

Informe HPC: práctica 5

José Javier Herranz Bañón

UM

Máster de Bioinformática 2022-2023

3.1. Explorando las posibilidades de Git y GitHub

En un primer intento, establecí un repositorio en mi propio ordenador de mesa. Con el trasteé para establecer ramas. Luego, como la práctica se debe realizar desde ibsen, hice lo propio en el ordenador del cluster. Inicialmente el nombre de la rama principal era master y, por no tener nombres con connotaciones, lo cambié a main. La configuración del nombre de usuario e email fueron un poco mas extendidas en el tiempo porque intenté usar el email interno que usan cuando no tienes habilitado que se usen tus correos, intentando exponer menos estos correos. Pero como no conseguí que funcionase, y tampoco era algo estrictamente necesario, al final le di permiso y acabé usando mi propio correo. Se usaron los comandos “git config –global user.name” y por otro lado “git config –global user.email”.

El resto de pasos se realizaron sin problemas y sin modificaciones.

3.2. Usando Git y GitHub de forma avanzada

El programa “file-cut” no actualiza los ficheros fastq sino que en los intentos de que esto ocurriese automáticamente se obtenían ficheros vacíos. Por ello, finalmente, se realizó la actualización a mano. Aunque el programa se llama “cut” he usado el comando “Split” pues dispone de opciones interesantes para el objetivo de la práctica.

En cuanto a la resolución de conflictos, inicialmente no obtenía el fichero con las dos versiones de ejemplo.txt pero resultó que simplemente me había saltado el paso de realizar el commit en el repositorio local.

Comentarios

Esta práctica nos pone en contacto con el sistema de control de versiones de GitHub y nos da una herramienta para el trabajo en equipo en el desarrollo de código. Nos permite controlar los cambios en diversos trabajos de una manera sistemática y automatizada. Además, el sistema de ramas con sus diversas opciones de fusión (fast forward, rebase y fusión estándar) nos permite adoptar varias estrategias de diseño. Además el uso de slurm y los Shell scripts permite repasar los laboratorios anteriores.