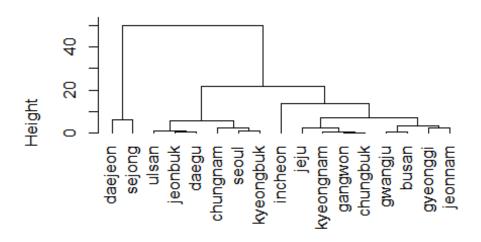
hc<-hclust(dist(loc1)^2,method="average")
plot(hc,hang=-1)</pre>

Cluster Dendrogram



dist(loc1)^2 hclust (*, "average")

```
hc<-hclust(dist(loc1)^2,method="complete")
plot(hc,hang=-1)</pre>
```



dist(loc1)^2 hclust (*, "complete")

세 개의 결과 중 가장 고르게 군집화 된 최장연결법의 결과와 앞서 새롭게 만든 주성분의 지역별 결과를 비교해보겠다.

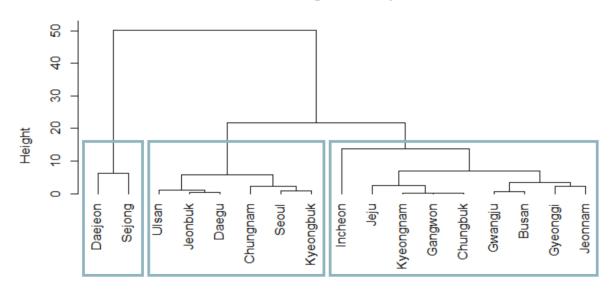
최장연결법 군집화
인천, 제주, 경남, 강원, 충북, 광주, 부산, 경기, 전남
울산, 전북, 대구, 충남, 서울, 경북
대전, 세종

<pre>> arrange(data4,desc(mean_obesity)) # A tibble: 17 x 2</pre>				
TT F	location			
	<fct></fct>	<db7></db7>		
1		90.4		
	Jeonnam	89.7		
3	Chungbuk	89.3		
4	Gangwon	89.3		
5	Gyeonggi	89.2		
6	Kyeongnam	89.1		
7		88.8		
8	Busan	88.8		
9	Gwangju	88.3		
10	Ulsan	88.0		
11	Kyeongbuk	87.7		
12	5	87.7		
13	Jeonbuk	87.7		
14		87.7		
	Seoul	87.2		
16	3 3	86.4		
17	Daejeon	84.9		

오른쪽 그림은 앞서 생성한 새로운 변수 obesity에 대하여 각 지역의 평균 비만도 (mean_obesity)가 큰 순서대로 정렬한 것이다. 이것을 최장연결법을 이용한 군집화 결과와 비교해보면 비만도가 높은 그룹, 비만도가 중간인 그룹, 비만도가 낮은 그룹 총 세 개의 그룹으로 잘 군집화 되었음을 알 수 있다. 비만도가 높은 그룹에는 인천, 제주, 경남, 강원, 충북, 광주,

부산, 경기, 전남, 비만도가 중간인 그룹에는 울산, 전북, 대구, 충남, 서울, 경북, 비만도가 낮은 그룹에는 대전과 세종이 포함된다.

Dendrogram:complete



dist(loc1)^2 hclust (*, "complete")

(4) 체력과 체격 데이터의 연관성

- 분석 방법: 정준상관분석

① 정준상관분석

본 데이터의 변수는 크게 3 가지로 분류할 수 있다. 각 개체의 연령, 지역, 성별 등 특성을 나타내는 범주형 변수와 키, 몸무게 등 체격 특징을 나타내는 변수, 윗몸일으키기, 악력, 왕복달리기 등 체력적 특징을 나타내는 변수이다. 이 중, 체격 특징과 체력적 특징의 관계를 알아보기 위해 정준상관분석을 사용하였다. 체격 변수 그룹에는 키(height), 몸무게(weight), BMI, 체지방률(bodyfat), 허리둘레(waist) 변수가 해당된다. 체력적 특징 그룹은 그 성격에 따라 힘과 운동 능력으로 나누었다. 자주 쓰는 손의 악력(grip_D), 반대 손의 악력(grip_ND) 변수는 악력 변수 그룹으로, 윗몸일으키기(situp), 20m 왕복 오래 달리기(run_20), 10m 왕복 오래 달리기(run_10) 변수는 체력 변수 그룹으로 결정하였다. 각 변수들의 단위가 모두 다르기 때문에 표준화하여 사용하였으며, 정준상관계수는 척도불변이기 때문에 변하지 않는다.

