#### 두개의 데이터 셋을 합치고 처리하기

### 데이터 참고 사이트

- · our world in data
  - https://ourworldindata.org/covid-vaccinations (https://ourworldindata.org/covid-vaccinations)
- · bloomberg.com
  - https://www.bloomberg.com/graphics/covid-vaccine-tracker-global-distribution/ (https://www.bloomberg.com/graphics/covid-vaccine-tracker-global-distribution/)
- 코로나 19(COVID-19) 실시간 상황판
  - https://coronaboard.kr/ (https://coronaboard.kr/)

```
In [1]:

from IPython.display import display, Image
import os, warnings
import re
warnings.filterwarnings(action='ignore')
```

#### 01 파일 불러오기

```
In [6]:

os.listdir()
```

#### Out[6]:

```
['.git'
 .idea'.
 '.ipynb_checkpoints',
 '01_dataScraping_corona01_today.ipynb',
 '01_dataScraping_corona02.ipynb',
 '01_dataScraping_corona02.py'.
 '02 dataScraping bloomberg.ipynb',
 '02_dataScraping_bloomberg.py',
 '03_corona_vaccine_merge.ipynb',
 '03_corona_vaccine_merge.py',
 '04_analysis_corr.ipynb',
 '05_people_request.ipynb'
 '06_corona_analysis.ipynb',
 '20210921_00_datamerge.csv'
 '20210921_00_datamerge.xlsx',
 '2021_0911_13',
 '2021_0911_13.zip',
 '2021_0920_00'
 'chromedriver_91.exe',
 'data',
 'html_pdf',
 'project01_01',
 'README.md',
 'WEB_sel_project11_naverNews_corona_0731.ipynb']
```

```
In [9]:
                                                                                                  H
path = os.getcwd() + '\data'
In [10]:
                                                                                                  H
for dirname, _, filenames in os.walk(path):
    for filename in filenames:
        print(os.path.join(dirname, filename))
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-08-07_corona.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-08-07_corona.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-09-19_corona.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-09-19_corona.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-09-20_corona.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-09-20_corona.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-09-28_corona.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\2021-09-28_corona.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210808_16datamerge.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210808_16datamerge.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210808_16_today_corona.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210808_16_today_corona.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210808_16_vaccine_bloomberg.cs
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210808_16_vaccine_bloomberg.xl
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210920_00_vaccine_bloomberg.cs
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210920_00_vaccine_bloomberg.xl
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210921_00_datamerge.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210921_00_datamerge.xlsx
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210929_00_vaccine_bloomberg.cs
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210929_00_vaccine_bloomberg.xl
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\country.csv
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\country.xlsx
In [11]:
                                                                                                  H
import pandas as pd
# excel 데이터 셋도 pd.read_excel로 가져올 수 있음.
corona = pd.read_csv("./data/2021-09-28_corona.csv")
vaccine = pd.read_csv("./data/20210929_00_vaccine_bloomberg.csv")
country_code = pd.read_excel("./data/country.xlsx")
corona.shape, vaccine.shape, country_code.shape
Out[11]:
```

((222, 12), (207, 6), (227, 4))

In [12]: ▶

확진자\_

합계

인구수

확진자1

사망자 사망자

1일

합계

완치합?

H

corona.head()

위중증

완치 (%)

발생률

### Out[12]:

0	미 국 US	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	33394833.	
1	인 도 IN	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	32976760.	
2	브 라 질 BR	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	20361191.	
3	영 국 B	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	6219111.	
4	러 시 아 RU	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	6635485.	

vaccine.head()

### Out[13]:

In [13]:

	국가	백신접종수	Enough_for_percent_of_people:	1차접종	2차접종	일별접종수
0	Global Total	6.172363e+09	-999.0	-999.0	-999.0	31740868.0
1	Mainland China	2.200202e+09	78.6	78.6	73.0	3223429.0
2	India	8.705669e+08	31.8	46.2	16.4	7488509.0
3	EU	5.629421e+08	63.4	67.2	64.6	999304.0
4	U.S.	3.901143e+08	60.9	64.3	55.3	716762.0

In [14]: ▶

country\_code.head()

