# 데이터베이스응용 과제

20210858 정보통계학과 이지윤

# 1차과제

#### - 그래프 데이터베이스 주제 선정 이유

:학교폭력 그래프 데이터베이스 학교폭력에 연관 있는 학생들만 별도로 관리하여 관계를 명확히 파악하기 위함.

#### - 학교폭력 그래프 데이터베이스 소개

- 1. 학교폭력 발생 사건을 정의합니다.
- 2. 발생된 학교폭력 사건과 연관된 학생들에 대하여 정의합니다.
- 3. 연관된 학생들이 어느 선생님께 가르침을 받는지 정의합니다..
- 4. 각 발생 사건에 대해 피해자와 가해자의 관계를 정의합니다.
- 5. 학교폭력 예방센터에서 교육을 받은 학생을 정의합니다.

총 20개의 노드를 가지며, 각 노드들이 다음의 릴레이션을 가지고 있습니다. 아래에 설명하도록 하겠습니다.

노드 총 20개

가해자(Attacker Student) – 6개

피해자(victim\_Student) - 4개

목격자(Witness Student) - 2개

선생님(Teacher) – 3개

학교 폭력 예방 센터(Prevention\_School) - 1개

학교 폭력 발생 사건(Incident) – 4개

#### Relation

피해자 -> 학교폭력사건 (VICTIM\_IN\_INCIDENT)

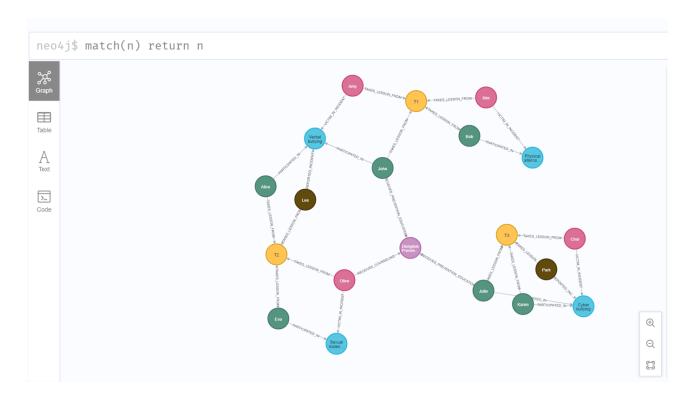
가해자 -> 학교폭력사건 (PARTICIPATED\_IN)

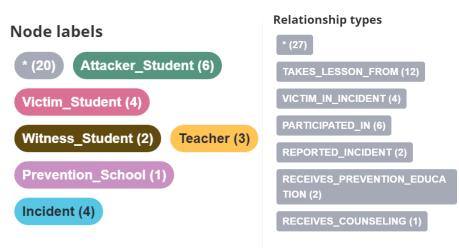
목격자 -> 학교폭력사건 (REPORTED\_INCIDENT)

학생(피해자, 가해자, 목격자) -> 선생님 (TAKES\_LESSON\_FROM)

일부 가해자 -> 학교폭력예방센터 (RECEIVES\_PREVENTION\_EDUCATION)

일부 피해자 -> 학교폭력예방센터 (RECEIVES\_COUNSELING)

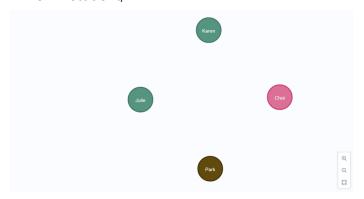




#### - 학교폭력 데이터 베이스 질의 및 수행결과

1. T3 과목의 수업을 듣는 학생 조회

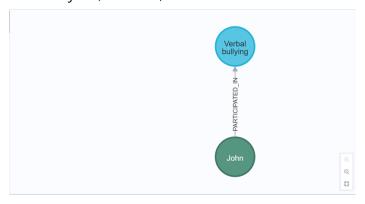
MATCH (student)-[:TAKES\_LESSON\_FROM]->(teacher:Teacher {name: 'T3'})
RETURN student;



