Check-in

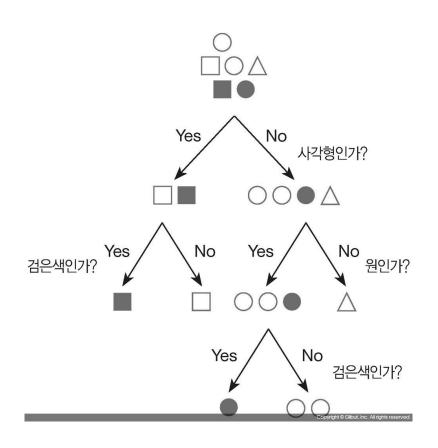
바깥 상황이 어려운데 요즘 어떤 취미를 즐기고 있나요?

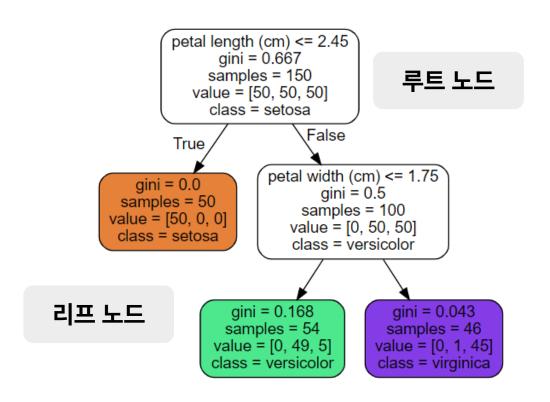
Decision Tree

의사결정나무

의사결정 나무란?

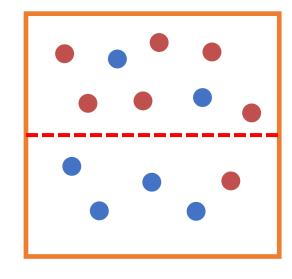
의사결정에 필요한 규칙을 나무 형태로 분류해 나가는 분석기법으로 분류모델과 회귀모델이 존재



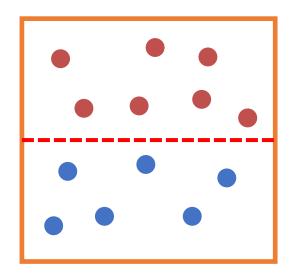


의사결정 나무의 기준

불순도(Impurity) : 하나의 범주 내에서 서로 다른 데이터가 얼마나 섞여있는지를 나타내는 지표



점선을 기준으로 빨간점과 파란점이 완벽하게 분리되지 않음



점선을 기준으로 빨간점과 파란점이 완벽하게 분리됨

의사결정 나무의 기준

- ① 엔트로피(entropy)
- 특정 공간의 무질서도
- 엔트로피의 감소는 불순도의 감소이다.

$$Entropy(A) = -\sum_{k=1}^{m} p_k \log_2{(p_k)}$$

- ② 지니 지수(Gini index)
- 자료의 분산정도를 정량화 한 값
- 지니 지수의 감소는 불순도의 감소이다.

$$G.\,I(A) = \sum_{i=1}^d \left(R_i\left(1 - \sum_{k=1}^m p_{ik}^2\right)\right)$$

```
from sklearn.datasets import load_iris
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier

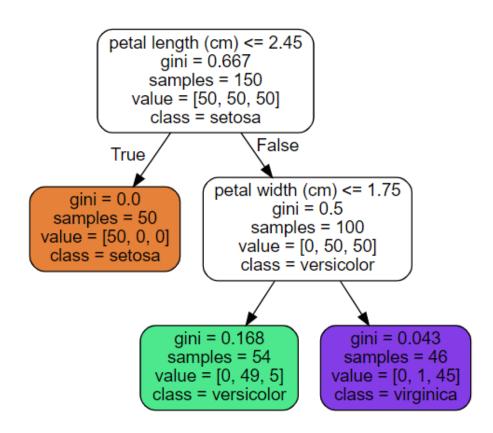
iris = load_iris()
X = iris.data[:, 2:]
y = iris.target
```

```
X:독립변수_ 꽃잎의 길이와 너비
y:종속변수 종이름(범주형)
```