#### Out[14]:

	국문(코로나보드)	영문(블룸버그)	나라	비고_뜻
0	가나	Ghana	NaN	NaN
1	가봉	Gabon	NaN	NaN
2	가이아나	Guyana	NaN	NaN
3	감비아	Gambia	NaN	NaN
4	<b>가득</b> 루프	NaN	프랑스	Guadeloupe

## 코로나에 나라명이 있으면 해당되는 열을 붙여라

In [15]:

corona['국가'].str.extract('([ㄱ-|가-힣]+)')

#### Out[15]:

	0
0	미국
1	인도
2	브라질
3	영국
4	러시아
217	마셜
218	바누아투
219	사모아
220	세인트헬레나
221	미크로네시아

222 rows × 1 columns

In [19]:

```
corona['한글표기'] = corona['국가'].str.extract('([ㄱ-ㅣ가-힣]+)', expand=False) corona.columns
```

#### Out[19]:

```
Index(['국가', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자_합계', '확진자1일', '사망자합계', '완치1일', 'hangul_code', '한글표기'], dtype='object')
```

In [20]: ▶

```
col = ['국가', '한글표기', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자_합계', '확진자1일', '사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일']

new_corona = corona[col].copy()

new_corona
```

#### Out[20]:

	국 가	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	
0	미 국 us	미 국	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	3(
1	인 도 IN	인 도	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	32
2	브 라 질 BR	브 라 질	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	21
3	영 국 B	영 국	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	
4	러 시 아 RU	러 시 아	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	(
217	마 셜 제 도 MH	마 셜	NaN	-	100.0	68	59190	4	NaN	0	NaN	
218	바 누 아 투 V	바 누 아 투	NaN	25	75.0	13	307145	4	NaN	1	NaN	
219	사 모 아 ws	사 모 아	NaN	-	100.0	15	198414	3	NaN	0	NaN	
220	세 인 트 헬 내 SH	세 인 트 헬 나	NaN	-	100.0	329	6077	2	NaN	0	NaN	

	국 가	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	
221	미 크 네 시 아	미 크 네 시 아	NaN	-	100.0	9	115023	1	NaN	0	NaN	

222 rows × 13 columns

# 두 데이터 셋 연결

In [21]:

new\_corona.head()

### Out[21]:

	국 가	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	완치
0	미 국 us	미 국	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	33394
1	인 도 IN	인 도	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	32976
2	브 라 질 BR	브 라 질	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	20361
3	명 국 B	영 국	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	6219
4	러 시 아 RU	러 시 아	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	6635

In [22]:

country\_code.head()

#### Out[22]:

	국문(코로나보드)	영문(블룸버그)	나라	비고_뜻
0	가나	Ghana	NaN	NaN
1	가봉	Gabon	NaN	NaN
2	가이아나	Guyana	NaN	NaN
3	감비아	Gambia	NaN	NaN
4	과들루프	NaN	프랑스	Guadeloupe

In [23]: ▶

country\_code.columns = ['han\_code', 'eng\_code', 'country', 'etc']
country\_code.head()

### Out[23]:

	han_code	eng_code	country	etc
0	가나	Ghana	NaN	NaN
1	가봉	Gabon	NaN	NaN
2	가이아나	Guyana	NaN	NaN
3	감비아	Gambia	NaN	NaN
4	과들루프	NaN	프랑스	Guadeloupe

In [24]: ▶

```
df_corona = new_corona.merge(country_code, left_on='한글표기', right_on='han_code')

df_corona.head()
```

### Out[24]:

	국 가	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	완치
0	미 국 us	미 국	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	33394
1	인 도 IN	인 도	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	32976
2	브 라 질 BR	브 라 질	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	20361
3	영 구 B	영 국	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	6219
4	러 시 아 RU	러 시 아	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	6635

In [25]: ▶

```
df_corona.drop(['국가', 'han_code', 'country', 'etc'], axis=1, inplace=True) df_corona.head()
```

### Out[25]:

	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	완치합계
(	) 미 국	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	33394833.0
,	인 도	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	32976760.
2	브 2 라 질	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	20361191.
;	9 국	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	6219111.0
	러 I 시 아	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	6635485.