2. 가해자 'John'이 참여한 학교폭력 사건 조회

MATCH (john:Attacker\_Student {name: 'John'})-[:PARTICIPATED\_IN]->(incident:Incident)

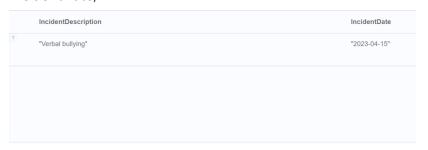
RETURN john, incident;



3. 피해자 'Amy'가 참여한 학교폭력 사건과 날짜 조회

MATCH (amy:Victim\_Student {name: 'Amy'})-[:VICTIM\_IN\_INCIDENT]->(incident:Incident)

RETURN incident.description AS IncidentDescription, incident.date AS IncidentDate;



4. 예방센터에서 예방교육을 받은 학생 목록 조회

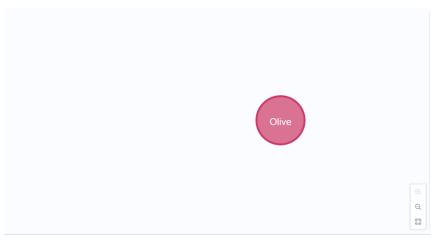
MATCH (student)-[:RECEIVES\_PREVENTION\_EDUCATION]->(:Prevention\_School)

RETURN student.name, student.grade



5. 학교폭력 예방센터에서 심리상담을 받는 학생 조회

MATCH (victim:Victim\_Student)-[:RECEIVES\_COUNSELING]->(:Prevention\_School)
RETURN victim;



6. 2023-04-15 에 발생한 학교폭력 사건 조회

MATCH (incident:Incident)

WHERE incident.date = '2023-04-15'

**RETURN** incident

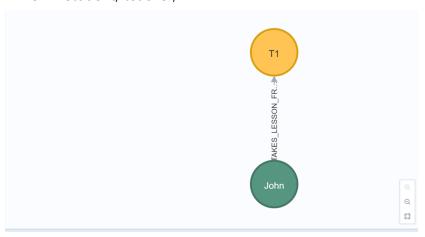


7. 학교폭력 예방센터에서 예방교육을 받은 학생 중 'Math'과목을 가르치는 선생님 께 가르침을 받는 학생 목록 조회

MATCH (student)-[:RECEIVES\_PREVENTION\_EDUCATION]->(:Prevention\_School)

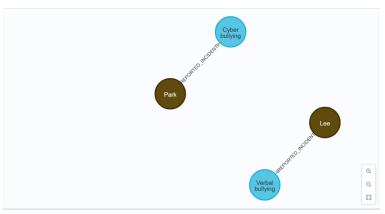
MATCH (student)-[:TAKES\_LESSON\_FROM]->(teacher:Teacher {subject: 'Math'})

RETURN student, teacher;



8. 목격자가 존재하는 사건 조회

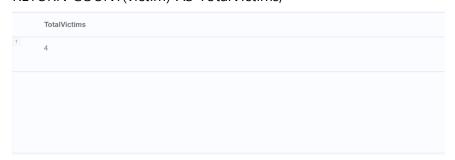
MATCH (incident:Incident) <- [:REPORTED\_INCIDENT] - (witness:Witness\_Student) RETURN incident, witness;



9. 피해 학생의 총 수 조회

MATCH (victim:Victim\_Student)

RETURN COUNT(victim) AS TotalVictims;



# 10. Olive 학생의 grade 조회

MATCH (olive:Victim\_Student {name: 'Olive'})

RETURN olive.grade AS OliveGrade;

	OliveGrade
1	11/211

# 2차과제

# 주제

- 파마 인디언 당뇨병 예측하기

# 데이터

- 샘플수 768
- Feature 8
  - Pregnant: 과거 임신 횟수
  - Plasma: 포도당 부하 검사 2시간 후 공복 혈당 농도
  - Pressure: 확장기 혈압
  - Thickness: 삼두근 피부 주름 두께
  - Insulin: 혈청 인슐린
  - BMI: 체질량지수
  - Pedigree: 당뇨병 가족력
  - Age: 나이
- Class: 당뇨(1), 당뇨아님(0)

