

베이시안통계학 과제10 solution

Spring 2022

문제 13-1. (20점)

- $\hat{\beta}_0 = 29.107, \hat{\beta}_1 = 13.637, se(\hat{\beta}_0) = 15.969, se(\hat{\beta}_1) = 3.149, \hat{\sigma}^2 = 847.19$. (5점, 적절하게 구하지 않은 경우 부분점수 2점 부여)
- $\pi(\boldsymbol{\beta}|\sigma^2, \mathbf{y}) \sim N(\boldsymbol{\mu}_{\boldsymbol{\beta}}, \boldsymbol{\Sigma}_{\boldsymbol{\beta}})$, 여기서 $\boldsymbol{\Sigma}_{\boldsymbol{\beta}} = \left(\frac{1}{\sigma^2} \mathbf{X} \mathbf{X}^T\right)^{-1}$ 이고 $\boldsymbol{\mu}_{\boldsymbol{\beta}} = \boldsymbol{\Sigma}_{\boldsymbol{\beta}} \left(\frac{1}{\sigma^2} \mathbf{X}^T \mathbf{y}\right)$. 그리고 $\pi(\sigma^2|\boldsymbol{\beta}, \mathbf{y}) \sim IG\left(\frac{n}{2}, \frac{1}{2} SSR(\boldsymbol{\beta})\right)$. (5점)
- 깃스 표본기법을 사용하여 추정치를 구하고 최소제곱 추정치와 적절히 비교. (5점)
- 사후밀도와 95% HPD구간을 그림으로 나타냄. (5점)

(1) 최소제곱 추정치를 다음과 같이 구한다.

```
library(dplyr)

##
## 다음의 패키지를 부착합니다: 'dplyr'

## The following objects are masked from 'package:stats':
##
##   filter, lag

## The following objects are masked from 'package:base':
##
##   intersect, setdiff, setequal, union

data = matrix(scan("http://home.ewha.ac.kr/~msoh/Bayesianbook/car.txt"),
              nrow = 14, ncol = 2, byrow = T) %>% data.frame

names(data) = c("X", "Y")

lm_fit = lm(Y ~ X, data)
summary(lm_fit)

##
## Call:
## lm(formula = Y ~ X, data = data)
##
## Residuals:
```

```
##      Min      1Q  Median      3Q      Max
## -33.204 -20.383  -4.748  13.957  61.433
##
## Coefficients:
##              Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
## (Intercept)   29.107     15.969   1.823 0.093341 .
## X             13.637       3.149   4.330 0.000978 ***
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## Residual standard error: 29.11 on 12 degrees of freedom
## Multiple R-squared:  0.6098, Adjusted R-squared:  0.5773
## F-statistic: 18.75 on 1 and 12 DF,  p-value: 0.0009779
```

```
sum(lm_fit$residuals^2)/12 # sigma2 추정값
```

```
## [1] 847.1876
```

최소제곱법 결과로부터 β_0 의 추정값과 표준오차는 29.107, 15.969이고 β_1 의 추정값과 표준오차는 13.637, 3.149, 그리고 σ^2 의 lse 추정값은 $\frac{1}{14-2} \sum_{i=1}^{14} (y_i - \hat{y}_i)^2 = 847.19$ 이다.

(2) $\beta = (\beta_0, \beta_1)$ 라 하자. 사전분포를 $\pi(\beta, \sigma^2) = \frac{1}{\sigma^2}$ 으로 가정할 때 β 와 σ^2 의 결합사후밀도함수는 다음과 같다 (식 전개는 강의노트 7, 8p 참고).

$$\begin{aligned}\pi(\beta, \sigma^2 | \mathbf{y}) &\propto f(\mathbf{y} | \beta, \sigma^2) \pi(\beta, \sigma^2) \\ &\propto (\sigma^2)^{-\frac{n}{2}} \exp \left\{ -\frac{1}{2\sigma^2} (\mathbf{y} - X\beta)^T (\mathbf{y} - X\beta) \right\} \frac{1}{\sigma^2} \\ &= (\sigma^2)^{-\frac{n}{2}-1} \exp \left\{ -\frac{1}{2\sigma^2} (\mathbf{y} - X\beta)^T (\mathbf{y} - X\beta) \right\}\end{aligned}$$