In [26]:

vaccine.head()

### Out[26]:

	국가	백신접종수	Enough_for_percent_of_people:	1차접종	2차접종	일별접종수
0	Global Total	6.172363e+09	-999.0	-999.0	-999.0	31740868.0
1	Mainland China	2.200202e+09	78.6	78.6	73.0	3223429.0
2	India	8.705669e+08	31.8	46.2	16.4	7488509.0
3	EU	5.629421e+08	63.4	67.2	64.6	999304.0
4	U.S.	3.901143e+08	60.9	64.3	55.3	716762.0

In [27]: ▶

df\_corona\_all = df\_corona.merge(vaccine, left\_on='eng\_code', right\_on='국가') df\_corona\_all.head()

### Out[27]:

	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	완치합격
0	미 국	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	33394833.0
1	인 도	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	32976760.
2	브 라 질	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	20361191.
3	영 국	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	6219111.0
4	러 시 아	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	6635485.

In [28]: ▶

df\_corona\_all.drop(['국가'], axis=1, inplace=True) df\_corona\_all

### Out[28]:

	한 글 표 기	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사망자 1일	완치
0	미 국	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	2781.0	333948
1	인 도	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	337.0	329767
2	브 라 질	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	218.0	203611
3	영 국	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	40.0	6219 <sup>.</sup>
4	러 시 아	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	852.0	66354
173	마 카 오	NaN	-	90.0	108	649335	70	3.0	0	NaN	
174	몬 트 세 랫	NaN	3.0	90.9	6611	4992	33	NaN	1	NaN	
175	사 모 아	NaN	-	100.0	15	198414	3	NaN	0	NaN	
176	세 인 트 헬 레 나	NaN	-	100.0	329	6077	2	NaN	0	NaN	
177	미크로네시아	NaN	-	100.0	9	115023	1	NaN	0	NaN	

178 rows × 18 columns

In [29]:

df\_corona\_all.columns

#### Out[29]:

```
Index(['한글표기', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자_합계', '확진자1일', '확진자1일', '사망자합계', '사망자합계', '완치합계', '완치1일', 'eng_code', '백신접종수', 'Enough_for_percent_of_people:', '1차접종', '2차접종', '일별접종수'], dtype='object')
```

In [31]:

```
sel = ['한글표기', 'eng_code', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자_합계', '불
'사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일', '백신접종수',
'Enough_for_percent_of_people:', '1차접종', '2차접종', '일별접종수']
df_corona_all_n = df_corona_all[sel].copy()
df_corona_all_n
```

#### Out[31]:

	한 글 표 기	eng_code	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사!
0	미 국	U.S.	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	27{
1	인 도	India	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	3:
2	브 라 질	Brazil	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	2 <sup>.</sup>
3	영 국	U.K.	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	4
4	러 시 아	Russia	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	8;
173	마 카 오	Macau	NaN	-	90.0	108	649335	70	3.0	0	1
174	몬 트 세 랫	Montserrat	NaN	3.0	90.9	6611	4992	33	NaN	1	1
175	사 모 아	Samoa	NaN	-	100.0	15	198414	3	NaN	0	ı
176	세 인 트 헬 레 나	St. Helena	NaN	-	100.0	329	6077	2	NaN	0	1
177	미 크 네 시 아	Micronesia	NaN	-	100.0	9	115023	1	NaN	0	1

In [32]:

df\_corona\_all\_n.columns

#### Out[32]:

```
Index(['한글표기', 'eng_code', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자_합계', '확진자1일', '사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일', '백신접종수', 'Enough_for_percent_of_people:', '1차접종', '2차접종', '일별접종수'], dtype='object')
```

In [33]:

```
df_corona_all_n.columns = ['국가명', 'eng_code', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자1일', '사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일','백신접종', '접종가능률(인구)', '접종비율(일간)']
df_corona_all_n
```