#### 딥러닝 모델 구현

#### #구글 코랩 사용할 수 있는 환경 설정하기

```
from google.colab import drive
drive.mount('/content/gdrive')
```

#### #Kears 라이브러리를 사용하여 신경망 모델을 만들기 위한 코드

```
from keras.models import Sequential
from keras import layers
from keras import optimizers
```

#Sequential(): 모델 생성

#Dense(): 층 추가 (3개 이상이면 딥러닝 모델)

마지막으로 출력된 층은 당뇨이다 아니다로 출력됨

```
model = Sequential()
model.add(layers.Dense(units=8, activation='relu'))
model.add(layers.Dense(units=16, activation='relu'))
model.add(layers.Dense(units=32, activation='relu'))
model.add(layers.Dense(units=64, activation='relu'))
model.add(layers.Dense(units=2, activation='softmax'))
```

# loss : 손실(목적)함수 categorical\_crossentropy 지정

#lr: 학습률=0.001 지정

```
model.compile(loss='categorical_crossentropy',
optimizer=optimizers.RMSprop(lr=0.001), metrics=['accuracy'])
```

#### #실행을 위한 코드 추가

```
import numpy as np
import pandas as pd
```

#### #데이터 불러오기

```
data_df = pd.read_csv('/content/gdrive/MyDrive/ = 10 | = 1 = 10 | ^-0-0 | ^-0/dia betes.csv')
```

### #예측 모델을 위한 데이터 분할

```
data_train = data_df.drop(['Outcome'], axis=1, inplace=False)
data_test = data_df
```

# #기본적인 데이터 확인

dat	data_test.head()														
	Pregnancies	Glucose	BloodPressure	SkinThickness	Insulin	BMI	DiabetesPedigreeFunction	Age	Outcome						
C	6	148	72	35	0	33.6	0.627	50							
1		85	66	29	0	26.6	0.351	31	0						
2	8	183	64	0	0	23.3	0.672	32							
3		89	66	23	94	28.1	0.167	21	0						
4	0	137	40	35	168	43.1	2.288	33							

dat	a_train.h	ead()						
	Pregnancies	Glucose	BloodPressure	SkinThickness	Insulin	BMI	DiabetesPedigreeFunction	Age
0	6	148	72	35	0	33.6	0.627	50
1	1	85	66	29	0	26.6	0.351	31
2	8	183	64	0	0	23.3	0.672	32
3	1	89	66	23	94	28.1	0.167	21
4	0	137	40	35	168	43.1	2.288	33

<u> </u>	in.info()														
	<pre><class 'pandas.core.frame.dataframe'=""> RangeIndex: 768 entries, 0 to 767</class></pre>														
Data columns (total 8 columns):															
#	Column	Non-Null Count	Dtype												
0	Pregnancies	768 non-null	int64												
1	Glucose	768 non-null	int64												
2	BloodPressure	768 non-null	int64												
3	SkinThickness	768 non-null	int64												
4	Insulin	768 non-null	int64												
5	BMI	768 non-null	float64												
6	DiabetesPedigreeFunction	768 non-null	float64												
7	Age	768 non-null	int64												
dtype	es: float64(2), int64(6)														
memo	ry usage: 48.1 KB														

#### #데이터 특성 처리

```
from tensorflow.keras.utils import to_categorical
data_train_np = np.zeros([data_train.shape[0], 8])
```

```
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.impute import SimpleImputer
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
```