그리고 β 와 σ^2 의 완전조건부 사후분포를 구해보자. 먼저 β 의 완전조건부 사후분포는

$$\begin{aligned}\pi(\beta | \sigma^2, \mathbf{y}) &\propto \exp \left\{ -\frac{1}{2\sigma^2} (\mathbf{y} - X\beta)^T (\mathbf{y} - X\beta) \right\} \\ &\propto \exp \left\{ -\frac{1}{2\sigma^2} (\mathbf{y}^T \mathbf{y} - 2\beta^T X^T \mathbf{y} + \beta^T X^T X \beta) \right\} \\ &\propto \exp \left\{ -\frac{1}{2} \left[\beta^T \left(\frac{1}{\sigma^2} X X^T \right) \beta - 2\beta^T \left(\frac{1}{\sigma^2} X^T \mathbf{y} \right) \right] \right\} \\ &\sim N(\mu_\beta, \Sigma_\beta)\end{aligned}$$

를 따르며, 여기서 $\Sigma_\beta = \left(\frac{1}{\sigma^2} X X^T \right)^{-1}$ 이고 $\mu_\beta = \Sigma_\beta \left(\frac{1}{\sigma^2} X^T \mathbf{y} \right)$ 이다.

이어서 σ^2 의 완전조건부 사후분포는

$$\begin{aligned}\pi(\sigma^2 | \beta, \mathbf{y}) &\propto (\sigma^2)^{-\frac{n}{2}-1} \exp \left\{ -\frac{1}{2\sigma^2} (\mathbf{y} - X\beta)^T (\mathbf{y} - X\beta) \right\} \\ &\sim IG\left(\frac{n}{2}, \frac{1}{2} SSR(\beta)\right)\end{aligned}$$

을 따른다.