꽃잎의 길이와 너비를 이용하여 종속변수(종이름)를 분류하는 의사결정나무를 생성할 수 있다.

```
tree_clf = DecisionTreeClassifier(max_depth=2)
tree clf.fit(X.v)
DecisionTreeClassifier(class_weight=None, criterion='gini', max_depth=2.
                      max_features=None, max_leaf_nodes=None,
                      min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None,
                      min_samples_leaf=1, min_samples_split=2,
                      min_weight_fraction_leaf=0.0, presort=False,
                      random_state=None, splitter='best')
from sklearn.tree import export_graphviz
from graphviz import Source
export_graphviz(tree_clf.
              out_file= "iris_tree1.dot", # 저작경로 설정
              feature_names=iris.feature_names[2:], # 題今男
              class_names=iris.target_names,
              rounded = True.
              filled = True)
Source.from_file("iris_tree1.dot")
```

```
petal length (cm) <= 2.45
               gini = 0.667
              samples = 150
           value = [50, 50, 50]
              class = setosa
                            False
         True
                      petal width (cm) <= 1.75
   gini = 0.0
                             gini = 0.5
 samples = 50
                           samples = 100
value = [50, 0, 0]
                         value = [0, 50, 50]
 class = setosa
                          class = versicolor
                 gini = 0.168
                                        gini = 0.043
                                       samples = 46
                samples = 54
              value = [0, 49, 5]
                                      value = [0, 1, 45]
              class = versicolor
                                      class = virginica
```



결정트리의 변수 설명

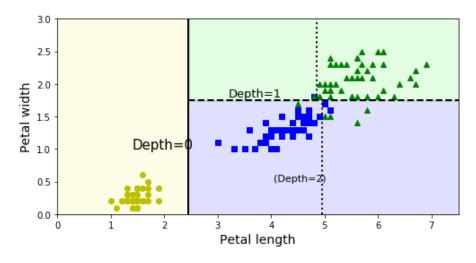
• gini : 불순도

• samples : 해당 노드에 적용된 훈련 샘플의 수

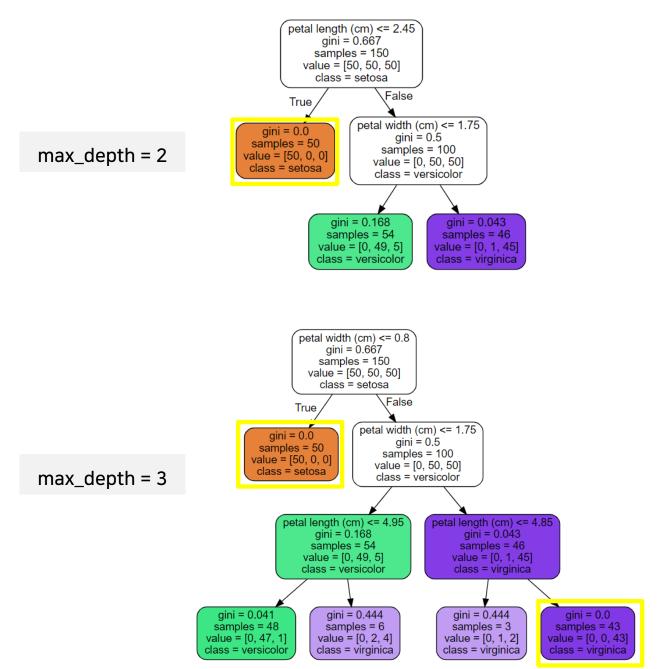
value : 각 클래스에 해당되는 훈련 샘플의 수

class : 해당 노드의 클래스

setosa 클래스 노드는 gini=0이기 때문에 순수한 노드

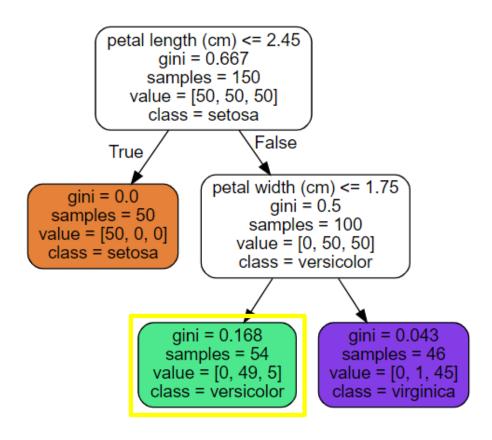


[결정나무의 결정경계]