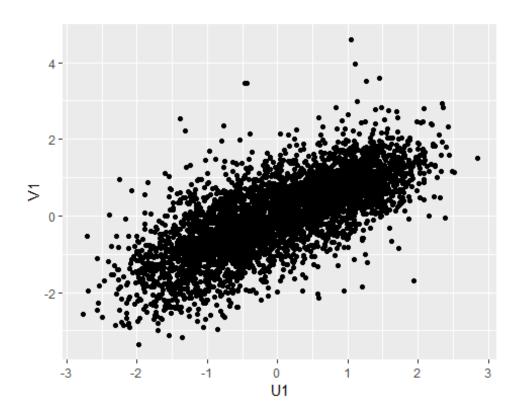
1) 체격과 체력의 관련성

```
library(CCA)
library(ggplot2)
data.std<-scale(data1)</pre>
X<-data.std[,c(2:6)]</pre>
Y<-data.std[,c(7,11,13)]
cc1<-cc(X,Y)
cc1$cor
## [1] <mark>0.71537499</mark> 0.11959120 0.07562573
cc1$xcoef
##
             [,1]
                       [,2]
                               [,3]
## height -0.2543960 -2.8340234 -3.7510263
## weight -0.1780563 6.2087722 5.3696763
## BMI -0.2965713 -3.9785689 -2.7729074
## bodyfat 0.8086538 0.5629280 -0.6045865
## waist
          0.2388564 -0.2286263 -0.8407856
cc1$ycoef
##
             [,1]
                      [,2]
                               [,3]
## run 20 -0.3510075 -1.3655232 -0.4664797
```

먼저, 체격 특징과 체력의 관계를 알아보기 위해, 체격 변수 집단을 X, 체력 변수 집단을 Y로 설정하여 정준상관분석을 진행하였다. 분석 결과, 첫번째 정준상관계수는 0.715 로 꽤 높게 나오는 것을 확인할 수 있다. 첫번째 정준변수를 U1 이라 하면, U1 은 키, 몸무게, BMI 대비 체지방률과 허리둘레라고 해석할 수 있고, V1 은 10m 왕복 달리기의 결과는 짧을수록 체력이 좋다는 것을 감안하면, 전체적인 체력의 좋지 않은 정도로 해석할 수 있다. 이때 U1, V1 이 양의 선형관계를 가진다는 것은 체지방이 많을수록 체력이 떨어지는 관계가 존재한다고 해석할 수 있다.

첫번째 정준상관변수 쌍에 대해 그래프를 그려보았다.

```
cc2<-comput(X,Y,cc1)
cc2[3:6]
## $corr.X.xscores
##
                           [,2]
                                      [,3]
                 \lceil,1\rceil
## height -0.76072910 0.3980123 -0.50380292
## weight -0.42072854 0.7828639 -0.15922927
## BMI
           0.01244335 0.7002581 0.12067601
## bodyfat 0.90471047 0.3608961 -0.05580667
## waist
           0.01529380 0.6551342 -0.31650763
## $corr.Y.xscores
##
               [,1]
                           [,2]
                                        [,3]
## situp -0.6391911 0.009405126 0.033435128
## run_20 -0.6271878 -0.055633065 -0.009245693
## run 10 0.6457391 -0.039158088 0.021120568
##
## $corr.X.yscores
                  \lceil , 1 \rceil
                            [,2]
                                         [,3]
## height -0.544206575 0.04759877 -0.038100464
## weight -0.300978674 0.09362363 -0.012041830
           0.008901661 0.08374471 0.009126212
## BMI
## bodyfat 0.647207251 0.04316000 -0.004220420
## waist
           0.010940803 0.07834829 -0.023936121
##
## $corr.Y.yscores
##
               [,1]
                           [,2]
                                     [,3]
## situp -0.8935050 0.07864396 0.4421131
## run 20 -0.8767259 -0.46519363 -0.1222559
## run_10 0.9026582 -0.32743286 0.2792775
U1<-cc1\$scores\$xscores[,1]
V1<-cc1\$scores\$yscores[,1]
ggplot(data.frame(U1,V1),aes(U1,V1))+geom_point()
```

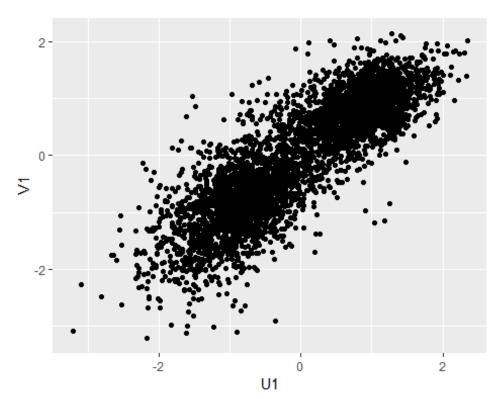


양의 상관관계가 존재하는 것을 확인할 수 있다.