#### Out[33]:

	국 가 명	eng_code	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사!
0	미 국	U.S.	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	278
1	인 도	India	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	3:
2	브 라 질	Brazil	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	2 <sup>.</sup>
3	영 국	U.K.	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	4
4	러 시 아	Russia	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	8ŧ
173	마 카 오	Macau	NaN	-	90.0	108	649335	70	3.0	0	1
174	몬 트 세 랫	Montserrat	NaN	3.0	90.9	6611	4992	33	NaN	1	1
175	사 모 아	Samoa	NaN	-	100.0	15	198414	3	NaN	0	1
176	세 인 트 헬 레 나	St. Helena	NaN	-	100.0	329	6077	2	NaN	0	1
177	미 크 네 시 아	Micronesia	NaN	-	100.0	9	115023	1	NaN	0	1

In [34]:

df\_corona\_all\_n.sort\_values(['2차접종'], ascending=False)

### Out[34]:

	국 가 명	eng_code	위중 증	치명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자 1일	사망 자합 계	사망 자1 일	완치 <sup>:</sup>
161	지 브 롤 터	Gibraltar	2	1.8	97.1	164198	33691	5532	15.0	97	NaN	53
110	몰 디 브	Maldives	23	0.3	97.9	156294	540544	84484	122.0	231	NaN	826 <sup>°</sup>
33	포 르 투 갈	Portugal	74\n- 5	1.7	95.5	104718	10196709	1067775	600.0	17962	7.0	10192
81	카 타 르	Qatar	16	0.3	99.2	82082	2881053	236482	94.0	605	NaN	2345
108	싱 가 포 르	Singapore	27\n- 3	0.1	84.0	15305	5850342	89539	1647.0	80	2.0	751 <sup>°</sup>
129	베 냉	Benin	5	0.7	75.3	1894	12123200	22958	NaN	154	NaN	172
149	남 수 단	South Sudan	4	1.1	96.8	1068	11193725	11954	6.0	128	NaN	115 <sup>-</sup>
153	예 멘	Yemen	23	18.9	62.0	301	29825964	8988	NaN	1703	NaN	55 <sup>°</sup>
116	콩고민주공화국	DR Congo	NaN	1.9	54.3	635	89561403	56862	245.0	1084	1.0	308
177	미 크 로 네 사 아	Micronesia	NaN	-	100.0	9	115023	1	NaN	0	NaN	

178 rows × 18 columns

In [35]: ▶

df\_corona\_all\_n.info()

<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
Int64Index: 178 entries, 0 to 177
Data columns (total 18 columns):

#	Column	Non-Null Count	Dtype 
0	국가명	178 non-null	object
1		178 non-null	
2	위중증	131 non-null	object
3	치명(%)	178 non-null	object
4	완치(%)	175 non-null	float64
5	발생률	178 non-null	object
6	인구수	178 non-null	object
7	확진자_합계	l 178 non-nul	l int64
8	확진자1일	151 non-null	float64
9	사망자합계	178 non-nul	l int64
10	사망자1일	121 non-null	float64
11	완치합계	175 non-null	float64
12	완치1일	133 non-null	float64
13	백신접종	178 non-null	float64
14	접종가능률(	(인구) 178 non-n	ull float64
15	1차접종	178 non-null	float64
16	2차접종	178 non-null	float64
17	접종비율(일	!간) 178 non-nu	ıll float64
dtype	es: float640	(10), int64(2), d	bject(6)

memory usage: 26.4+ KB

In [36]:

```
df_corona_all_n['발생률'] = df_corona_all_n['발생률'].astype(int)
df_corona_all_n.info()
```

```
<class 'pandas.core.frame.DataFrame'>
Int64Index: 178 entries, 0 to 177
Data columns (total 18 columns):
#
    Column
               Non-Null Count Dtype
    국가명
0
                  178 non-null
                                object
               178 non-null
1
    eng_code
                             object
2
    위중증
                 131 non-null
                                object
3
    치명(%)
                 178 non-null
                                object
4
    완치(%)
                 175 non-null
                                float64
5
    발생률
                 178 non-null
                                int32
6
    인구수
                 178 non-null
                                object
7
    확진자_합계
                   178 non-null
                                  int64
8
    확진자1일
                  151 non-null
                                 float64
9
    사망자합계
                   178 non-null
                                  int64
    사망자1일
 10
                  121 non-null
                                 float64
    완치합계
 11
                  175 non-null
                                 float64
    완치1일
                  133 non-null
 12
                                 float64
    백신접종
 13
                  178 non-null
                                 float64
 14
    접종가능률(인구) 178 non-null
                                    float64
 15
    1차접종
                  178 non-null
                                 float64
 16 2차접종
                  178 non-null
                                 float64
    접종비율(일간)
                   178 non-null
                                   float64
dtypes: float64(10), int32(1), int64(2), object(5)
```