클래스의 확률 추정

- 1. 샘플이 속할 리프 노드를 찾기 위하여 트리 탐색
 - 2. 해당 노드의 클래스 k 비율을 반환
 - 3. 가장 높은 확률을 가진 클래스를 반환



의사결정 나무의 기준

CART 알고리즘

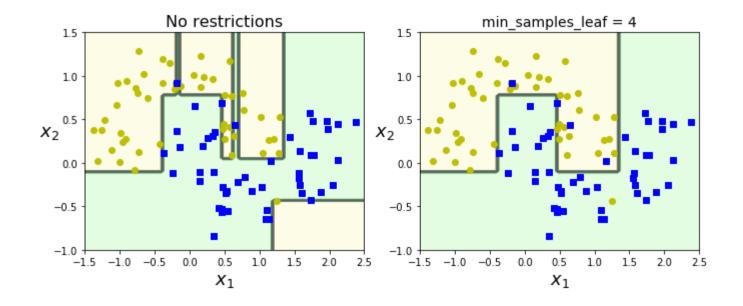
- 하나의 변수k의 임계값 tk를 사용해 가장 순수한(불순도가 낮은) 두 서브셋으로 나눈다.
- 같은 방식으로 서브셋을 또 나누기 위한 변수k와 임계값 tk를 찾는 과정을 반복
- max_depth가 되거나, 불순도를 더이상 줄이는 분할을 찾을 수 없다면 중단

Equation 6-2. CART cost function for classification

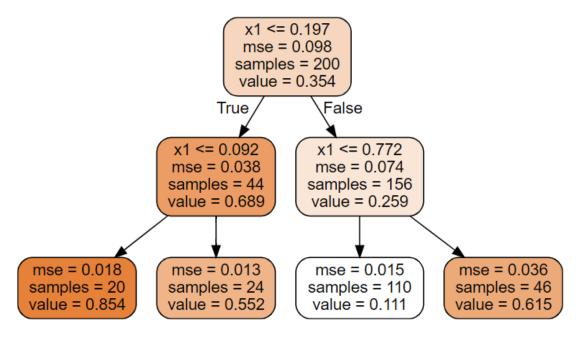
$$J(k, t_k) = \frac{m_{\text{left}}}{m} G_{\text{left}} + \frac{m_{\text{right}}}{m} G_{\text{right}}$$
 where
$$\begin{cases} G_{\text{left/right}} \text{ measures the impurity of the left/right subset,} \\ m_{\text{left/right}} \text{ is the number of instances in the left/right subset.} \end{cases}$$

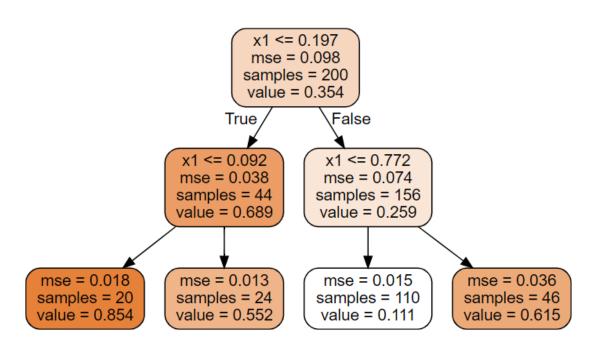
결정트리는 훈련 데이터에 대한 제약 사항이 거의 없음

→ 과대적합 될 위험이 있어 규제 매개변수를 설정하는 것이 좋음



```
: # 2차함수 + noise 추가
  np.random.seed(42)
  m = 200
                            # 0~1사이 난수 생성 (200행1열)
 X = np.random.rand(m, 1)
  y = 4 * (X - 0.5) ** 2
                                # 임의의 2차함수 생성
  y = y + np.random.randn(m. 1) / 10 # 노이즈 추가
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
  tree_reg = DecisionTreeRegressor(max_depth=2)
  tree_reg.fit(X,y)
DecisionTreeRegressor(criterion='mse', max_depth=2, max_features=None,
                      max_leaf_nodes=None, min_impurity_decrease=0.0,
                      min_impurity_split=None, min_samples_leaf=1,
                     min_samples_split=2, min_weight_fraction_leaf=0.0,
                      presort=False, random_state=None, splitter='best')
from sklearn.tree import export_graphviz
  from graphviz import Source
  export_graphviz(tree_reg,
                                                    # 모델
               out_file= "regression.dot",
                                                    # 저장경로 설정
               feature_names=["x1"],
                                                    # 변수명
               rounded = True,
                                                    # 시각화(동근네모)
               filled = True)
                                                    # 시각화(도형채우기)
  Source.from_file("regression.dot")
```





