### Introdução à Análise de dados em FAE

(05/09/2024)

## Exercicios de estatística para análise de dados em HEP

Professores: Eliza Melo, Dilson Damião e Mauricio Thiel Name: Jorge Júlio Barreiros Venuto de Siqueira

### EXERCÍCIO 1

Para realizar o que é pedido no exercício 1, foi realizado o seguinte código em C:

```
Código em C
void exercicio_1() {
    RooRealVar x("x", "x", -10, 10);
    RooRealVar mean("mean", "mean", 0, -5, 5);
    RooRealVar sigma("sigma", "sigma", 1, 0.1, 5);
    RooRealVar alpha("alpha", "alpha", 1, 0.1, 5);
    RooRealVar n("n", "n", 1, 0, 10);
   RooCrystalBall cb("cb", "Crystal Ball PDF", x, mean, sigma, alpha, n);
   RooDataSet* data = cb.generate(x, 1000);
   RooFitResult* fitResult = cb.fitTo(*data, RooFit::Save());
   RooPlot* xframe = x.frame();
   data->plotOn(xframe);
    cb.plotOn(xframe);
   xframe->SetTitle("Ajuste da PDF Crystal Ball");
    xframe->GetXaxis()->SetTitle("x");
    xframe->GetYaxis()->SetTitle("Frequencia");
   TCanvas* c = new TCanvas("c", "Ajuste Crystal Ball", 800, 600);
    xframe->Draw();
   TLegend* legend = new TLegend(0.6, 0.7, 0.89, 0.89);
    legend->SetTextSize(0.07);
    legend->AddEntry(xframe->getObject(0), "Dados", "p");
    legend->AddEntry(xframe->getObject(1), "Ajuste", "1");
    legend->Draw();
    TLatex* latex = new TLatex();
    latex->SetNDC();
    latex->SetTextSize(0.05);
    double chi2 = xframe->chiSquare();
    int ndf = data->numEntries() - fitResult->floatParsFinal().getSize();
    latex->DrawLatex(0.14, 0.85, Form("Mean: %.3f #pm %.3f", mean.getVal(), mean.getError()));
    latex->DrawLatex(0.14, 0.8,
    Form("Sigma: %.3f #pm %.3f", sigma.getVal(), sigma.getError()));
    latex->DrawLatex(0.14, 0.75,
    Form("Alpha: %.3f #pm %.3f", alpha.getVal(), alpha.getError()));
    latex->DrawLatex(0.14, 0.7,
    Form("n: %.3f #pm %.3f", n.getVal(), n.getError()));
    latex->DrawLatex(0.14, 0.65,
    Form("#chi^{2}/ndf: %.2f/%d", chi2, ndf));
    c->SaveAs("fitCrystalBall.png"); // Salva o gráfico como PNG
}
```

Após isso, foi compilado utilizando o \*ROOT\*, com o comando

#### .x exercicio\_1.C

resultando no que foi pedido:

# Ajuste da PDF Crystal Ball

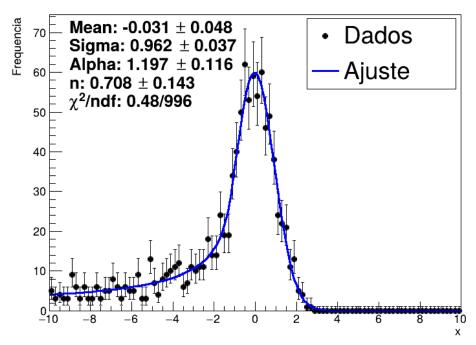


Figura 1: Resultado do exercício 1

Parâmetros da \*Crystal Ball\*:

- \*mean\*: Representa o valor médio (centro) da distribuição de massa para a ressonância, ou seja, a posição do pico. Para uma distribuição associada à ressonância J/, é esperado que o valor esteja próximo de 3.1  $GeV/c^2$ .
- \*sigma\*: É o desvio padrão da parte gaussiana da distribuição, controlando a largura do pico em torno do valor médio. Um \*sigma\* maior significa uma largura maior do pico.
- \*alfa\*: Controla a assimetria da distribuição na \*Crystal Ball\*. Para valores positivos, a cauda estará à direita (lado alto), enquanto valores negativos fazem a cauda se estender para a esquerda (lado baixo).
- \*n\*: Define o decaimento da cauda da distribuição. Valores mais altos de \*n\* tornam a transição da parte gaussiana para a cauda mais suave, enquanto valores menores tornam a transição mais brusca.

Seus resultados estão expressos no gráfico da Figura 3.

Além disso, também foi calculado o valor de \*chi²/ndf\*, que quanto mais próximo de 1, indica o quão bem o ajuste descreve a distribuição dos dados.