memory usage: 25.7+ KB

In [37]: ▶

df\_corona\_all\_n['발생률\_순위'] = df\_corona\_all\_n['발생률'].rank(ascending=False) # ascending=False df\_corona\_all\_n['접종률\_순위'] = df\_corona\_all\_n['접종가능률(인구)'].rank(ascending=False) # ascend df\_corona\_all\_n

#### Out[37]:

	국 가 명	eng_code	위중증	치 명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자_ 합계	확진자1 일	사망자 합계	사
0	미 국	U.S.	21819\n- 275	1.6	76.0	132772	331002651	43942335	187382.0	709119	278
1	인 도	India	8944	1.3	97.8	24431	1380004385	33714241	21093.0	447699	3:
2	브 라 질	Brazil	8318	2.8	95.3	100520	212559417	21366395	14423.0	594702	2 <sup>.</sup>
3	영 국	U.K.	878\n-38	1.8	80.7	113959	67886011	7701715	37485.0	136208	4
4	러 시 아	Russia	2300	2.8	88.9	51151	145934462	7464708	21559.0	205531	8ŧ
173	마 카 오	Macau	NaN	-	90.0	108	649335	70	3.0	0	1
174	몬 트 세 랫	Montserrat	NaN	3.0	90.9	6611	4992	33	NaN	1	1
175	사 모 아	Samoa	NaN	-	100.0	15	198414	3	NaN	0	1
176	세 인 트 헬 레 나	St. Helena	NaN	-	100.0	329	6077	2	NaN	0	1
177	미 크 네 시 아	Micronesia	NaN	-	100.0	9	115023	1	NaN	0	1

178 rows × 20 columns

df\_corona\_all\_n.sort\_values(['접종률\_순위'], ascending=True)

### Out[38]:

	국 가 명	eng_code	위중증	치명 (%)	완치 (%)	발생률	인구수	확진자 _합계	확진자 1일	사망 자합 계	사망 자1 일	완치합
161	지 브 롤 터	Gibraltar	2	1.8	97.1	164198	33691	5532	15.0	97	NaN	537
110	몰 디 브	Maldives	23	0.3	97.9	156294	540544	84484	122.0	231	NaN	8267
44	아 랍에 미 레 이 트	UAE	NaN	0.3	99.0	74361	9890402	735457	277.0	2094	NaN	72784
171	그 린 란 드	Greenland	2	-	70.4	9952	56770	565	NaN	0	NaN	39
37	쿠 바	Cuba	406\n+20	0.8	95.4	76528	11326616	866808	6009.0	7330	51.0	82672
	 부											
145	· 르 키 나 파 소	Burkina Faso	NaN	1.3	97.6	679	20903273	14199	27.0	181	1.0	1385
153	예 멘	Yemen	23	18.9	62.0	301	29825964	8988	NaN	1703	NaN	557
149	남 수 단	South Sudan	4	1.1	96.8	1068	11193725	11954	6.0	128	NaN	1157
164	차 드	Chad	NaN	3.5	96.4	306	16425864	5034	2.0	174	NaN	485
116	콩 고 민 주 공 화 국	DR Congo	NaN	1.9	54.3	635	89561403	56862	245.0	1084	1.0	3085

In [39]:

df\_corona\_all\_n.columns

#### Out[39]:

```
Index(['국가명', 'eng_code', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '발생률', '인구수', '확진자_합계', '확진자1일', '사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일', '백신접종', '접종가능률(인구)', '1차접종', '2차접종', '접종비율(일간)', '발생률_순위', '접종률_순위'], dtype='object')
```

In [46]:

```
sel = [ '국가명', 'eng_code', '발생률', '인구수', '백신접종', '접종가능률(인구)', '발생률_순위', '접종률_순위', '1차접종', '2차접종', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '확진자_합계', '확진자1일', '전종비율(일간)']

df_corona_all_n = df_corona_all_n[sel]
df_corona_all_n
```