2) 체격과 악력의 연관성

```
X<-data.std[,c(2:6)]</pre>
Y<-data.std[,c(8:9)]
cc1<-cc(X,Y)
cc1$cor
## [1] <mark>0.8569934</mark> 0.0643432
cc1$xcoef
##
                         [,2]
               [,1]
## height -0.21512580 -1.8238702
## bodyfat 0.62126111 -1.2851064
## waist
        -0.03195211 1.0416809
cc1$ycoef
           [,1]
##
                     [,2]
## grip_D -0.5566548 -3.002159
## grip_ND -0.4572872 3.018893
```

```
U1<-cc1$scores$xscores[,1]
V1<-cc1$scores$yscores[,1]
ggplot(data.frame(U1,V1)),aes(U1,V1))+geom_point()</pre>
```



다음은, 체격 특징과 악력의 관계를 알아보기 위해, 체격 변수 집단을 X, 악력 변수 집단을 Y로 설정하여 정준상관분석을 진행하였다. 분석 결과, 첫번째 정준상관계수는 0.856 으로 상관성이 높게 나온다. 각 정준변수의 의미를 살펴보자. 첫번째 정준변수를 U1 이라 하면, U1 은 키, 몸무게, BMI 대비 체지방률이라고 해석할 수 있고, V1 은 전체적인 악력의 약한 정도로 해석할 수 있다. U1, V1 이 0.86%의 상관계수를 가지므로 체격 대비 체지방이 많을수록 악력이 약해지는 관계가 존재한다고 해석할 수 있다. 앞서 신체적 변수 집단과 체력의 관계와 비교했을 때, 허리둘레가 악력에 큰 영향을 미치지는 않는 것을 발견할 수 있다.

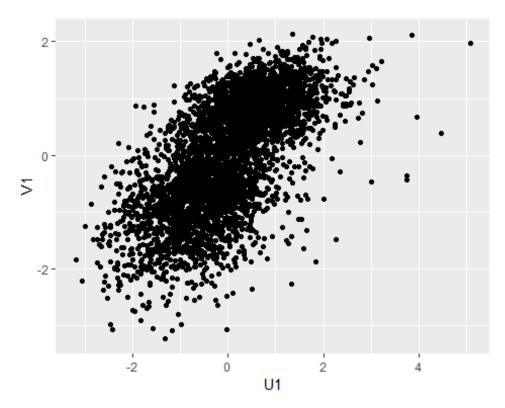
첫번째 정준상관변수 쌍을 그래프로 확인한 결과, 마찬가지로 양의 선형관계를 가진다.

3) 체력과 악력의 연관성

```
X<-data.std[,c(7,11,13)]
Y<-data.std[,c(8:9)]

cc1<-cc(X,Y)
cc1$cor
## [1] 0.66761212 0.00861644

cc1$xcoef</pre>
```



마지막으로, 체력과 악력의 관계를 알아보기 위해, 체력 변수 집단을 X, 악력 변수 집단을 Y로 설정하여 정준상관분석을 진행하였다. 분석 결과, 첫번째 정준상관계수는 0.668로 지금까지의 결과에서는 가장 낮은 상관성을 보인다. 각 정준변수의 의미를 살펴보자. 첫번째 정준변수를 U1 이라 하면, U1 은 전체적인 체력의 좋지 않은 정도, V1 은 전체적인 악력의 약한 정도로 해석할수 있다. 즉, 체력과 악력이 0.668정도로 비례하는 것이다. 뚜렷한 선형관계는 아니지만, 어느정도 상관성을 가지는 것으로 해석할 수 있다.

첫번째 정준상관변수 쌍을 그래프로 확인한 결과, 약간 뭉쳐져 있는 양의 선형관계를 확인할 수 있다.

4. 결론

여러가지 다변량 분석 방법으로 국민체력실태조사 데이터를 분석한 결과, 성별별, 연령대별, 지역별 차이를 볼 수 있었다.

먼저, 성별별 차이를 가장 뚜렷하게 볼 수 있었는데, 판별분석과 전체 데이터를 2개로 나눈 k-means 방법에 의해 성별에 따라 데이터가 2개로 나뉘는 것을 확인할 수 있었다. 또한, 주성분분석에서도 성별에 따른 신체적 차이에 의해 주성분에 영향을 주는 변수 차이가 있었다.

연령대별 차이는 판별분석과 군집화를 통해 볼 수 있었는데, 판별분석에서는 연령대의 차이가 클수록 확연히 데이터가 분류되는 것을 확인할 수 있었다. 또한, 군집화 결과를 보면 연령의 흐름에 따른 거리 차이가 존재하며 40대 중반을 기점으로 완벽히 나눠진다 성별별 데이터와 같이 주성분이 명확하게 다르지는 않았으나, 연령 차이가 가장 큰 그룹에 관해서는 어느정도 차이를 가지고 있었다.

지역별 차이 또한 관찰할 수 있었는데, 특히 몸무게, BMI, 허리둘레 – 즉 비만도에 있어서 차이가 났다. 관련 주성분을 응용한 결과 대전과 세종 지역이 가장 비만도가 낮은 것으로 나타났다. 체격, 체력, 악력 변수에 대한 연관성 또한 존재하였다. 셋 중 체격과 악력의 관련성이 가장 높았으며, 세 변수 집단 모두 서로 연관되어 있음을 확인할 수 있었다.

대부분 예상한 결과를 확인할 수 있었으며, 지역별 차이의 경우 표본 수가 고르지 않은 점, 관련 정보가 부족한 점으로 인해 결과에 대한 이해를 완벽히 하기 어려웠다. 지역별 분석을 위해서는 지역적 특성에 대한 이해와 함께 충분하고 고른 표본이 필요하다.