### EXERCÍCIO 2

```
Código em C
#include <iostream>
#include <RooRealVar.h>
#include <RooDataSet.h>
#include <RooExponential.h>
#include <RooFitResult.h>
#include <RooPlot.h>
#include <RooRandom.h>
#include <TCanvas.h>
#include <TLatex.h>
void exercicio_2() {
   RooRealVar x("x", "x", 0, 10);
    RooRealVar lambda("lambda", "decay constant", 1, 0.1, 2);
    RooExponential expDecay("expDecay", "Exponential Decay", x, lambda);
    RooDataSet* data = expDecay.generate(x, 1500);
    RooRealVar nEvents("nEvents", "Number of Events", 1500, 100, 5000);
    RooFitResult* fitResult = expDecay.fitTo(*data, RooFit::Save(), RooFit::Extended(kTRUE));
    RooPlot* xframe = x.frame();
    data->plotOn(xframe);
    expDecay.plotOn(xframe);
   xframe->GetXaxis()->SetTitle("x");
   xframe->GetYaxis()->SetTitle("Frequencia");
   TCanvas* c = new TCanvas("c", "Ajuste Exponencial", 800, 600);
   xframe->Draw();
   TLatex latex;
    latex.SetNDC();
    latex.SetTextSize(0.03);
    latex.DrawLatex(0.2, 0.8, Form("Ajuste de \\lambda: %.3f", lambda.getVal()));
    latex.DrawLatex(0.2, 0.75, Form("Total de Eventos Ajustados: %.0f", nEvents.getVal()));
    c->SaveAs("fitExponential.png");
    std::cout << "Valor ajustado para lambda: " << lambda.getVal() << std::endl;</pre>
    std::cout << "Número total de eventos ajustados: " << nEvents.getVal() << std::endl;
    double trueLambda = 1;
    double trueEvents = 1500;
    std::cout << "Valor gerado para lambda: " << trueLambda << std::endl;
    std::cout << "Número total de eventos gerados: " << trueEvents << std::endl;</pre>
    std::cout
}
```

Após isso, foi compilado utilizando o Root, com o comando:

```
.x exercicio_2.Cresultando o que foi pedido.Os resultados dos ajustes foram:
```

# A RooPlot of "x"

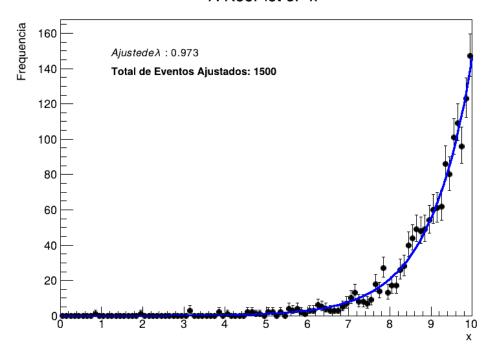


Figura 2: Resultado do exercício  $2\,$ 

- $\lambda = 0.97$
- $\bullet\,$  Número total de eventos ajustados = 1500

Pode-se afirmar que os valores ajustados estão dentro da expectativa, visto que  $\lambda < 1$ .

### EXERCICIO 3

Para realizar o exercício 3, primeiramente foi necessário baixar e entender como estavam dispostos os dados que seriam analizados.

Para isso, foi criado um código que iria identificar o conteúdo do arquivo.

```
Código em C para ler o arquivo

#include <iostream>
#include "TFile.h"

#include "TTree.h"

void listar_variaveis_v2() {
    TFile *file = TFile::Open("DataSet_lowstat.root");
    if (!file || file->IsZombie()) {
        std::cerr std::endl;
        return;
    }

    TTree *tree = (TTree*)file->Get("data");
    std::endl;
        return;
    }
    tree->Print();
    file->Close();
}
```

Feito isso, foi possível acessar o banco de dados e realizar o ajuste de uma crystalBall sobre os dados.