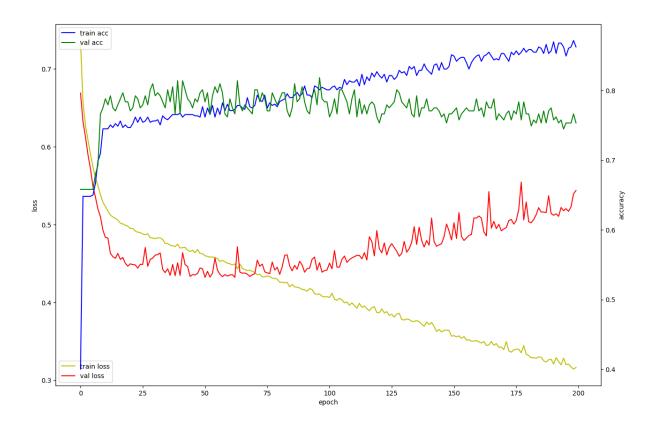
```
# 1. 특성 처리
data train np[:, 0:8] = StandardScaler().fit transform(data train)
# 2. 목표 변수 처리
data_train_np_y = to categorical(data df['Outcome'])
# 결과 확인
print("전처리된 데이터:")
print(data train np)
print("\n 전처리된 목표 변수:")
print(data train np y)
  전처리된 데이터:
  [[ 0.63994726  0.84832379  0.14964075  ...  0.20401277  0.46849198
    1.4259954
   [-0.84488505 -1.12339636 -0.16054575 ... -0.68442195 -0.36506078
   -0.19067191]
   -0.10558415]
   -0.27575966]
   [-0.84488505 0.1597866 -0.47073225 ... -0.24020459 -0.37110101
    1.17073215]
   -0.87137393]]
  전처리된 목표 변수:
  [[0. 1.]
   [1. 0.]
   [0. 1.]
   [1. 0.]
   [0. 1.]
   [1. 0.]]
```

#### #model.fit(): 주어진 모델에 가중치를 조정하여 학습

```
hist = model.fit(data_train_np,data_train_np_y,epochs= 200,
batch size=128, validation split=0.3)
```

#### #loss 는 작을수록 accuracy 는 클수록 좋음

```
#모든 데이터 저장 -> 최종 모델 학습하는 그래프 -> 괜찮은지 보고 그래프 모델 뽑음
#학습 할수록 loss 값이 작아짐
#val loss 갑자기 커지기도 .. 지나친 학습으로 일반화능력 떨어져서 잘 맞추지 못함 -
>해결 : 기계가 얼리스탑핑
import matplotlib.pyplot as plt
def drawHistory(hist):
 fig = plt.figure(figsize=(15,10)) # 10x15 크기의 figure 생성
 loss ax = plt.gca() # figure 의 기본 축 가져오기
 acc ax = loss ax.twinx() # 축을 1 개 더 추가
 #손실 변화 양상을 그래프로 표시
 loss ax.plot(hist.history['loss'], 'y', label='train loss')
 loss ax.plot(hist.history['val loss'], 'r', label='val loss')
 loss ax.set xlabel('epoch')
 loss_ax.set ylabel('loss')
 loss ax.legend(loc='lower left')
 #정확도 변화 양상을 그래프로 표시
 acc ax.plot(hist.history['accuracy'], 'b', label='train acc')
 acc ax.plot(hist.history['val accuracy'], 'g', label='val acc')
 acc ax.set ylabel('accuracy')
 acc ax.legend(loc='upper left')
 plt.show() #그래프를 화면에 그림
drawHistory(hist) #학습 경과를 그래프로 그리는 함수 호출
```



```
# 데이터 전처리
data test np = np.zeros((data test.shape[0], 8))
# 과거 임신 횟수, 포도당 부하 검사 2 시간 후 공복 혈당 농도, 확장기 혈압 정규화
data_test_np[:, 0] = data_test['Pregnancies'] / 17 # 임신 횟수의 최댓값을
17 이라고 가정
data test np[:, 1] = data test['Glucose'] / 199 # 포도당 부하 검사 값의
최댓값을 199 이라고 가정
data test np[:, 2] = data test['BloodPressure'] / 122 # 확장기 혈압 값의
최댓값을 122 이라고 가정
# 삼두근 피부 주름 두께, 혈청 인슐린, 체질량지수, 당뇨병 가족력 정규화
data test np[:, 3] = data test['SkinThickness'] / 99 # 삼두근 피부 주름
두께의 최댓값을 99 이라고 가정
data test np[:, 4] = data test['Insulin'] / 846 # 혈청 인슐린 값의
최댓값을 846 이라고 가정
data test np[:, 5] = data test['BMI'] / 67.1 # 체질량지수의 최댓값을
67.1 이라고 가정
```

```
data_test_np[:, 6] = data_test['DiabetesPedigreeFunction'] / 2.42 # 당뇨병 가족력의 최댓값을 2.42라고 가정

# 나이 정규화
data_test_np[:, 7] = data_test['Age'] / 81 # 나이의 최댓값을 81이라고 가정

# 목표 변수 처리
data_test_np_y = to_categorical(data_test['Outcome'])

# NaN 값 처리
data_test_np[np.isnan(data_test_np)] = 30 / 80

# 결과 확인
print("전처리된 테스트 데이터:")
print(data_test_np)
print("\n 전처리된 목표 변수:")
print(data_test_np_y)
```