결정트리의 변수 설명

• mse : 평균제곱오차

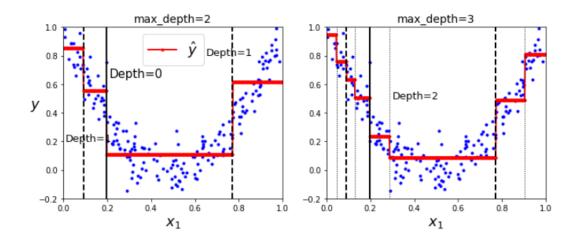
• samples : 노드 범위에 해당하는 샘플의 수

• value : 예측한 값

x1 = 0.6인 샘플의 값을 예측한다면 예측값은 약 0.11

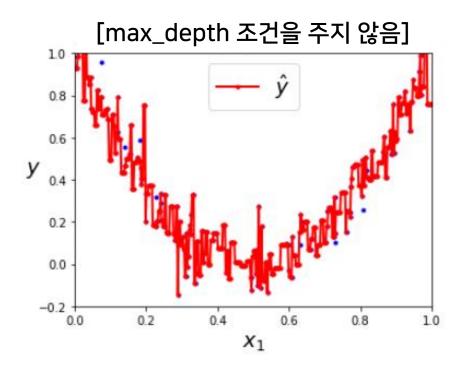
tree_reg.predict([[0.6]])

array([0.11063973])

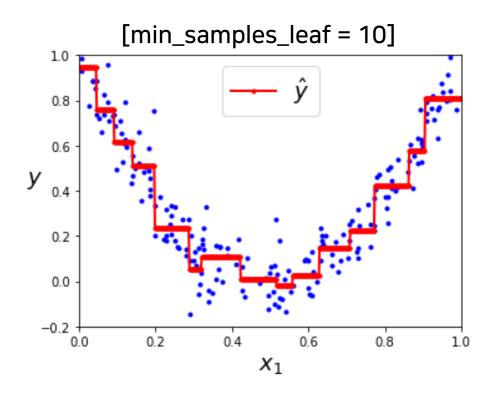


[결정나무의 결정경계]

x1 <= 0.197 mse = 0.098samples = 200 value = 0.354 False True x1 <= 0.092 x1 <= 0.772 mse = 0.038mse = 0.074samples = 156 samples = 44value = 0.689value = 0.259 mse = 0.013mse = 0.036mse = 0.018mse = 0.015samples = 20 samples = 110 samples = 46 samples = 24value = 0.854value = 0.111 value = 0.615 value = 0.552



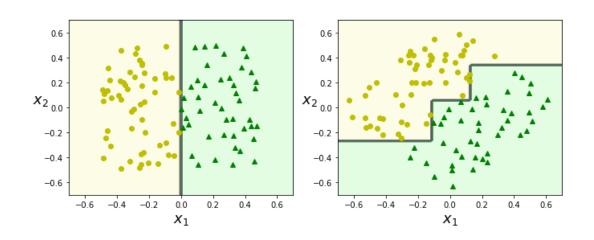
대부분의 데이터와 적합하나 과적합



매개변수를 추가하여 과적합 방지

의사결정 나무의 불안정성

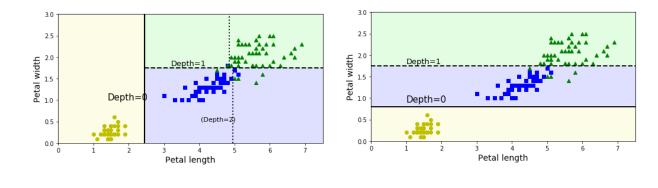
1 rotation forest



선형 결정경계를 가진 데이터셋을 45도 회전(PCA)하면 계단 결정경계를 가진 데이터 셋이 된다.

주성분분석(PCA): 데이터의 분산을 최대한 보존하면서 서로 직교하는 새 기저(축)를 찾아, 고 차원 공간의 표본들을 선형 연관성이 없는 저차원 공간으로 변환하는 기법

② train_data 변화에 민감



훈련 데이터셋 중 가장 넓은 데이터를 가진 versicolor를 제외하면 다른 결과를 반환한다.