(3) 깃스표본 알고리즘으로부터 10,000개의 샘플을 추출한다. (강의노트 9p 참고)

```
library(mvtnorm)
library(invgamma)
K = 10000
n = nrow(data)
X = cbind(rep(1, n), data$X)
y = data$Y

# 초기값 설정
sigma2 = 1

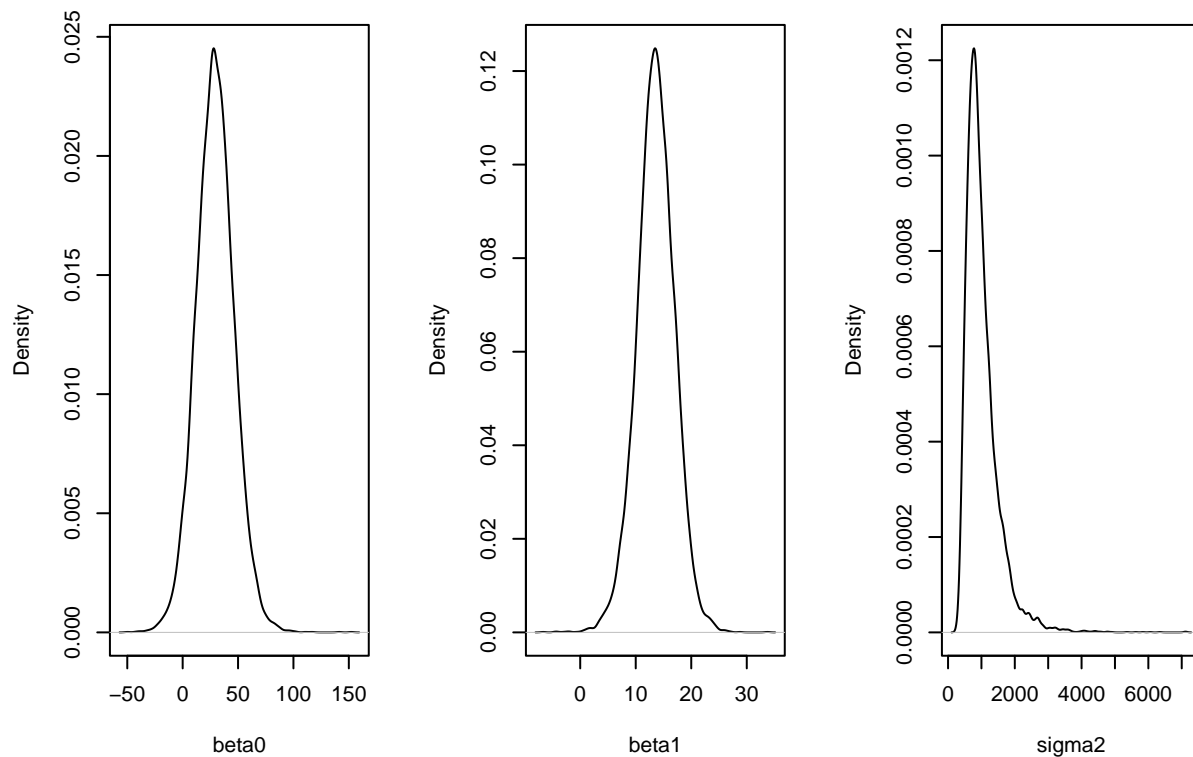
beta = matrix(0, 2, K)
for(k in 1:K){
  # beta의 추출
  Sigma_B = solve( (t(X) %*% X)/sigma2[k] )
  mu_B = Sigma_B %*% ( (t(X) %*% y)/sigma2[k] )

  beta[,k] = t(rmvnorm(1, mu_B, Sigma_B))

  # sigma^2의 추출
  SSR = t(y - X %*% beta[,k]) %*% (y - X %*% beta[,k])
  a = n/2
  b = SSR/2
  sigma2[k+1] = rinvgamma(1, a, b)
}

# burn-in 기간 제외
beta = beta[, -c(1:500)]
sigma2 = sigma2[-c(1:500)]

par(mfrow = c(1, 3))
plot(density(beta[1,]), xlab = "beta0", main = "")
plot(density(beta[2,]), xlab = "beta1", main = "")
plot(density(sigma2), xlab = "sigma2", main = "")
```



```
cat(" beta0 추정치 =", mean(beta[1,]), "표준오차 =", sd(beta[1,])/sqrt(n), '\n',
    "beta1 추정치 =", mean(beta[2,]), "표준오차 =", sd(beta[2,])/sqrt(n), '\n',
    "sigma2 추정치 =", b/(a - 1), "표준오차 =", sqrt(( b^2/(a-1)^2/(a-2) ) / n))
```

```
## beta0 추정치 = 29.33865 표준오차 = 4.619683
## beta1 추정치 = 13.59455 표준오차 = 0.9159843
## sigma2 추정치 = 1175.052 표준오차 = 140.4456
```

최소제곱 방법과 추정치는 비슷하지만 깃스 표본기법에서의 표준오차가 더 작게 나타났다 (σ^2 의 평균과 분산은 역감마분포의 평균과 분산으로 계산하였음.).

- (4) β_1 와 σ^2 의 주변 사후밀도함수와 95% HPD구간은 아래 그림과 같다. β_1 의 사후구간에 0이 포함되지 않아 유의수준 5% 하에서 기울기가 유의함을 알 수 있다.

```
par(mfrow = c(1, 2))
plot(density(beta[2,]), xlab = "beta1", main = "")
abline( v = c(mean(beta[2,]), quantile(beta[2, ], c(0.025, 0.975))), lty = 2, col = c(1, 2, 2) )
plot(density(sigma2), xlab = "sigma2", main = "")
abline( v = quantile(sigma2, c(0.025, 0.975)), lty = 2, col = 2)
```