#### #학습된 모델에 대한 예측 수행

```
o = model.predict(data_test_np)
print(o)
```

#### #출력값

#### [당뇨병이 아닐 확률, 당뇨병일 확률]

```
o = np.argmax(o,-1)
print(o)
```

# #출력값 1이 당뇨병으로 예측된 값

[	1 1	1 (	) (	) [	1 :	1 (	) [	1 1	1 (	) [	1 1	L (	) [	Lí	1 1	L (	) [	L (	) [	L (	) [	1 1	1 (	) [	1 1	L 1	L (	) (	) [	L 1	L 1	1	_ (	) (	
0	0	1		1			1					0		0						0		0	1	0	0		0	0			1		1		1
1		0	0	0			0			0	0	0			0		0			1			0		0	0	0	0			1	0	1	0	1
1	0	0		1	0		1				0	0						0		0			1	0			0	1		0	1	0	1		0
1	0	0	0	1		0	0		0	0		1	0		0				0	1			1		1			1		0	0		1		1
1		1	0	1			1		0			1			1			0		0			1		0	0		1	0		1		1		1
0	0	1	0	1			1			0		1	0	0	1	0	0			1			1		0	0		0	0		1	0	0		1
1		0	0	1			1	0				1			1					0		0	1	0	0	0		0			1		1		1
0	0	1	0	1		0	1		0	0	0	0			0			0		1			1	0			0	1			0		1		1
1	0	1		1	0		0	0		0	0	0							0	1			1			0		1	0		1		1		0
1		1		1	0		0		0			1	0	0	1		0	0					0					1		0	0		0		1
0		1	0	1			1			0		1		0	1	0	0		0	0			0		0	0	0	1			0		0	0	0
1		1		0			1			0	0	0			1	0	0		0	1	0	0	0			0		1	0		1		0		0
0		1		1			1		0	0		1						0	0				0		1		0	1			1	0	1		0
1		1		0			0	0			0	1	0		0		0	0		_		0	0	0	0		0	1	0		1		1	0	0
1		1		0	0		1					0		0	0	0				0			0	0	1	0	0	0		0	1		0	0	0
0	0	1	0	1		0	1		0			0		0	1	0				1	0	0	1					1			1		0	0	0
1		0		1		0	0	0	0			0		0	1			0	0	0		0	0	0				1			1		0	0	1
1	0	1_	0	1			0	0	0			1			1			0		0	0		1_			0		1_		0	1_	0	0		0
1	0	0	0	1	0		0					0		0	1		0			0		0	1	0		0	0	1		0	1		1	0	0
1		0		1			0					0	1	0	1	1	0	1	0	1	1	1	0	1	0	0	1	1	1	1	0	1	1	0	1
1		1		1			0	0				0]																						-	