#### Out [46]:

	국 가 명	eng_code	발생률	인구수	백신접종	접종 가능 률 (인 구)	발생 률_순 위	접종 률_순 위	1차 접종	2차접 종	위중증
0	미 국	U.S.	132772	331002651	390114340.0	60.9	13.0	47.5	64.3	55.3	21819\n 27
1	인 도	India	24431	1380004385	870566900.0	31.8	103.0	95.0	46.2	16.4	8944
2	브 라 질	Brazil	100520	212559417	232250880.0	56.3	29.0	61.5	71.1	41.4	8318
3	영 국	U.K.	113959	67886011	93500856.0	70.0	20.0	26.0	73.0	67.0	878\n-3{
4	러 시 아	Russia	51151	145934462	89682024.0	30.6	77.0	99.5	32.4	28.4	2300
173	마 카 오	Macau	108	649335	649564.0	47.8	175.0	73.0	51.2	44.6	NaN
174	몬 트 세 랫	Montserrat	6611	4992	2871.0	28.7	128.0	103.0	29.7	27.8	NaN
175	사 모 아	Samoa	15	198414	149431.0	37.2	177.0	86.0	49.3	25.0	NaN
176	세 인 트 헬 레 나	St. Helena	329	6077	7892.0	65.8	171.0	35.0	72.7	58.9	Nal
177	미크로네시아	Micronesia	9	115023	72085.0	34.7	178.0	90.0	41.6	-999.0	Nal

In [47]:

df\_corona\_all\_n.sort\_values(['발생률\_순위'])

### Out[47]:

	국 가 명	eng_code	발생률	인구수	백신접종	접종 가능 률(인 구)	발생 률_순 위	접종 률_순 위	1차 접종	2차접 종	위
131	세 이 셸	Seychelles	217058	98347	1.484020e+05	77.3	1.0	14.0	80.5	74.1	Nε
96	몬 테 네 로	Montenegro	207781	628066	4.504510e+05	36.2	2.0	87.0	38.3	33.6	Nε
141	안 도 라	Andorra	196583	77265	9.343000e+04	60.7	3.0	49.0	67.0	54.3	
161	지 브 롤 터	Gibraltar	164198	33691	7.950200e+04	116.9	4.0	1.0	117.4	116.4	
78	바 레 인	Bahrain	161543	1701575	2.561756e+06	86.3	5.0	7.0	78.4	74.9	4\n∙
					•••						
159	니 제 르	Niger	247	24206644	6.218530e+05	1.3	174.0	168.0	1.7	0.4	Nŧ
173	마 카 오	Macau	108	649335	6.495640e+05	47.8	175.0	73.0	51.2	44.6	Na
107	중 국	Mainland China	67	1439323776	2.200202e+09	78.6	176.0	12.0	78.6	73.0	Nŧ
175	사 모 아	Samoa	15	198414	1.494310e+05	37.2	177.0	86.0	49.3	25.0	Nε
177	미크로 네시아	Micronesia	9	115023	7.208500e+04	34.7	178.0	90.0	41.6	-999.0	Nε

178 rows × 20 columns

## 인구당 확진자 비율

In [48]: ▶

df\_corona\_all\_n['확진자비율(인구)'] = df\_corona\_all\_n['확진자\_합계'].astype(int)/df\_corona\_all\_n['인df\_corona\_all\_n