### Código em C

```
void exercicio_3() {
   TFile *file = TFile::Open("DataSet_lowstat.root");
   RooDataSet *data = (RooDataSet*)file->Get("data");
   RooRealVar mass("mass", "Massa [GeV/c^{2}]", 2, 5.5);
   RooRealVar mean("mean", "mean", 3.1, 2.8, 3.2);
   RooRealVar sigma("sigma", "sigma", 0.3, 0.0001, 1.);
   RooRealVar alfa("alfa", "alfa", 1.5, -5., 5.);
    RooRealVar n("n", "n", 1.5, 0.5, 5.);
    RooCBShape CB("CB", "CB", mass, mean, sigma, alfa, n);
    RooRealVar a1("a1", "a1", -0.7, -2., 2.);
    RooRealVar a2("a2", "a2", 0.3, -2., 2.);
    RooRealVar a3("a3", "a3", -0.03, -2., 2.);
    RooPolynomial background("background",
    "The background PDF", mass, RooArgList(a1, a2, a3));
    RooRealVar frac("frac", "frac", 0.5, 0.0, 1.0);
   RooAddPdf model("model", "Modelo Sinal + Fundo",
   RooArgList(CB, background), RooArgList(frac));
   RooFitResult *fitResult = model.fitTo(*data);
   RooPlot *frame = mass.frame();    data->plotOn(frame);
   model.plotOn(frame);
   model.paramOn(frame);
    double chi2 = frame->chiSquare();
    std::cout << "chi2 / ndf = " << chi2 << std::endl;
   TCanvas *c = new TCanvas("c", "Ajuste JPsi", 800, 600);
    frame->Draw();
   TLatex chi2Text;
                      chi2Text.SetNDC(); // Define para
    chi2Text.SetTextSize(0.03);
    chi2Text.DrawLatex(0.15, 0.85, Form("#chi^{2}/ndf = %.2f", chi2));
    c->SaveAs("fit_result.png");
   file->Close();
}
```

Após isso, foi compilado utilizando o Root, com o comando

#### .x exercicio\_3.C

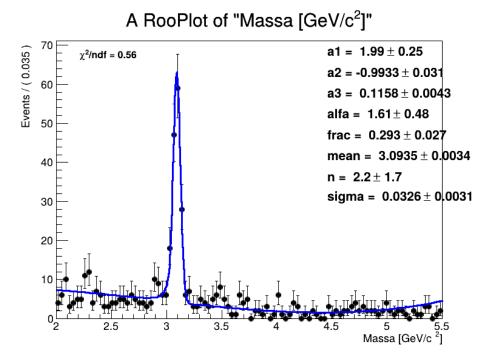


Figura 3: Resultado do exercício 3

Os parâmetros que foram ajustados:

### • Parâmetros da Crystal Ball:

- mean: Representa o valor médio (centro) da distribuição de massa para a ressonância, ou seja, a posição do pico. Para uma distribuição associada à ressonância  $J/\psi$ .
- sigma: É o desvio padrão da parte gaussiana da distribuição, controlando a largura do pico em torno do valor médio. Um sigma maior significa uma largura maior do pico.
- alfa: Controla a assimetria da distribuição na Crystal Ball. Para valores positivos, a cauda estará à direita (lado alto), enquanto valores negativos fazem a cauda se estender para a esquerda (lado baixo).
- n: Define o decaimento da cauda da distribuição. Valores mais altos de n tornam a transição da parte gaussiana para a cauda mais suave, enquanto valores menores tornam a transição mais brusca.

### • Parâmetros do Fundo (a1, a2, a3):

- a1, a2, a3: Estes são coeficientes de um polinômio de ordem 2, representado pela função RooPolynomial, que modela o fundo (ou background) da distribuição de massa.
- No código, a distribuição de fundo é uma função polinomial, o que significa que a1, a2, e a3 são os coeficientes que determinam a forma do fundo, capturando variações na distribuição de massa que não correspondem ao pico do sinal do  $J/\psi$ , mas que aparecem como ruído ou fundo subjacente.

#### frac:

frac é o parâmetro de fração que define a combinação entre o sinal (Crystal Ball) e o fundo (polinômio). Valores de frac entre 0 e 1 controlam a proporção de sinal e fundo, onde frac próximo de 1 indica predominância de sinal e valores próximos de 0 indicam predominância de fundo.

Segundo o Particle Data Group (PDG), o valor da massa invariante do  $J/\psi$  é dado por:

$$M_{J/\psi}^{\rm PDG} = 3,0969 \pm 0,006 \, {\rm GeV/c^2}.$$

No ajuste realizado, o valor da massa invariante do  $J/\psi$  obtido foi:

$$M_{J/\psi}^{
m ajuste} = 3,0935 \pm 0,0034 \, {\rm GeV/c}^2.$$

Para avaliar a compatibilidade entre esses valores, calcula-se o parâmetro de compatibilidade C da seguinte forma:

$$C = \frac{|3,0969 - 3,0935|}{\sqrt{(0,006)^2 + (0,0034)^2}} = 0,27 \, \sigma.$$

Esse resultado indica que o valor da massa invariante determinado pelo ajuste é compatível com o valor do PDG, uma vez que o valor de compatibilidade,  $0.27\,\sigma$ , é menor que  $2\,\sigma$ . Assim, nosso ajuste para a massa do  $J/\psi$  está em excelente concordância com o valor de referência, reforçando a precisão do modelo utilizado.