### Out[48]:

	국 가 명	eng_code	발생률	인구수	백신접종	접종 가능 률 (인 구)	발생 률_순 위	접종 률_순 위	1차 접종	2차접 종	 치 명 (%)
0	미 국	U.S.	132772	331002651	390114340.0	60.9	13.0	47.5	64.3	55.3	 1.6
1	인 도	India	24431	1380004385	870566900.0	31.8	103.0	95.0	46.2	16.4	 1.3
2	브 라 질	Brazil	100520	212559417	232250880.0	56.3	29.0	61.5	71.1	41.4	 2.8
3	영 국	U.K.	113959	67886011	93500856.0	70.0	20.0	26.0	73.0	67.0	 1.8
4	러 시 아	Russia	51151	145934462	89682024.0	30.6	77.0	99.5	32.4	28.4	 2.8
173	마 카 오	Macau	108	649335	649564.0	47.8	175.0	73.0	51.2	44.6	 -
174	몬 트 세 랫	Montserrat	6611	4992	2871.0	28.7	128.0	103.0	29.7	27.8	 3.0
175	사 모 아	Samoa	15	198414	149431.0	37.2	177.0	86.0	49.3	25.0	 -
176	세 인 트 헬 레 나	St. Helena	329	6077	7892.0	65.8	171.0	35.0	72.7	58.9	 -
177	미 크 로 네 사 아	Micronesia	9	115023	72085.0	34.7	178.0	90.0	41.6	-999.0	 -

178 rows × 21 columns

In [49]: H

df\_corona\_all\_n.columns

#### Out [49]:

Index(['국가명', 'eng\_code', '발생률', '인구수', '백신접종', '접종가능률(인구)', '발 생률\_순위',

'접종률\_순위', '1차접종', '2차접종', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '확진자\_

합계', '확진자1일', '사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일', '접종비율(일간)', '확진자비 율(인구)'],

dtype='object')

In [51]: ▶

sel = ['국가명', 'eng\_code', '발생률', '인구수', '확진자\_합계', '백신접종', '접종가능률(인구)', '발성 '확진자비율(인구)', '1차접종', '2차접종', '위중증', '치명(%)', '완치(%)', '확진자1일', '사망 '사망자1일', '완치합계', '완치1일', '접종비율(일간)']
df\_corona\_all\_n = df\_corona\_all\_n[sel]
df\_corona\_all\_n

#### Out [51]:

	국 가 명	eng_code	발생률	인구수	확진자_ 합계	백신접종	접종 가능 률 (인 구)	발생 률_순 위	접종 률_순 위	확진자비 율(인구)
0	미 국	U.S.	132772	331002651	43942335	390114340.0	60.9	13.0	47.5	0.132755
1	인 도	India	24431	1380004385	33714241	870566900.0	31.8	103.0	95.0	0.024431
2	브 라 질	Brazil	100520	212559417	21366395	232250880.0	56.3	29.0	61.5	0.100520
3	영 국	U.K.	113959	67886011	7701715	93500856.0	70.0	20.0	26.0	0.113451
4	러 시 아	Russia	51151	145934462	7464708	89682024.0	30.6	77.0	99.5	0.051151
						•••				
173	마 카 오	Macau	108	649335	70	649564.0	47.8	175.0	73.0	0.000108
174	몬 트 세 랫	Montserrat	6611	4992	33	2871.0	28.7	128.0	103.0	0.006611
175	사 모 아	Samoa	15	198414	3	149431.0	37.2	177.0	86.0	0.000015
176	세 인 트 헬 레 나	St. Helena	329	6077	2	7892.0	65.8	171.0	35.0	0.000329
177	미 크 로 네 시 아	Micronesia	9	115023	1	72085.0	34.7	178.0	90.0	0.00009

```
In [52]:
                                                                                                H
from datetime import datetime
import os
now = datetime.now()
file_make_time = "%04d%02d%02d_%02d" % (now.year, now.month, now.day, now.hour)
print( file_make_time )
path_dir = os.getcwd() + "\data\\"
path_file = path_dir + file_make_time
print( path_dir, path_file, sep="₩n" )
20210929_01
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\
C:\Users\toto\Documents\Github\corona_analysis\data\20210929_01
In [53]:
                                                                                                H
df_corona_all_n.to_csv(path_file + "_datamerge.csv", index=False)
df_corona_all_n.to_excel(path_file + "_datamerge.xlsx", index=False)
In [54]:
                                                                                                M
import seaborn as sns
백신 접종률과 인구당 확진자 비율의 상관관계
In [64]:
                                                                                                H
from matplotlib import font_manager, rc
import matplotlib.pyplot as plt
import platform
import matplotlib
In [65]:
                                                                                                Н
path = "C:/Windows/Fonts/malgun.ttf"
if platform.system() == "Windows":
    font_name = font_manager.FontProperties(fname=path).get_name()
    rc('font', family=font_name)
elif platform.system()=="Darwin":
    rc('font', family='AppleGothic')
else:
   print("Unknown System")
matplotlib.rcParams['axes.unicode_minus'] = False
```

In [66]:

df\_corona\_all\_n.columns

#### Out [66]:

Index(['국가명', 'eng\_code', '발생률', '인구수', '확진자\_합계', '백신접종', '접종가능률(인구)',

'발생률\_순위', '접종률\_순위', '확진자비율(인구)', '1차접종', '2차접종', '위중증', '치명(%)',

'완치(%)', '확진자1일', '사망자합계', '사망자1일', '완치합계', '완치1일', '접종비율(일간)'],

dtype='object')

In [67]:

df\_corona\_all\_n.head()

#### Out [67]:

	국 가 명	eng_code	발생률	인구수	확진자_ 합계	백신접종	접종 가능 률 (인 구)	발생 률_순 위	접종 률_ 순위	확진자비 율(인구)	
0	미 국	U.S.	132772	331002651	43942335	390114340.0	60.9	13.0	47.5	0.132755	
1	인 도	India	24431	1380004385	33714241	870566900.0	31.8	103.0	95.0	0.024431	
2	브 라 질	Brazil	100520	212559417	21366395	232250880.0	56.3	29.0	61.5	0.100520	
3	영 국	U.K.	113959	67886011	7701715	93500856.0	70.0	20.0	26.0	0.113451	
4	러 시 아	Russia	51151	145934462	7464708	89682024.0	30.6	77.0	99.5	0.051151	

5 rows × 21 columns

In [69]: ▶

df\_corona\_all\_n['2차접종'].describe()

#### Out [69]:

 count
 178.000000

 mean
 28.207865

 std
 81.895828

 min
 -999.000000

 25%
 8.425000

 50%
 28.300000

 75%
 57.475000

 max
 116.400000

Name: 2차접종, dtype: float64

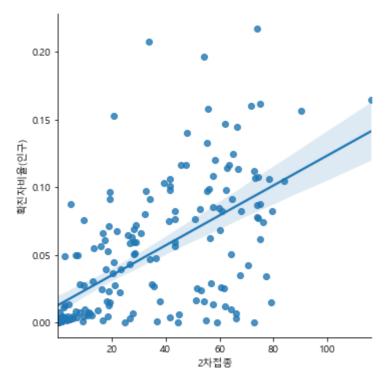
## 확진자 비율과 백신 접종률 상관관계 확인해 보기

```
In [71]:

df_corona_all_n = df_corona_all_n[df_corona_all_n['2차접종'] > 0 ]

In [73]:

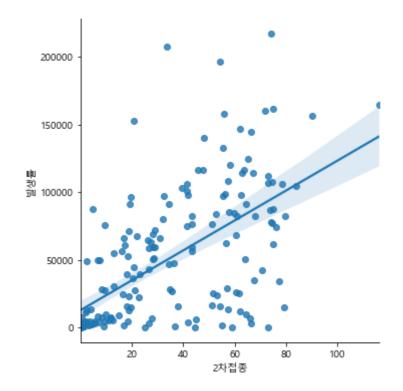
sns.Implot(x='2차접종', y='확진자비율(인구)', data=df_corona_all_n)
plt.show()
```



인구당 확진자 발생 비율과 백신 접종률 상관관계 그래프 그려보기

In [74]: ▶

```
sns.Implot(x='2차접종', y='발생률', data=df_corona_all_n)
plt.show()
```



In [75]: ▶

df\_corona\_all\_n.corr()['2차접종']['발생률']

#### Out [75]:

0.5963209756874164

In [76]: ▶

df\_corona\_all\_n.corr()['2차접종']['확진자비율(인구)']

#### Out [76]:

0.5962873390099418

01 현재까지의 누적된 데이터로 확인 결과 백신 2차 접종률과 인구당 확진지 비율은 양 의 상관관계를 갖는다.

02 현재까지의 누적된 데이터로 확인 결과 백신 2차 접종률과 확진자 발생 비율은 양의 상관관계를 갖는다.

In [ ]: